

## E2F1 KO 0h Up

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P.Value
1110007M04Rik	68493	mAA2307	0,245	2,66E-03
1700020I14Rik	66602	mAA0766	0,223	5,06E-03
1700034H14Rik	67105	mAB4202	0,293	6,79E-03
1810027O10Rik	69186	mAB4893	0,313	6,50E-03
2610204K14Rik	67148	mAA0100	0,252	5,73E-03
2810457I06Rik	72828	mAB5101	0,503	3,51E-05
2900097C17Rik	347740	mAA3059	0,333	1,37E-03
4632427E13Rik	666737	mAA8133	0,570	1,89E-05
4930430F08Rik	68281	mAB2045	0,329	1,74E-03
6230416J20Rik	230376	mAA3205	0,278	6,30E-03
9230105E10Rik	319236	mAA2038	0,239	2,17E-03
9430016H08Rik	68115	mAA0172	0,420	3,81E-04
Acad11	102632	mAB2790	0,222	7,04E-03
Acpl2	235534	mAA5264	0,450	1,80E-05
Alox5ap	11690	mAB1219	0,430	1,09E-03
Anxa1	16952	mAA0756	0,360	9,80E-04
Anxa3	11745	mAA8812	0,210	3,61E-03
Ap1s2	108012	mAA8950	0,257	3,22E-03
App	11820	mAB1828	0,489	1,21E-04
Arl4a	11861	mAA7759	0,257	8,00E-03
Arl5a	75423	mAA2381	0,242	1,09E-03
Armcx3	71703	mAB1464	0,289	1,31E-03
Atp1a1	11928	mAA2316	0,297	5,70E-03
Atp6v1a	11964	mAA6097	0,284	3,82E-03
Atrx	22589	mAA2592	0,322	3,19E-03
Bmpr1a	12166	mAB0062	0,374	6,85E-03
Brms1l	52592	mAA4844	0,260	8,28E-03
C1galt1	94192	mAA9878	0,238	8,00E-03
C1galt1c1	59048	mAA2644	0,307	9,22E-03
Caskin2	140721	mAA1519	0,501	1,94E-03
Cbx3	12417	mAA2168	0,254	6,65E-03
Cbx7	52609	mAA4920	0,257	2,02E-03
Cdc2a	12534	mAA2259	0,233	8,51E-03
Cdkl2	53886	mAA9394	0,213	7,09E-03
Cks1b	54124	mAB0667	0,275	1,40E-03
Clasp2	76499	mAB0052	0,463	4,50E-03
Cln3	12752	mAB4222	0,305	2,02E-03
Clu	12759	mAB0275	0,339	4,71E-03
Cox7c	12867	mAA1237	0,251	1,71E-03
Crip1	12925	mAB0347	0,414	3,61E-03
Crry	12946	mAA1604	0,237	4,72E-03
Ctla2b	13025	mAA2056	0,449	1,29E-04
Ctnna1	12385	mAA1687	0,282	4,33E-03
Ctsl	13039	mAA2655	0,403	7,88E-03
Cttnbp2	30785	mAA9298	0,332	1,84E-03
D14Ertd436e	218978	mAA7730	0,370	3,19E-03
D830007B15Rik	330096	mAB1364	0,606	6,83E-06
Dcbld1	66686	mAB5059	0,239	3,19E-03
Dnajc2	22791	mAA4658	0,268	4,23E-03
Dnmbp	71972	mAA4815	0,209	4,11E-03
Dock9	105445	mAA0627	0,309	7,44E-04

Dynlt3	67117	mAB5109	0,380	1,94E-03
Ecd	70601	mAA1367	0,361	1,28E-03
Echdc1	52665	mAA8134	0,226	2,87E-03
Eif2s2	67204	mAA4375	0,227	4,47E-03
Eif3j	78655	mAA1652	0,316	8,05E-03
Emr4	52614	mAA5369	0,490	7,10E-04
Fadd	14082	mAA9067	0,251	2,70E-03
Fastkd5	380601	mAB0989	0,215	5,69E-03
Frag1	233575	mAA1204	0,237	1,58E-03
Gbas	14467	mAA6749	0,300	8,98E-03
Glo1	109801	mAA1118	0,651	2,32E-05
Gphn	268566	mAA0010	0,227	9,15E-03
Gtpbp8	66067	mAA1271	0,310	1,09E-03
Hdgfrp3	29877	mAB3108	0,717	8,97E-06
Hmgb1	15289	mAA5655	0,205	6,85E-03
Ifi30	65972	mAA3814	0,369	7,60E-04
Igh-6	16019	mAA9887	1,012	6,85E-04
Impad1	242291	mAA2533	0,206	8,87E-03
Itgb1	16412	mAB2861	0,273	9,01E-04
Jagn1	67767	mAA9739	0,213	1,93E-03
Kctd12	239217	mAA1726	0,295	5,00E-03
Klf4	16600	mAA1356	0,874	1,75E-04
Klhl24	75785	mAB4513	0,353	3,51E-03
Lage3	66192	mAA3860	0,225	6,30E-03
Lars	107045	mAA2427	0,239	8,90E-03
Lgals1	16852	mAA0808	0,446	9,63E-03
Lrrc40	67144	mAA2559	0,299	2,80E-04
Lysmd2	70082	mAA0786	0,251	8,17E-03
Mccc1	72039	mAA9993	0,455	1,68E-03
Mdm1	17245	mAA9622	0,278	2,66E-03
Med10	28077	mAA5176	0,209	3,23E-03
Med6	69792	mAA7339	0,268	1,70E-03
Mfsd1	66868	mAA2399	0,249	6,39E-03
Mga	29808	mAB4056	0,441	1,65E-03
Mtf2	17765	mAA3171	0,231	6,65E-03
Narg1	74838	mAA4687	0,255	1,88E-03
Ndg1	368204	mAA5682	0,200	7,45E-03
Ndufa12	66414	mAB0770	0,318	6,11E-04
Ndufc2	68197	mAA2716	0,311	2,19E-03
Net1	56349	mAA8252	0,232	8,44E-03
Nkiras1	69721	mAB0815	0,210	6,34E-03
Nol11	68979	mAA1106	0,250	5,97E-03
Nr1d2	353187	mAB3018	0,276	8,89E-04
Nrp1	18186	mAB1693	0,352	5,18E-04
Orc6l	56452	mAB2917	0,238	2,12E-03
Pafah1b2	18475	mAA8765	0,281	2,90E-04
Pdcl3	68833	mAB1725	0,205	3,36E-03
Pde8a	18584	mAA5483	0,259	1,72E-03
Pdk1	228026	mAA2681	0,473	1,30E-05
Pik3c2g	18705	mAA4420	0,202	5,34E-03
Pla2g7	27226	mAB2019	0,346	6,45E-03
Plaur	18793	mAA3177	0,458	3,34E-03
Pnpla8	67452	mAB3799	0,228	8,27E-03

Polr3f	70408	mAA0878	0,341	8,91E-03
Ppic	19038	mAA2685	0,579	2,26E-04
Pqlc1	66943	mAA3961	0,275	2,75E-04
Prkra	23992	mAA2275	0,265	3,34E-03
Prl3b1	18776	mAA4335	0,299	5,37E-03
Ptp4a2	19244	mAA0354	0,300	3,77E-04
Pttg1	30939	mAA6961	0,279	1,90E-03
Rab2	59021	mAA1535	0,248	6,21E-03
Rab32	67844	mAA5859	0,412	2,56E-03
Rab6	19346	mAB2533	0,777	2,95E-04
Rad23b	19359	mAA9716	0,363	7,10E-04
Ralgds	19730	mAB1575	0,323	3,85E-03
Rfpl4	192658	mAA6258	0,313	1,70E-03
Rgs2	19735	mAA5003	0,270	1,23E-03
Ryk	20187	mAA2483	0,257	5,47E-03
S100a6	20200	mAA8348	0,436	1,63E-04
S100a9	20202	mAB0962	0,466	2,77E-03
Sec22b	20333	mAA1119	0,285	5,38E-03
Serpinb1a	66222	mAB1478	0,313	5,95E-03
Sf3b1	81898	mAB4472	0,268	2,46E-03
Slbp	20492	mAB0752	0,247	2,34E-03
Slc30a9	109108	mAB2897	0,259	4,00E-03
Slc35b1	110172	mAA1750	0,204	6,19E-03
Smc6	67241	mAA6083	0,402	1,09E-03
Snn	20621	mAB1057	0,273	1,41E-03
Snx5	69178	mAA4663	0,407	1,27E-04
Spag5	54141	mAA9327	0,249	5,80E-03
Srrm2	75956	mAA0173	0,446	1,64E-04
Stch	110920	mAB2945	0,417	1,28E-03
Sypl	19027	mAB2489	0,347	2,12E-03
Taok1	216965	mAA9486	0,227	8,62E-03
Tbc1d8	54610	mAB3190	0,292	1,01E-03
Tex9	21778	mAA2431	0,422	3,45E-03
Timm8a1	30058	mAA0748	0,219	2,56E-03
Timm8b	30057	mAA4565	0,347	5,26E-04
Timp2	21858	mAB4624	0,247	8,15E-03
Tmc5	74424	mAA9163	0,572	3,74E-04
Tmem48	72787	mAA2138	0,321	8,84E-03
Tmem93	66048	mAA0945	0,259	6,85E-03
Tmod3	50875	mAA1637	0,223	8,15E-03
Trim34	94094	mAA9290	0,989	9,68E-07
Trps1	83925	mAA7335	0,340	3,41E-03
Tsen2	381802	mAA9051	0,209	3,52E-03
Ube2v2	70620	mAA0545	0,372	1,84E-03
Umodl1	52020	mAA5834	0,338	6,11E-04
Usp14	59025	mAA2725	0,233	2,74E-03
Usp47	74996	mAA8962	0,204	7,74E-03
Vrk1	22367	mAB4979	0,202	7,94E-03
Xlr3c	22446	mAA5724	0,493	5,51E-06
Zfand2a	100494	mAA0058	0,222	3,04E-03
Zfand6	65098	mAB2043	0,315	1,93E-03
Zfp131	72465	mAB3707	0,300	1,93E-03

---

## E2F2 KO 0h Up

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P.Value
0610009O03Rik	68294	mAA0903	0,240	8,95E-03
0610038F07Rik	66072	mAB1138	0,245	6,51E-03
1700020I14Rik	66602	mAA0766	0,302	7,54E-04
1700034H14Rik	67105	mAB4202	0,273	4,82E-03
1810027O10Rik	69186	mAB4893	0,323	2,51E-03
1810035L17Rik	380773	mAB0727	0,232	7,21E-03
1810054D07Rik	69863	mAA3260	0,218	9,04E-03
1810074P20Rik	67490	mAB1594	0,370	1,17E-03
2410002O22Rik	66975	mAA2709	0,236	8,80E-03
2410017P09Rik	69709	mAA0500	0,248	8,89E-03
2510006D16Rik	76799	mAA1879	0,234	1,10E-03
2610001J05Rik	66520	mAB2029	0,272	1,24E-03
2610305D13Rik	112422	mAA3470	0,627	9,49E-03
2810417H13Rik	68026	mAA0104	0,417	3,20E-04
2810439F02Rik	72747	mAA6538	0,373	7,21E-04
2900097C17Rik	347740	mAA3059	0,381	1,50E-03
4432416J03Rik	78252	mAB4087	0,374	3,06E-04
4933439C20Rik	66776	mAB4003	0,378	1,90E-03
5730469M10Rik	70564	mAA9279	0,205	3,61E-03
5730536A07Rik	68250	mAA2462	0,217	7,76E-03
5730557B15Rik	67434	mAA3564	0,290	2,08E-04
6230416J20Rik	230376	mAA3205	0,336	8,96E-04
6330409N04Rik	66674	mAA7205	0,479	2,19E-04
A530040E14Rik	621875	mAA9916	0,550	3,31E-04
Acox1	11430	mAA1643	0,272	6,39E-04
Acsl1	14081	mAB3239	0,263	2,30E-03
Acsl4	50790	mAA7691	0,306	1,91E-03
Adipor2	68465	mAB3074	0,330	1,83E-04
Agpat5	52123	mAA2964	0,200	9,31E-03
Ahctf1	226747	mAA1752	0,226	1,40E-03
Akap1	11640	mAA5019	0,336	7,27E-04
Akap2	11641	mAA8579	0,312	3,00E-03
Als2	74018	mAB4913	0,283	1,47E-03
Anxa1	16952	mAA0756	0,494	5,00E-05
Anxa2	12306	mAB2026	0,382	2,29E-04
Anxa3	11745	mAA8812	0,276	2,92E-04
Ap3s2	11778	mAA1407	0,225	2,21E-03
Apc	11789	mAA7964	0,215	9,83E-03
Apex1	11792	mAA0636	0,252	4,80E-03
Apitd1	69928	mAA9547	0,536	2,55E-03
Arhgap26	71302	mAA8789	0,218	2,57E-03
Arl6	56297	mAA5011	0,237	4,14E-03
Armcx3	71703	mAB1464	0,228	2,55E-03
Armet	74840	mAA0773	0,284	1,57E-03
Arpp19	59046	mAB5215	0,248	8,58E-04
Asah2	54447	mAB0740	0,376	7,06E-03
Atp9a	11981	mAB4584	0,343	3,96E-03
Atrx	22589	mAA7513	0,435	5,25E-04

Aurka	20878	mAA1213	0,278	7,54E-04
AW112037	98667	mAB2670	0,404	6,81E-04
AW215868	104611	mAA7544	0,517	2,75E-03
AW550831	98715	mAB1949	0,204	1,78E-03
B3galnt2	97884	mAB0636	0,210	2,58E-03
BC087945	432940	mAB2238	0,215	6,87E-03
Blm	12144	mAA1530	0,353	1,24E-03
Blnk	17060	mAA5446	0,363	4,74E-03
Bmpr1a	12166	mAB0062	0,344	5,27E-03
Btrc	12234	mAA3937	0,415	6,52E-05
Bub1	12235	mAB2460	0,501	7,21E-03
Bxdc1	67239	mAA9487	0,217	2,87E-03
C1galt1	94192	mAA9878	0,244	3,34E-03
C330027C09Rik	224171	mAA7249	0,448	1,02E-03
C77096	97131	mAA3348	0,426	2,49E-04
C79015	97715	mAA3977	0,220	5,93E-03
C85181	97613	mAA4778	0,369	2,18E-04
Calu	12321	mAB4797	0,221	5,82E-03
Canx	12330	mAA7727	0,231	6,48E-03
Cap1	12331	mAA1203	0,686	4,84E-07
Casp3	12367	mAA8387	0,359	8,04E-05
Ccdc104	216618	mAB4426	0,235	6,41E-03
Ccdc99	70385	mAA0122	0,367	9,51E-04
Ccna2	12428	mAB1768	0,330	1,88E-03
Ccnb1	268697	mAB2006	0,401	6,12E-03
Ccng1	12450	mAA7382	0,247	9,69E-04
Cdc27	217232	mAA7917	0,366	4,52E-03
Cdc2a	12534	mAA2259	0,450	5,98E-04
Cdc6	23834	mAA0733	0,618	2,73E-05
Cdca2	108912	mAA2487	0,313	4,15E-04
Cdca5	67849	mAA6573	0,279	3,20E-04
Cdca7	66953	mAA2410	0,651	1,14E-06
Cdca7l	217946	mAA8321	0,253	8,39E-03
Cdca8	52276	mAA2424	0,245	5,40E-03
Cdk4	12567	mAB0237	0,237	7,00E-04
Cdt1	67177	mAA2085	0,356	7,78E-03
Cebpg	12611	mAA5990	0,261	5,51E-03
Cenph	26886	mAA9700	0,563	6,21E-06
Cenpn	72155	mAA1949	0,310	4,79E-04
Cep55	74107	mAA5072	0,229	8,36E-03
Chchd4	72170	mAA2004	0,298	2,36E-03
Chek1	12649	mAA3955	0,577	1,39E-04
Chst11	58250	mAB2159	0,282	2,84E-03
Cks1b	54124	mAB0667	0,424	3,20E-05
Cln3	12752	mAB4222	0,259	2,38E-03
Clstn1	65945	mAA2741	0,489	9,81E-04
Cltc	67300	mAA1284	0,328	6,73E-03
Clu	12759	mAB0275	0,416	5,95E-04
Cnot1	234594	mAA5095	0,244	4,74E-03
Cnot8	69125	mAB2939	0,220	2,70E-03
Col5a3	53867	mAA0885	1,844	7,60E-06
Cops2	12848	mAA0549	0,308	4,42E-03
Csda	56449	mAB2614	0,355	3,38E-04

Ctla2b	13025	mAA2056	1,326	2,00E-08
Ctsh	13036	mAA2686	0,208	4,39E-03
Cttnbp2	30785	mAA9298	0,290	1,82E-03
Cul4b	72584	mAA4052	0,218	1,87E-03
Cyb5r4	266690	mAA8936	0,300	1,88E-03
Cycs	13063	mAA3000	0,204	9,59E-03
D16Bwg1543e	52910	mAA1606	0,368	4,06E-03
D17H6S56E-5	110956	mAB1311	0,290	3,51E-04
D6Mit97	110963	mAA5247	0,656	1,29E-03
D6Wsu163e	28040	mAA7912	0,315	2,48E-03
D830007B15Rik	330096	mAB1364	0,256	2,34E-03
Dcbld1	66686	mAB5059	0,230	4,40E-03
Dcp1a	75901	mAA2108	0,346	3,82E-03
Ddx3x	13205	mAA1702	0,306	1,38E-03
Dhfr	13361	mAA2738	0,767	1,52E-05
Dhrs3	20148	mAB1571	1,175	1,48E-06
Dlg7	218977	mAA5732	0,260	8,57E-03
Dock9	105445	mAA0627	0,545	2,66E-05
Dppa1	347708	mAA3554	0,341	3,55E-03
Dsn1	66934	mAB2504	0,368	9,04E-03
Dtd1	66044	mAB3178	0,394	1,72E-03
Dtl	76843	mAA8258	0,687	9,64E-03
Dtymk	21915	mAB0955	0,372	8,43E-04
Dynlt3	67117	mAB5109	0,294	4,03E-03
Ecd	70601	mAA1367	0,277	2,88E-03
Echdc1	52665	mAA8134	0,239	8,86E-04
Echdc2	52430	mAA7627	0,415	4,27E-05
Eif1a	13664	mAA0739	0,300	1,34E-03
Eif2a	229317	mAA0984	0,266	1,67E-03
Eif2s2	67204	mAA3711	0,202	3,73E-03
Eif2s3y	26908	mAA7581	0,218	4,08E-04
Eif3j	78655	mAA1539	0,294	1,15E-04
Eif4a1	13681	mAA0596	0,217	2,03E-03
Eif4e	13684	mAA1064	0,261	3,82E-03
Eif4g2	13690	mAB0809	0,549	3,53E-05
Eif5	217869	mAA3021	0,269	2,56E-04
Endod1	71946	mAA4831	0,292	2,23E-03
Entpd1	12495	mAA1707	0,243	5,99E-03
Eomes	13813	mAA3397	0,638	1,11E-05
Errfi1	74155	mAA1027	0,292	5,31E-03
Etf1	225363	mAA8297	0,272	2,81E-03
Etnk1	75320	mAA4563	0,219	3,83E-03
Exosc1	66583	mAA1788	0,235	7,88E-03
Ezh2	14056	mAB3456	0,300	8,86E-03
F3	14066	mAA1321	0,292	1,93E-04
Fancl	67030	mAB3267	0,239	4,17E-04
Farsb	23874	mAA1613	0,260	4,76E-03
Fastkd3	69577	mAA2745	0,331	6,26E-04
Fbxo3	57443	mAA9995	0,360	5,68E-04
Fbxo6	50762	mAA1155	0,259	1,74E-03
Fcf1	73736	mAA2234	0,232	7,39E-03
Fen1	14156	mAA0783	0,370	2,11E-03
Figl1	60530	mAA2301	0,513	3,17E-04

Flnb	286940	mAA1937	0,753	4,69E-03
Galm	319625	mAA9326	0,220	2,66E-03
Gga2	74105	mAB4270	0,333	2,29E-04
Gins4	109145	mAA1256	0,283	9,02E-03
Glo1	109801	mAB3752	0,219	9,11E-03
Glrx	93692	mAA2795	0,530	1,36E-04
Gmnn	57441	mAB0780	0,630	1,02E-03
Gnl3	30877	mAA8841	0,241	1,74E-03
Gnptab	432486	mAB1416	0,377	3,36E-03
Golga4	54214	mAA3460	0,275	5,38E-03
Golt1b	66964	mAA1998	0,224	2,08E-03
Gpsm2	76123	mAA0581	0,238	4,98E-03
Gsto1	14873	mAA9077	0,501	3,89E-03
Gtf2f2	68705	mAB2259	0,232	6,65E-03
Guf1	231279	mAA0020	0,282	6,85E-03
Gusb	110006	mAA1365	0,207	4,15E-03
Gzmm	16904	mAA6990	0,756	2,86E-04
H2-DMa	14998	mAB0418	0,267	5,34E-03
H2-Eb1	14969	mAA0738	0,210	4,00E-03
Havcr1	171283	mAA9641	0,413	3,24E-03
Hbs1l	56422	mAA1166	0,220	3,46E-03
Hdac1	433759	mAB0906	0,306	7,73E-04
Hdgfrp3	29877	mAB3108	0,304	2,74E-03
Hdlbp	110611	mAA1835	0,340	6,04E-04
Hells	15201	mAB3766	0,440	3,55E-03
Hiat1l	66631	mAA0882	0,223	9,01E-03
Hmgb1	15289	mAB3887	0,283	1,27E-03
Hmgb2	97165	mAB0769	0,286	1,49E-03
Hmgn2	15331	mAA2995	0,405	7,88E-03
Hrasls3	225845	mAA3834	0,222	2,01E-03
Hsp90aa1	15519	mAA2184	0,280	5,61E-04
Hspa14	50497	mAA2359	0,260	3,88E-04
Idh3a	67834	mAA4662	0,248	6,32E-03
Ifi30	65972	mAA3814	0,268	2,62E-03
Ift74	67694	mAA0384	0,223	4,39E-03
Igh-6	16019	mAA9887	1,977	2,71E-06
Igtp	16145	mAB5013	0,232	3,31E-03
Incenp	16319	mAA0221	0,354	4,67E-04
Ipo7	233726	mAA0977	0,261	1,02E-03
Itgb1	16412	mAB2861	0,685	5,36E-07
Kctd12	239217	mAA1726	0,426	2,16E-04
Kdelc1	72050	mAA5720	0,422	5,94E-03
Kif1b	16561	mAB4438	0,537	6,23E-05
Klf4	16600	mAA1356	0,462	7,68E-03
KIhl24	75785	mAB4513	0,289	5,23E-03
KIhl5	71778	mAB2619	0,275	6,21E-03
Kpna2	16647	mAA4040	0,324	1,26E-03
L3mbtl3	237339	mAA6979	0,338	6,76E-05
I7Rn6	67669	mAA0046	0,207	2,44E-03
Larp4	207214	mAA1563	0,276	5,14E-03
Larp7	28036	mAA2963	0,359	2,70E-03
Lass6	241447	mAA1814	0,391	6,58E-03
Lcor	212391	mAA1628	0,241	1,19E-03

Ldlr	16835	mAA1275	0,371	9,69E-03
Lig1	16881	mAA3429	0,406	1,34E-03
Lima1	65970	mAB4620	0,266	1,31E-03
Lman1	70361	mAA9600	0,236	2,20E-03
Lmnb1	16906	mAA0764	0,264	7,41E-04
LOC100040471	100040471	mAA3029	0,261	5,49E-03
LOC100040531	100040531	mAB1908	0,678	3,12E-05
LOC100042211	100042211	mAA2833	0,220	3,73E-03
LOC381508	381508	mAB1724	0,437	4,89E-03
LOC433368	433368	mAA0393	0,438	7,70E-06
Lrrc40	67144	mAA2559	0,438	8,50E-06
Ltf	17002	mAA8267	0,311	4,96E-04
Lysmd2	70082	mAA0786	0,656	6,21E-06
Mad2l1	56150	mAA5572	0,394	1,61E-03
Mcm10	70024	mAA4808	0,397	3,74E-05
Mcm2	17216	mAB3142	0,693	9,99E-04
Mcm3	17215	mAA2486	0,449	1,95E-04
Mcm5	17218	mAA2280	0,456	7,04E-03
Mcm6	17219	mAB3951	0,700	8,75E-06
Mcm7	17220	mAB3204	0,415	1,86E-04
Mdh1	17449	mAA5620	0,245	1,42E-03
Mdm1	17245	mAA9622	0,249	2,27E-03
Mesdc2	67943	mAA2996	0,210	2,00E-03
Mfsd1	66868	mAA2399	0,271	6,71E-04
Mga	29808	mAB4056	0,475	4,35E-04
Mki67	17345	mAA2346	0,312	6,94E-03
Mphosph8	75339	mAB4471	0,234	5,68E-03
Mrpl13	68537	mAA2787	0,254	8,40E-03
Msh6	17688	mAB1811	0,255	8,16E-03
Msl31	17692	mAB3959	0,310	8,76E-03
Mtap	66902	mAB3706	0,209	3,24E-03
Mtbp	105837	mAB2103	0,277	4,73E-03
Mtch2	56428	mAA0844	0,233	2,18E-03
Mtf2	17765	mAA4566	0,352	7,54E-04
Mtmr4	170749	mAA1808	0,255	8,07E-03
Nap1l1	53605	mAA1609	0,249	1,88E-03
Narg1	74838	mAA2166	0,361	4,49E-03
Narg1l	66897	mAA9717	0,271	1,02E-03
Nasp	50927	mAA9806	0,329	4,52E-03
Nat5	67877	mAA1815	0,314	2,56E-04
Ncapd2	68298	mAB1578	0,361	9,61E-03
Ndc80	67052	mAA3626	0,291	6,57E-03
Ndufa12	66414	mAB0770	0,354	1,41E-04
Ndufaf1	69702	mAA0800	0,341	4,10E-04
Ndufc2	68197	mAA2716	0,257	3,24E-03
Nedd1	17997	mAA2137	0,266	8,80E-03
Nek2	18005	mAA3334	0,437	1,70E-05
Nol11	68979	mAA1106	0,223	1,34E-03
Nolc1	70769	mAB0086	0,216	2,44E-03
Nppb	18158	mAA1278	0,264	8,06E-03
Nrp1	18186	mAB1693	0,258	1,74E-03
Nudcd1	67429	mAA0248	0,346	2,79E-03
Nudt5	53893	mAB2328	0,244	2,59E-04



Nuf2	66977	mAA9677	0,282	3,73E-03
Nup37	69736	mAA6347	0,216	9,51E-03
Nus1	52014	mAA0712	0,256	5,35E-03
Nutf2	68051	mAA2013	0,214	1,23E-03
Odc1	18263	mAA2656	0,379	5,40E-03
Ola1	67059	mAA2003	0,311	2,09E-03
Opa1	74143	mAB4138	0,350	3,54E-03
Orc2l	18393	mAA1463	0,268	8,90E-03
Orc6l	56452	mAB2917	0,354	1,98E-04
OTTMUSG00000010657	666532	mAA2450	0,297	3,73E-03
Oxr1	170719	mAB2744	0,537	2,20E-04
Pafah1b2	18475	mAA8765	0,221	6,88E-04
Parp1	11545	mAB0590	0,242	3,57E-03
Parp12	243771	mAA5733	0,215	6,45E-03
Pbef1	59027	mAA8074	0,229	9,61E-03
Pbk	52033	mAA0824	0,448	4,10E-04
Pcca	110821	mAA4182	0,231	5,87E-03
Pcf11	74737	mAA3576	0,230	2,32E-03
Pcna	18538	mAA1991	0,355	7,50E-03
Pdcl3	68833	mAB1725	0,247	4,57E-04
Pdia3	14827	mAA9235	0,284	2,88E-04
Pdia6	71853	mAB3409	0,404	3,81E-04
Pdk1	228026	mAA2681	0,335	9,11E-03
Pdlim1	54132	mAA1402	0,416	2,66E-05
Pfkfb3	170768	mAA7791	0,221	1,64E-03
Pgam1	18648	mAA2235	0,254	6,15E-03
Pgm2	72157	mAB3179	0,343	3,82E-03
Phip	83946	mAA1072	0,433	5,54E-03
Pisd	320951	mAA2642	0,470	2,43E-04
Pitpna	18738	mAA1219	0,243	7,92E-03
Plekha7	233765	mAA0476	0,550	1,59E-05
Plk1	18817	mAA2508	0,212	7,21E-03
Plk4	20873	mAA3097	0,306	5,67E-04
Pnpla8	67452	mAB3799	0,200	8,15E-03
Polr3h	78929	mAB5220	0,250	9,55E-03
Polr3k	67005	mAA7963	0,324	9,93E-04
Pop1	67724	mAA0550	0,213	8,89E-03
Ppa1	67895	mAA0965	0,270	9,61E-03
Ppp3ca	19055	mAB4119	0,201	6,83E-03
Ppp5c	19060	mAB5156	0,230	6,05E-03
Prdx4	53381	mAB3917	0,301	1,82E-03
Prep	19072	mAA0134	0,283	9,67E-03
Prim1	19075	mAB2571	0,548	1,23E-03
Prpf40a	56194	mAA0775	0,270	1,68E-03
Prr13	66151	mAA5686	0,269	8,89E-04
Psat1	107272	mAA9096	0,346	3,92E-04
Psma2	19166	mAB1674	0,243	2,96E-04
Psmb2	26445	mAA1420	0,261	2,09E-03
Psph	100678	mAB3256	0,237	7,94E-03
Ptp4a2	19244	mAA1026	0,308	1,33E-03
Ptprg	19270	mAB1696	0,258	9,89E-03
Pvrl1	58235	mAB1530	0,362	4,99E-03
Pxmp3	19302	mAB3676	0,261	4,68E-04

Rab30	75985	mAA8578	0,557	2,48E-05
Rad23b	19359	mAA9716	0,553	1,70E-05
Rad50	19360	mAB1385	0,311	4,73E-03
Rad51	19361	mAB1078	0,687	3,61E-06
Rad54l	19366	mAA2752	0,365	5,58E-05
Ralgps2	78255	mAA2331	0,248	5,71E-04
Ranbp5	70572	mAA2452	0,319	8,60E-03
Rbbp7	245688	mAA9740	0,217	4,13E-03
Rbm3	19652	mAA0927	0,311	3,03E-04
Rbx1	56438	mAA2845	0,245	6,56E-03
Rcbtb2	105670	mAB2106	0,760	5,14E-05
Rnaseh2b	67153	mAB2634	0,203	3,26E-03
Rpa2	19891	mAA0484	0,431	5,26E-03
Rpp14	67053	mAA0709	0,354	3,52E-04
Rps15a	267019	mAA2638	0,354	3,27E-03
Rrm1	20133	mAA2143	0,431	9,00E-04
Rrm2	20135	mAA0253	0,212	3,17E-03
Rsu1	20163	mAA2006	0,393	4,82E-03
Rtf1	76246	mAA9451	0,273	1,79E-03
Ryk	20187	mAA2483	0,272	4,11E-03
S100a6	20200	mAA8348	0,374	2,49E-04
Scd2	20250	mAA2318	0,200	8,40E-03
Sept11	52398	mAA7878	0,242	2,62E-03
Serinc3	26943	mAB2900	0,913	5,58E-05
Serpina3g	20715	mAA4967	0,345	1,38E-04
Serpinb1a	66222	mAB1478	0,297	3,67E-03
Sf3b3	101943	mAA2762	0,220	8,17E-03
Sfrs1	110809	mAA9973	0,246	3,59E-03
Sfxn1	14057	mAA9003	0,256	5,80E-04
Sfxn2	94279	mAA4219	0,339	2,41E-04
Sgol1	72415	mAA0506	0,493	4,71E-05
Shcbp1	20419	mAA5419	0,481	8,16E-03
Shmt1	20425	mAA2273	0,238	4,78E-03
Slbp	20492	mAA1489	0,269	4,38E-03
Slc12a2	20496	mAA7534	0,284	1,08E-03
Slc1a5	20514	mAA8723	0,865	3,20E-04
Slc28a2	269346	mAA1283	0,373	5,50E-04
Slc31a1	20529	mAA2834	0,232	2,21E-03
Slc45a4	106068	mAB2464	0,202	6,51E-03
Slk	20874	mAB2055	0,257	3,82E-03
Smc2	14211	mAA1988	0,447	3,95E-03
Smc4	70099	mAB2652	0,237	3,69E-03
Snn	20621	mAB1057	0,351	1,20E-04
Snx10	71982	mAA1889	0,384	9,00E-04
Snx2	67804	mAB2105	0,361	3,14E-05
Snx5	69178	mAA4663	0,565	6,42E-06
Sorbs1	20411	mAB0887	0,265	2,37E-03
Sp110	109032	mAA8222	0,574	6,19E-05
Spag5	54141	mAA9327	0,227	4,56E-03
Spag9	70834	mAB4965	0,336	2,08E-04
Sqle	20775	mAA1911	0,481	2,01E-04
Srfbp1	67222	mAB2414	0,203	3,33E-03
St3gal6	54613	mAB2480	0,382	1,36E-04

St6gal1	20440	mAB4497	0,260	3,27E-03
Stch	110920	mAB2945	0,371	1,16E-03
Stt3a	16430	mAA2139	0,302	5,48E-03
Stx12	100226	mAA0672	0,232	6,61E-03
Stx3	20908	mAB2352	0,284	8,84E-04
Sub1	20024	mAB3227	0,223	9,15E-03
Sypl	19027	mAB2489	0,440	2,01E-04
Tacc3	21335	mAA6533	0,333	8,18E-03
Tada1l	27878	mAA4110	0,248	8,45E-03
Taf7l	74469	mAB4734	0,247	8,07E-03
Taf9	108143	mAA2495	0,303	4,31E-04
Taok1	216965	mAA9486	0,216	5,55E-03
Tgfbr1	21812	mAA8675	0,302	1,08E-03
Tgs1	116940	mAA8295	0,275	2,93E-03
Timeless	21853	mAA2027	0,210	8,15E-03
Timm17a	21854	mAA1046	0,215	2,38E-03
Timm8a1	30058	mAA0748	0,244	4,76E-03
Tipin	66131	mAB1233	0,415	9,33E-05
Tk1	21877	mAA1754	0,567	9,12E-05
Tm9sf3	107358	mAA0316	0,279	2,63E-04
Tmc5	74424	mAA9163	2,419	3,69E-09
Tmem48	72787	mAA2138	0,382	1,08E-03
Tnpo1	238799	mAA8207	0,209	9,04E-03
Top2a	21973	mAA3428	0,526	5,58E-05
Tpst1	22021	mAB3430	0,296	7,03E-04
Tram1	72265	mAA1298	0,208	6,45E-03
Trim37	68729	mAB0629	0,442	1,11E-03
Trmt6	66926	mAA8429	0,275	3,89E-03
Trnt1	70047	mAA0884	0,336	2,05E-03
Tsen34	66078	mAB2654	0,221	9,84E-03
Ttc33	67515	mAA0751	0,212	8,89E-03
Ttr	22139	mAA0446	0,202	6,73E-03
Tulp4	68842	mAB2645	0,326	4,01E-03
Txndc2	213272	mAA5754	0,246	9,54E-03
Txndc4	76299	mAA1695	0,210	3,47E-03
Ublcp1	79560	mAA7469	0,413	1,47E-03
Uck2	80914	mAA1389	0,217	6,61E-03
Uhrf1	18140	mAA2459	0,291	1,70E-03
Umps	22247	mAA0368	0,308	7,45E-04
Usp24	329908	mAA4257	0,233	3,91E-04
Usp9x	22284	mAA1673	0,232	1,61E-03
Uvrag	78610	mAB0041	0,230	3,74E-03
Vps41	218035	mAA2553	0,245	1,39E-03
Vps4b	20479	mAA1738	0,207	5,34E-03
Vrk1	22367	mAB4979	0,257	8,84E-04
Wars	22375	mAA1931	0,219	3,83E-03
Wdhd1	218973	mAA2679	0,574	5,59E-05
Wdr61	66317	mAB4843	0,277	6,76E-03
Wdr75	73674	mAB4511	0,242	6,87E-03
Xlr3c	22446	mAA5724	0,374	3,51E-04
Zadh1	77219	mAA0917	0,261	2,60E-03
Zc3h13	67302	mAA1135	0,285	8,93E-03
Zfand5	22682	mAA3605	0,242	2,74E-03

Zfml	18139	mAB0144	0,254	7,80E-03
Zwilch	68014	mAA2172	0,357	1,52E-04
Zwint	52696	mAA2549	0,223	4,84E-03

### DKO 0h Up

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P,Value
0610007P14Rik	58520	mAA3589	0,228	3,39E-03
0610009O03Rik	68294	mAA0903	0,256	5,24E-04
0610038F07Rik	66072	mAB1138	0,353	3,68E-04
1110001A07Rik	66140	mAA3832	0,209	1,57E-03
1110003E01Rik	68552	mAA6321	0,327	6,73E-03
1110004F10Rik	56372	mAB2123	0,238	6,71E-03
1110007M04Rik	68493	mAA2307	0,267	3,41E-04
1110034A24Rik	109065	mAA9808	0,326	1,29E-04
1110038B12Rik	68763	mAB3404	0,332	6,94E-04
1110067D22Rik	216551	mAA8616	0,217	7,52E-04
1600029D21Rik	76509	mAA9147	0,880	2,47E-03
1700020I14Rik	66602	mAA0766	0,288	2,16E-04
1700021K19Rik	224118	mAA5525	0,206	6,84E-03
1700029F09Rik	75623	mAA7874	0,435	1,39E-04
1700034H14Rik	67105	mAB4202	0,355	5,24E-04
1700123O20Rik	58248	mAB3482	0,225	1,46E-03
1810027O10Rik	69186	mAB4893	0,716	4,89E-06
1810029B16Rik	66282	mAA7458	0,262	9,06E-03
1810035L17Rik	380773	mAB0727	0,408	1,03E-04
1810037I17Rik	67704	mAA9126	0,430	2,49E-03
1810054D07Rik	69863	mAA3260	0,302	7,18E-04
1810074P20Rik	67490	mAB1594	0,358	7,67E-04
2010203O07Rik	72429	mAA7760	0,288	3,63E-04
2310008M10Rik	66357	mAA9069	0,288	1,32E-03
2310061C15Rik	66531	mAA6248	0,240	1,59E-03
2410015N17Rik	66422	mAA1100	0,541	4,57E-04
2410127L17Rik	67383	mAB0900	0,262	9,14E-04
2700038C09Rik	66496	mAA9944	0,647	1,61E-05
2700049P18Rik	108900	mAA4809	0,551	4,28E-05
2700094K13Rik	72657	mAB2111	0,580	6,31E-03
2700099C18Rik	77022	mAA3559	0,576	4,39E-05
2810004N23Rik	66523	mAA9902	0,465	3,55E-03
2810410M20Rik	66310	mAA2929	0,302	9,86E-03
2810417H13Rik	68026	mAA0104	0,873	9,54E-08
2810439F02Rik	72747	mAA5828	0,335	9,18E-05
2900064A13Rik	73024	mAA3513	0,201	7,20E-04
2900097C17Rik	347740	mAA3059	0,425	3,88E-04
4432416J03Rik	78252	mAB4087	0,454	3,62E-05
4921507G05Rik	66709	mAB3787	0,263	2,64E-03
4930430F08Rik	68281	mAB2045	0,311	5,78E-04
5031414D18Rik	271221	mAA5153	0,308	1,43E-03
5730437N04Rik	70544	mAB3652	0,560	8,21E-03
5730446C15Rik	226016	mAA7962	0,292	8,72E-04
5730469M10Rik	70564	mAA9279	0,271	3,19E-04
5730536A07Rik	68250	mAA2462	0,275	1,05E-03

6230416J20Rik	230376	mAA3205	0,428	8,54E-05
6820424L24Rik	100515	mAA0199	0,212	4,59E-03
9430016H08Rik	68115	mAA0172	0,217	6,70E-03
A2m	232345	mAA0379	0,215	1,10E-03
A530040E14Rik	621875	mAA9916	0,830	7,84E-06
A530058O07Rik	97881	mAA4354	0,200	8,54E-03
AA407270	102371	mAA0255	0,410	4,80E-04
Abca1	11303	mAB0850	0,230	7,69E-03
Abcb1b	18669	mAA4913	0,260	5,51E-03
Abcb6	74104	mAA1599	0,243	1,52E-03
Abhd4	105501	mAA4790	0,251	2,16E-04
Acad11	102632	mAB2790	0,226	1,71E-03
Acadl	11363	mAA4244	0,630	7,80E-05
Acot7	70025	mAB1952	0,384	4,05E-04
Acot9	56360	mAA0960	0,305	5,98E-05
Acp1	11431	mAA3093	0,249	7,98E-03
Acs11	14081	mAB3239	0,323	3,18E-04
Actl6a	56456	mAA2402	0,303	4,48E-03
Actr3b	242894	mAB5439	0,638	1,27E-04
Adfp	11520	mAB3793	0,335	9,83E-03
Adk	11534	mAA2624	0,460	8,44E-04
Agpat5	52123	mAA2964	0,270	3,55E-03
Ahcy	269378	mAA2937	0,305	1,12E-04
Akr1a4	58810	mAB3830	0,242	4,86E-03
Aldh3b1	67689	mAB4213	0,239	4,86E-04
Aldh7a1	110695	mAA0440	0,781	7,09E-04
Alox12	11684	mAA7904	0,309	6,38E-04
Alox5ap	11690	mAB1219	0,302	2,57E-03
Als2	74018	mAB4913	0,299	5,60E-04
Anapc1	17222	mAB1060	0,215	2,99E-03
Anapc7	56317	mAA2063	0,324	4,81E-05
Ankrd32	105377	mAA2123	0,383	9,12E-03
Ankrd6	140577	mAA4860	0,380	2,66E-03
Anxa1	16952	mAA0756	0,868	3,04E-07
Anxa2	12306	mAB2026	0,839	2,98E-07
Anxa7	11750	mAA6013	0,241	3,21E-04
Ap1s1	11769	mAA0860	0,222	2,29E-03
Ap1s2	108012	mAA8950	0,221	2,10E-03
Apex1	11792	mAA0636	0,359	1,21E-04
Apitd1	69928	mAA9547	1,138	6,80E-06
Apobec1	11810	mAB0274	0,246	5,70E-03
App	11820	mAB1828	0,459	4,71E-05
Arhgap6	11856	mAB5591	0,513	4,89E-04
Arl1	104303	mAA2300	0,250	1,53E-03
Arl5a	75423	mAA0409	0,303	3,80E-03
Arl6	56297	mAA5011	0,380	9,79E-05
Armc1	74252	mAA1378	0,259	1,57E-04
Armc6	76813	mAB3310	0,306	1,76E-04
Armcx3	71703	mAB1464	0,401	2,69E-05
Armet	74840	mAA0773	0,647	2,25E-06
Arpc3	56378	mAB0891	0,203	1,29E-03
Arpc5l	74192	mAB3790	0,312	6,59E-04
Arpp19	59046	mAA5501	0,276	9,42E-03

Asah2	54447	mAB0740	0,362	5,50E-03
Asf1a	66403	mAA6039	0,346	7,06E-05
Asf1b	66929	mAA4982	0,218	9,13E-04
Asnsd1	70396	mAB1452	0,277	1,81E-03
Aspm	12316	mAA5884	0,503	1,34E-03
Atad4	217138	mAB1494	0,204	2,00E-03
Atf6	226641	mAA4487	0,464	9,82E-06
Atg12	67526	mAA6639	0,332	2,52E-03
Atp5c1	11949	mAB2484	0,203	8,20E-04
Atp5g1	11951	mAB1331	0,286	5,80E-04
Atp5g3	228033	mAB1433	0,390	4,95E-03
Atp6v1a	11964	mAA6097	0,206	7,03E-03
Atp6v1e1	11973	mAA2756	0,269	5,33E-04
Aurka	20878	mAA1213	0,462	9,65E-06
Aurkaip1	66077	mAA4310	0,283	3,30E-03
Avpi1	69534	mAA0189	0,275	8,22E-03
AW112037	98667	mAB2670	0,344	1,00E-03
AW556253	98722	mAB4099	0,460	4,66E-03
Azin1	54375	mAA6494	0,289	2,90E-03
Bag2	213539	mAA0235	0,217	1,11E-03
Basp1	70350	mAA2061	0,377	4,81E-05
BC003324	80291	mAB5131	0,356	1,38E-05
BC003331	226499	mAA8510	0,348	1,68E-03
BC004004	80748	mAA5352	0,357	1,00E-04
BC022960	237246	mAB5226	0,204	9,33E-03
BC023829	236848	mAB5178	0,272	4,67E-04
BC035044	232406	mAB4154	0,314	5,24E-05
BC048546	232400	mAA6801	0,405	9,19E-03
BC087945	432940	mAB2238	0,283	7,20E-04
Bcap31	27061	mAA1368	0,242	4,24E-03
Bcat1	12035	mAA2547	0,398	7,87E-03
Bcl3	12051	mAB5525	0,333	3,86E-04
Bhlhb9	70237	mAA9234	0,362	5,09E-03
Birc5	11799	mAA1233	0,898	1,17E-04
Blk	12143	mAB5407	0,421	2,01E-04
Blm	12144	mAA1530	0,367	5,26E-03
Blmh	104184	mAA2357	0,382	8,04E-03
Blnk	17060	mAA5446	0,872	6,08E-06
Bmp2k	140780	mAA2229	0,520	3,61E-04
Bmpr1a	12166	mAB0062	0,455	5,16E-04
Bnip1	224630	mAB1757	0,262	2,57E-03
Bnip3	12176	mAB2990	0,274	5,46E-03
Brca2	12190	mAA6595	0,273	8,88E-03
Bst2	69550	mAA5355	0,210	2,51E-03
Bub1	12235	mAB2460	0,709	4,72E-04
Bub1b	12236	mAA9831	0,487	4,04E-03
Bub3	12237	mAA1716	0,200	3,82E-03
Bud31	231889	mAA1680	0,348	1,96E-04
Bxdc1	67239	mAA9487	0,299	1,84E-04
C130038G02Rik	77521	mAA7935	0,266	2,31E-04
C1galt1	94192	mAA1762	0,312	2,19E-03
C1galt1c1	59048	mAA2644	0,338	1,48E-03
C1qbp	12261	mAA0003	0,229	3,71E-03

C330027C09Rik	224171	mAA7249	0,760	1,19E-05
C77096	97131	mAA3348	0,595	9,82E-06
C79015	97715	mAA3977	0,209	5,02E-03
C80425	96999	mAA4431	0,261	8,84E-03
Cacybp	12301	mAA7552	0,267	1,71E-04
Cadps2	320405	mAB1769	0,229	2,71E-03
Camta1	100072	mAB3825	0,207	9,19E-03
Cap1	12331	mAA1203	0,420	3,24E-04
Capg	12332	mAA1259	0,600	1,29E-04
Carhsp1	52502	mAA5272	0,388	1,53E-05
Caskin2	140721	mAA1519	0,675	3,28E-06
Casp1	12362	mAB5456	0,320	5,61E-04
Casp2	12366	mAB5487	0,321	5,07E-03
Casp3	12367	mAA8387	0,474	4,62E-06
Casp9	12371	mAB5428	0,586	1,20E-06
Cbara1	216001	mAB2490	0,212	8,46E-04
Cbx3	12417	mAA2168	0,250	2,00E-03
Ccdc104	216618	mAB4426	0,399	1,12E-04
Ccdc122	108811	mAB3251	0,609	8,42E-04
Ccdc139	74467	mAB3972	0,396	4,76E-03
Ccdc99	70385	mAA0122	0,626	6,08E-06
Ccna2	12428	mAA7496	0,515	1,25E-03
Ccnb1	268697	mAB0005	0,530	2,67E-03
Ccnb2	12442	mAA9951	0,739	1,67E-06
Ccnh	66671	mAA0902	0,319	1,44E-03
Cct4	12464	mAA2567	0,204	5,64E-03
Cd160	54215	mAB0011	0,230	5,60E-04
Cd24a	12484	mAB0372	0,642	3,96E-04
Cd81	12520	mAB4432	0,350	8,42E-04
Cdc20	107995	mAA2800	0,369	5,83E-05
Cdc25a	12530	mAA4755	0,229	1,65E-04
Cdc2a	12534	mAA2259	0,902	1,84E-06
Cdc2l5	69562	mAA8397	0,243	5,88E-03
Cdc6	23834	mAA0733	1,501	1,43E-08
Cdca2	108912	mAA2487	0,397	3,65E-05
Cdca3	14793	mAA4100	0,565	5,83E-05
Cdca5	67849	mAA6573	0,640	3,08E-07
Cdca7	66953	mAA2410	1,364	1,43E-08
Cdca8	52276	mAA2424	0,641	3,81E-06
Cdk2ap1	13445	mAB1656	0,308	1,26E-04
Cdk4	12567	mAB4057	0,343	9,57E-04
Cdk6	12571	mAB2922	0,375	5,53E-04
Cdk7	12572	mAA0184	0,227	2,28E-03
Cdkn3	72391	mAB1022	0,202	3,05E-03
Cdt1	67177	mAA2085	0,717	4,23E-05
Ceacam9	26368	mAA2042	0,276	5,64E-03
Cebpg	12611	mAA5990	0,497	4,07E-05
Cenpa	12615	mAA7762	0,287	3,60E-03
Cenph	26886	mAA9700	1,180	1,10E-08
Cenpn	72155	mAA1949	0,480	1,11E-03
Cenpo	52504	mAA5380	0,203	3,39E-03
Cep55	74107	mAA5072	0,627	4,80E-06
Cfdp1	23837	mAA1084	0,352	6,84E-03

Cfh	12628	mAB3993	0,514	1,57E-05
Chaf1a	27221	mAA8308	0,565	2,31E-05
Chaf1b	110749	mAB0996	0,532	1,38E-05
Chchd2	14004	mAA1261	0,463	1,04E-03
Chchd3	66075	mAB4864	0,253	3,54E-03
Chchd4	72170	mAA2004	0,507	1,52E-05
Chek1	12649	mAA8736	1,129	2,59E-03
Chmp5	76959	mAA2092	0,348	5,86E-03
Ciapi1	109006	mAA5779	0,333	7,13E-03
Cib1	23991	mAA4862	0,297	9,86E-05
Cisd1	52637	mAB1633	0,499	6,44E-03
Ckap2	80986	mAB1355	0,663	9,15E-04
Ckap4	216197	mAB2092	0,438	1,18E-03
Cks1b	54124	mAB0667	1,047	1,43E-08
Cks2	66197	mAA8385	0,472	7,07E-05
Clip4	78785	mAA5573	0,276	6,37E-03
Clpb	20480	mAA2565	0,218	3,01E-03
Clspn	269582	mAA4748	0,462	8,94E-06
Clstn1	65945	mAA2741	0,516	1,61E-03
Clu	12759	mAB0275	0,626	1,53E-05
Cnih	12793	mAA5613	0,240	7,83E-03
Cnot1	234594	mAA5095	0,279	1,22E-03
Commd3	12238	mAB1946	0,376	6,94E-03
Cops2	12848	mAA0549	0,222	4,40E-03
Cops3	26572	mAA2522	0,368	1,18E-03
Cops4	26891	mAB0986	0,326	3,65E-03
Coro2b	235431	mAA5529	0,353	1,34E-03
Cox5a	12858	mAA4279	0,397	7,96E-05
Cox7c	12867	mAA1237	0,346	3,73E-05
Cpsf2	51786	mAA2785	0,318	4,81E-03
Creb3l2	208647	mAB0532	0,413	5,52E-04
Creld2	76737	mAA8740	0,535	3,58E-03
Crip1	12925	mAB0347	0,420	8,09E-04
Crip2	68337	mAB0462	0,270	6,40E-04
Cryl1	68631	mAB4556	0,307	1,23E-04
Cryz	12972	mAA4523	0,399	6,26E-05
Csda	56449	mAA4213	0,329	1,13E-03
Cse1l	110750	mAA2692	0,344	6,28E-04
Ctla2b	13025	mAA2056	1,221	1,52E-08
Ctnna1	12385	mAA1687	0,216	1,45E-03
Ctsc	13032	mAA3527	0,259	5,71E-04
Ctsh	13036	mAA2686	0,364	5,55E-05
Ctsl	13039	mAA2654	0,486	7,68E-04
Cttnbp2	30785	mAA9298	0,451	4,53E-05
Cul2	71745	mAA1960	0,410	2,63E-03
Cwc15	66070	mAA9653	0,260	9,84E-04
Cxcl1	14825	mAA4869	0,210	8,53E-03
Cxcr4	12767	mAA0519	0,226	7,21E-03
Cybb	13058	mAA5734	0,750	5,41E-03
Cycs	13063	mAA0116	0,280	2,71E-03
Cyfp1	20430	mAA2689	0,278	2,91E-03
Cyp4v3	102294	mAB0645	0,522	6,97E-03
D030056L22Rik	225995	mAA1109	0,285	3,42E-03



D030070L09Rik	225280	mAA0160	1,277	1,73E-03
D10Ertd322e	67270	mAA4493	0,382	7,40E-03
D130019J16Rik	320171	mAB4408	0,325	3,21E-04
D14Abb1e	218850	mAA0499	0,362	5,86E-03
D14Ertd500e	219072	mAA8398	0,361	1,52E-03
D16Bwg1543e	52910	mAA1606	0,495	3,29E-04
D17H6S56E-5	110956	mAB1311	0,220	1,13E-03
D1Bwg0212e	52846	mAA0411	0,272	6,88E-04
D2Ertd750e	51944	mAA7296	0,477	1,60E-05
D3Ertd34e	52061	mAA3433	0,294	8,51E-03
D3Ucla1	28146	mAA1147	0,482	2,74E-04
D5Wsu178e	28042	mAA8029	0,209	2,46E-03
D6Mit97	110963	mAA5247	0,822	1,45E-04
D6Wsu163e	28040	mAA7912	0,316	1,37E-03
D7Ertd443e	52315	mAA5102	0,295	4,75E-04
Dap	223453	mAA9124	0,295	6,69E-04
Dbi	13167	mAB1867	0,671	2,47E-04
Dcbld1	66686	mAB5059	0,281	2,43E-04
Dcp1a	75901	mAA2108	0,391	9,95E-04
Ddx39	68278	mAA2603	0,259	5,21E-04
Ddx52	78394	mAA9582	0,203	9,09E-03
Deb1	26901	mAA1080	0,516	4,95E-04
Dek	110052	mAA1174	0,318	2,04E-03
Derl1	67819	mAB2073	0,228	2,45E-04
Dgcr6	13353	mAA9955	0,216	1,29E-03
Dhfr	13361	mAA2738	1,458	4,36E-07
Dhrs3	20148	mAB1571	1,506	8,72E-08
Dhx29	218629	mAB2139	0,230	2,20E-03
Dis3	72662	mAB1576	0,309	1,78E-03
Dlat	235339	mAB2754	0,361	9,84E-03
Dlg7	218977	mAA5732	0,643	1,03E-05
Dna2l	327762	mAA1674	0,445	8,04E-04
Dnajib4	67035	mAA5463	0,226	6,40E-04
Dnajib5	56323	mAB5388	0,404	5,63E-04
Dnajc2	22791	mAA4658	0,387	5,25E-03
Dnajc9	108671	mAA7442	0,367	7,62E-03
Dock9	105445	mAA0627	0,219	5,75E-03
Dopey1	320615	mAA3608	0,237	6,35E-03
Dph3	105638	mAA7256	0,249	3,94E-03
Dpp7	83768	mAA4779	0,339	3,04E-05
Dppa1	347708	mAA3554	0,441	3,64E-04
Dscr2	56088	mAB2370	0,303	6,61E-04
Dsn1	66934	mAB2504	0,753	4,60E-05
Dtd1	66044	mAB3178	0,594	5,38E-05
Dtl	76843	mAA5242	0,542	5,80E-04
Dtymk	21915	mAA9699	0,346	3,91E-03
Dync1i2	13427	mAB3295	0,237	3,19E-04
Dynlt3	67117	mAB5109	0,383	2,63E-03
E130016E03Rik	623474	mAB1105	0,630	4,02E-04
Ecd	70601	mAA1556	0,372	7,69E-03
Ech1	51798	mAB2486	0,242	5,95E-04
Echdc1	52665	mAA8134	0,323	5,47E-05
Echdc2	52430	mAA7627	0,292	2,38E-04

Ect2	13605	mAB5594	0,606	7,35E-03
Edem1	192193	mAA1867	0,445	9,62E-06
Edem2	108687	mAA0604	0,375	2,39E-04
Edn2	13615	mAB5247	0,414	1,62E-05
Eed	13626	mAA6514	0,221	2,06E-03
Eef1e1	66143	mAA9599	0,268	4,02E-03
Eef1g	67160	mAA1273	0,225	2,82E-03
Eftud1	101592	mAA7298	0,245	5,89E-03
EG433923	433923	mAA2606	0,352	3,66E-03
EG666806	666806	mAA8696	0,290	3,16E-03
Ehd4	98878	mAA9757	0,488	5,45E-05
Eif1a	13664	mAA0739	0,307	5,77E-03
Eif2a	229317	mAA0984	0,360	1,13E-04
Eif2ak4	27103	mAB1943	0,483	8,40E-04
Eif2s1	13665	mAB0858	0,452	2,15E-03
Eif2s2	67204	mAA4375	0,340	5,83E-05
Eif3eip	223691	mAA2308	0,205	6,40E-04
Eif3j	78655	mAA1652	0,287	4,69E-03
Eif3m	98221	mAB2149	0,238	3,33E-03
Eif3s10	13669	mAA1760	0,219	5,32E-03
Eif4e	13684	mAB2397	0,301	1,37E-03
Eif4g2	13690	mAB0809	0,712	2,17E-06
Eil2	192657	mAB0454	0,803	6,80E-06
Elof1	66126	mAA0896	0,203	5,66E-03
Elovl6	170439	mAA4584	0,289	5,77E-03
Eme1	268465	mAA2321	0,265	5,03E-04
Emr4	52614	mAA5369	0,604	3,37E-05
Endod1	71946	mAA4831	0,326	6,09E-04
Entpd1	12495	mAA1707	0,446	5,83E-05
Eomes	13813	mAA3397	0,203	2,63E-03
Ep300	328572	mAB5398	0,228	3,32E-04
Erh	13877	mAB0835	0,352	3,83E-03
Ero1l	50527	mAA1771	0,401	2,65E-03
Esam1	69524	mAA1507	0,475	2,76E-04
Espl1	105988	mAA9890	0,405	1,75E-03
Etf1	225363	mAA1232	0,255	6,74E-03
Etfa	110842	mAB3391	0,249	9,45E-04
Etnk1	75320	mAB1264	0,974	1,54E-07
Exo1	26909	mAA6405	0,336	3,53E-05
F3	14066	mAA1321	0,358	4,09E-03
F730047E07Rik	212377	mAA8937	0,891	2,11E-08
Fadd	14082	mAA9067	0,203	2,56E-03
Fancd2	211651	mAA8032	0,208	4,46E-03
Fanc1	67030	mAB3267	0,452	1,87E-06
Farsb	23874	mAA1613	0,418	1,84E-04
Fastkd2	75619	mAA2975	0,357	2,19E-04
Fastkd3	69577	mAA2745	0,312	4,60E-03
Fastkd5	380601	mAB0989	0,252	5,05E-04
Fbxo3	57443	mAA9995	0,290	1,23E-03
Fbxo6	50762	mAA1155	0,286	1,30E-03
Fcf1	73736	mAA2234	0,258	2,33E-03
Fen1	14156	mAA0783	0,691	1,38E-05
Fh1	14194	mAA2274	0,366	7,41E-04

Figf	14205	mAB5302	0,364	1,96E-04
Figl1	60530	mAA2301	1,211	2,55E-07
Fos	14281	mAA8042	0,553	3,11E-04
Foxn4	116810	mAB0630	0,339	6,69E-04
Gale	74246	mAA1711	0,314	4,67E-03
Galm	319625	mAA9326	0,350	5,98E-05
Gas8	104346	mAB5431	0,236	8,34E-03
Gata2	14461	mAA0831	0,207	7,20E-03
Gatm	67092	mAB2726	0,537	2,55E-04
Gbas	14467	mAA6749	0,262	5,99E-03
Gemin6	67242	mAA2763	0,722	1,54E-03
Gga2	74105	mAB4270	0,614	1,15E-06
Ggta1	14594	mAA4684	0,244	3,27E-04
Ghitm	66092	mAA2482	0,224	3,33E-03
Gins4	109145	mAA1256	0,576	4,77E-05
Glb1	12091	mAA8286	0,359	2,01E-03
Glo1	109801	mAB3752	0,477	2,94E-05
Glod4	67201	mAA4642	0,312	6,46E-04
Glrx	93692	mAA2795	0,692	6,80E-06
Glrx3	30926	mAA0697	0,412	6,33E-03
Gm149	231423	mAA7783	0,414	5,65E-03
Gmds	218138	mAB2611	0,246	2,41E-03
Gmnn	57441	mAB0780	1,234	4,21E-06
Gmps	229363	mAB3026	0,413	1,82E-05
Gnaq	14682	mAB0356	0,490	2,35E-03
Gnl3	30877	mAA8841	0,229	1,34E-03
Gnpda1	26384	mAA2180	0,229	1,81E-03
Gnptab	432486	mAB1416	0,384	1,68E-03
Golph3l	229593	mAB3673	0,235	4,89E-03
Golt1b	66964	mAA1316	0,220	8,74E-03
Got2	14719	mAA2951	0,370	1,54E-03
Gphn	268566	mAA0010	0,278	7,22E-04
Gpr137b	83924	mAB0819	0,385	2,97E-03
Gpsm2	76123	mAA0581	0,266	6,09E-04
Gpx1	14775	mAA2461	0,455	3,60E-03
Grhl1	195733	mAA9501	0,448	9,84E-03
Grhpr	76238	mAA7653	0,224	1,25E-03
Grpel1	17713	mAB2713	0,268	4,17E-04
Gsto1	14873	mAA9077	0,622	5,53E-04
Gtf2b	229906	mAB1424	0,280	1,78E-03
Gtf2e1	74197	mAB0012	0,513	5,62E-03
Gtf2f2	68705	mAB2259	0,341	3,21E-04
Gtf2h4	14885	mAA2077	0,333	6,09E-04
Gtf3c5	70239	mAA9421	0,315	2,23E-03
Gtl3	14894	mAA7352	0,244	1,06E-04
Gtpbp10	207704	mAA6488	0,205	8,04E-03
Gtpbp8	66067	mAA1271	0,337	1,35E-04
Guk1	14923	mAA9853	0,315	3,21E-04
Gzmm	16904	mAA6990	1,074	1,02E-05
H2afz	51788	mAA2545	0,515	3,09E-03
H2-DMa	14998	mAB0418	0,354	5,24E-04
H2-Eb1	14969	mAA0738	0,329	3,64E-04
H47	109815	mAA4113	0,339	8,28E-03

Hadh	15107	mAB2374	0,259	3,28E-03
Havcr1	171283	mAA9641	0,583	1,76E-04
Hax1	23897	mAA2239	0,346	1,88E-03
Hbs1l	56422	mAA1166	0,246	9,63E-04
Hdac1	433759	mAB0906	0,219	3,57E-03
Hdac9	79221	mAB5612	0,346	4,77E-03
Hdlbp	110611	mAA1835	0,301	3,81E-04
Hel308	191578	mAA5758	0,378	1,64E-03
Hells	15201	mAB3766	1,001	6,12E-06
Hiatl1	66631	mAA0882	0,237	4,03E-03
Hint1	15254	mAA1772	0,672	5,74E-03
Hip1r	29816	mAA3519	0,300	5,27E-05
Hirip3	233876	mAB2643	0,226	6,42E-04
Hmgb1	15289	mAA2538	0,215	7,87E-03
Hmgb2	97165	mAB0769	0,437	4,13E-05
Hmgn2	15331	mAA2995	0,589	4,37E-04
Hn1	15374	mAA3478	0,339	3,97E-04
Hnrpab	15384	mAB2981	0,302	3,01E-03
Hnrpl1	72692	mAA3356	0,211	9,14E-03
Hoxb13	15408	mAB5380	0,258	4,89E-04
Hoxc11	109663	mAB5365	0,357	3,37E-05
Hprt1	15452	mAA1602	0,326	8,80E-03
Hrasl3	225845	mAA3834	0,349	6,91E-04
Hsf5	327992	mAB4594	0,209	5,44E-03
Hsp90aa1	15519	mAA2183	0,276	3,18E-04
Hsp90b1	22027	mAA2477	0,651	9,67E-05
Hspa14	50497	mAA2359	0,219	6,22E-04
Idh3a	67834	mAA4662	0,311	8,99E-04
Idh3b	170718	mAA7415	0,221	2,22E-03
Idh3g	15929	mAB4246	0,373	1,60E-04
Idi1	319554	mAA4353	0,540	2,03E-06
Ifi30	65972	mAA3814	0,767	6,19E-06
Ifrg15	64164	mAA2304	0,212	4,98E-03
Ift74	67694	mAA0384	0,259	9,84E-04
Igf2bp3	140488	mAA6879	0,575	1,00E-04
Igh-6	16019	mAA9887	3,156	2,45E-08
Il18rap	16174	mAB5574	0,575	2,43E-04
Il1r1	16177	mAB5467	0,279	9,60E-03
Il1r2	16178	mAB5287	0,281	5,93E-03
Impa1	55980	mAA0842	0,371	3,85E-05
Incenp	16319	mAA0221	0,319	4,83E-04
Ipo11	76582	mAA7776	0,265	8,87E-03
Irf4	16364	mAB5248	0,374	3,83E-04
Itgb1	16412	mAB2861	0,747	1,03E-07
Itgb3bp	67733	mAB2020	0,436	1,07E-04
Itpa	16434	mAB4153	0,422	1,02E-04
Jagn1	67767	mAA9739	0,276	6,71E-05
Jtb	23922	mAA1730	0,319	8,78E-03
Kars	85305	mAA3843	0,353	1,82E-04
Kdelc1	72050	mAA5720	0,702	1,20E-04
Kif22	110033	mAB2644	0,601	6,66E-04
Kifap3	16579	mAA1693	0,276	3,10E-03
Klf4	16600	mAA1356	0,804	1,20E-04

Klf9	16601	mAA2499	0,491	9,95E-04
Klhf5	71778	mAB2619	0,328	1,24E-03
Kpna2	16647	mAA4040	0,638	5,10E-06
Krr1	52705	mAA8853	0,250	1,88E-03
Krt7	110310	mAA0592	0,251	1,04E-03
I7Rn6	67669	mAA0046	0,291	1,33E-04
Lage3	66192	mAA3860	0,283	3,48E-04
Lamp2	16784	mAB0406	0,277	2,69E-03
Lancl2	71835	mAA8790	0,334	9,42E-03
Lap3	66988	mAA0575	0,252	5,09E-03
Larp7	28036	mAB3460	0,329	1,41E-04
Lars	107045	mAA2427	0,384	1,04E-04
Lass6	241447	mAA1814	0,396	3,69E-03
Lcor	212391	mAA1628	0,276	1,76E-04
Lefty1	13590	mAB5532	0,328	9,39E-04
Lgals1	16852	mAA2094	0,611	2,99E-04
Lgtn	16865	mAB3220	0,259	1,04E-04
Lig1	16881	mAA3429	0,365	6,65E-03
Lima1	65970	mAB4620	0,233	1,68E-03
Lman1	70361	mAA9600	0,532	3,74E-06
Lman2	66890	mAA9276	0,455	7,90E-06
Lmna	16905	mAA1600	0,202	5,84E-03
Lmnb1	16906	mAA1347	0,237	4,52E-04
Lmo1	109594	mAA8085	0,311	2,65E-03
Lmo7	380928	mAA3813	0,255	3,70E-03
LOC100038935	100038935	mAA7323	1,632	1,74E-09
LOC100040531	100040531	mAB1908	0,461	2,10E-04
LOC100042211	100042211	mAA2833	0,209	1,68E-03
LOC381508	381508	mAB1724	0,538	7,52E-04
LOC433368	433368	mAA0393	1,020	6,31E-09
Lrrc40	67144	mAA2559	0,642	1,97E-05
Lsmd1	78304	mAB3560	0,267	2,96E-03
Ltb4dh	67103	mAA3708	0,297	1,38E-03
Ltv1	353258	mAB0032	0,204	4,26E-03
Lxn	17035	mAB2630	0,236	9,46E-03
Ly6a	110454	mAB0951	0,317	1,91E-03
Lyn	17096	mAA0019	0,299	2,65E-03
Lysmd2	70082	mAA0786	0,865	2,49E-04
Lyzs	17105	mAA5152	0,478	7,77E-04
Lzts2	226154	mAA1247	0,287	6,32E-03
Mad2l1	56150	mAA5572	0,862	3,26E-06
Magmas	66449	mAB0494	0,337	5,66E-03
Map2k1ip1	56692	mAB4085	0,392	4,04E-03
March1	72925	mAA3532	0,469	5,60E-03
Matn2	17181	mAB0663	0,332	8,69E-04
Mbnl3	171170	mAA1801	0,373	4,25E-03
Mccc1	72039	mAA9993	0,372	1,42E-03
Mcm10	70024	mAA4808	0,855	4,34E-08
Mcm2	17216	mAB3142	1,181	1,09E-05
Mcm3	17215	mAA2486	0,908	4,27E-07
Mcm5	17218	mAA2280	1,011	1,76E-05
Mcm6	17219	mAB3951	1,323	2,45E-08
Mcm7	17220	mAB3204	0,872	3,11E-07

Mdh1	17449	mAA5620	0,325	1,09E-04
Mdm1	17245	mAA9622	0,214	3,33E-03
Mdn1	100019	mAA0969	0,320	8,73E-03
Med28	66999	mAA1617	0,288	6,31E-03
Med31	67279	mAA9888	0,248	1,84E-03
Mesdc2	67943	mAA2996	0,246	7,09E-04
Mfsd1	66868	mAA2399	0,311	3,80E-04
Mga	29808	mAB4056	0,524	1,07E-04
Mgl1	17312	mAA9109	0,283	2,53E-04
Mid1	17318	mAB1392	2,545	5,41E-06
Mif4gd	69674	mAB0541	0,458	2,34E-05
Mir16	56209	mAA9662	0,234	6,94E-03
Mki67	17345	mAA2346	0,332	2,91E-03
Mki67ip	67949	mAA1708	0,304	9,68E-03
Mmp13	17386	mAB5445	0,399	8,74E-05
Mmp9	17395	mAA1285	0,329	2,19E-04
Morf412	56397	mAA1065	0,257	8,70E-03
Mpv17	17527	mAB3421	0,231	3,44E-03
Mre11a	17535	mAA4256	0,302	5,11E-05
Mrpl13	68537	mAA2787	0,421	1,66E-04
Mrpl15	27395	mAA2414	0,331	1,45E-04
Mrpl18	67681	mAA9645	0,610	2,05E-04
Mrpl36	94066	mAB2546	0,299	3,67E-03
Mrpl44	69163	mAB1243	0,278	1,91E-03
Mrpl45	67036	mAB2903	0,396	5,48E-04
Mrpl46	67308	mAA0642	0,384	1,56E-04
Mrpl50	28028	mAB1968	0,261	2,52E-04
Mrps10	64657	mAA1248	0,231	4,46E-03
Mrps11	67994	mAA2732	0,256	1,57E-03
Mrps17	66258	mAB2136	0,300	2,46E-03
Mrps18b	66973	mAA0577	0,203	1,49E-03
Mrps36	66128	mAA1855	0,282	1,54E-04
Msc	17681	mAA4088	0,335	6,96E-05
Msh6	17688	mAB1811	0,388	3,31E-04
Mstn	17700	mAB5423	0,243	5,73E-03
Mtbp	105837	mAB2103	0,426	1,56E-04
Mtch2	56428	mAA0844	0,359	5,94E-05
Mtdh	67154	mAA0744	0,246	6,37E-03
Mtf2	17765	mAA4566	0,213	9,43E-03
Myb	17863	mAB5586	0,325	2,15E-03
Mybl2	17865	mAB3776	0,229	4,70E-03
Mycbp	56309	mAA0489	0,266	6,99E-03
Myo5b	17919	mAA9729	0,330	4,38E-03
Nap111	53605	mAA1609	0,206	3,53E-03
Nasp	50927	mAA0504	0,572	1,82E-05
Nat5	67877	mAA1815	0,343	6,29E-05
Nbn	27354	mAB5354	0,283	4,06E-03
Ncald	52589	mAA9345	0,310	9,60E-04
Ncapg	54392	mAA6213	0,542	6,47E-04
Ncapg2	76044	mAA9743	0,366	5,72E-03
Ncaph	215387	mAB1418	0,425	6,64E-05
Ncdn	26562	mAB0426	0,257	7,57E-03
Ndc80	67052	mAA3626	0,505	2,66E-04

Ndg1	368204	mAA8654	0,315	8,15E-03
Ndufa12	66414	mAB0770	0,315	1,45E-04
Ndufaf1	69702	mAA0800	0,397	6,62E-05
Ndufb5	66046	mAA8229	0,257	1,62E-04
Ndufb6	230075	mAA3884	0,256	8,52E-03
Ndufc2	68197	mAA2716	0,312	5,10E-04
Nek2	18005	mAA3334	0,970	1,52E-08
Nhp2l1	20826	mAB5029	0,306	6,46E-04
Nicn1	66257	mAB2399	0,235	5,35E-03
Nid1	18073	mAA2355	0,200	2,84E-03
Nip7	66164	mAA1703	0,414	8,48E-04
Nln	75805	mAA4528	0,261	5,63E-03
Nme1	18102	mAA2813	0,396	5,58E-04
Nol11	68979	mAA1106	0,333	2,16E-04
Nol14	75416	mAA3002	0,304	9,97E-04
Nola2	52530	mAA2520	0,426	9,27E-03
Npm1	18148	mAB2979	0,322	9,54E-04
Nppb	18158	mAA1278	0,243	8,16E-03
Nrd1	230598	mAB3521	0,221	9,17E-03
Nrm	106582	mAA9520	0,377	1,96E-03
Nrp1	18186	mAB1693	0,430	2,56E-05
Nsbp1	50887	mAB2640	0,436	3,49E-03
Nsmce4a	67872	mAA3754	0,249	6,67E-04
Nt5c3	107569	mAB4372	0,217	4,04E-03
Nudc	18221	mAB1660	0,358	7,16E-03
Nudcd1	67429	mAA0248	0,388	1,36E-03
Nudcd2	52653	mAB4597	0,362	2,16E-03
Nudt15	214254	mAA7038	0,206	1,94E-03
Nudt19	110959	mAA8552	0,305	2,52E-05
Nudt21	68219	mAA2555	0,407	9,43E-04
Nudt5	53893	mAB2328	0,240	1,42E-04
Nuf2	66977	mAA9677	0,640	6,61E-06
Nufip2	68564	mAA1581	0,240	6,96E-03
Nup37	69736	mAA6347	0,428	6,19E-05
Nup43	69912	mAA7360	0,365	1,54E-03
Nup93	71805	mAA1142	0,489	4,57E-04
Nutf2	68051	mAA2013	0,241	2,57E-03
Oasl1	231655	mAB5510	0,274	5,10E-04
Oat	18242	mAA3712	0,314	3,18E-04
Odc1	18263	mAA2656	0,600	1,49E-04
Ola1	67059	mAA2003	0,323	9,04E-04
Orc1l	18392	mAB3050	0,567	8,19E-06
Orc2l	18393	mAA1463	0,259	6,87E-03
Orc6l	56452	mAB2917	0,619	6,44E-07
OTTMUSG00000010657	666532	mAA2450	0,333	1,02E-03
OTTMUSG00000014964	241593	mAA6204	0,208	9,61E-03
Paics	67054	mAB1269	0,299	2,57E-04
Paip1	218693	mAA5289	0,387	4,59E-03
Pank3	211347	mAA3241	0,248	2,27E-03
Papola	18789	mAB4461	0,247	1,88E-03
Parp1	11545	mAB0590	0,262	1,22E-03
Parp12	243771	mAA5733	0,436	3,03E-05
Pawr	114774	mAA3602	0,331	1,05E-04

Pbef1	59027	mAA8074	0,362	3,18E-04
Pbk	52033	mAA0824	0,440	1,77E-03
Pcdhga12	93724	mAB1562	0,248	4,04E-03
Pcna	18538	mAA1991	0,627	1,85E-04
Pdcl3	68833	mAB1725	0,333	2,58E-05
Pde3a	54611	mAA7348	0,395	6,58E-03
Pde8a	18584	mAA5483	0,401	1,57E-05
Pdia3	14827	mAA9235	0,346	3,21E-05
Pdia6	71853	mAB2998	0,663	1,45E-04
Pdik1l	230809	mAB4448	0,274	1,43E-03
Pdzd11	72621	mAB3532	0,214	3,68E-03
Pecr	111175	mAA2690	0,613	3,48E-05
Pgam1	18648	mAA2235	0,558	3,07E-05
Pgk1	18655	mAA2153	0,559	8,88E-03
Pgrmc1	53328	mAA1558	0,221	1,59E-03
Phf20	228829	mAA4510	0,405	7,09E-04
Phldb2	208177	mAA0895	0,278	5,90E-03
Phtf2	68770	mAA3607	0,227	1,49E-03
Pigf	18701	mAA6324	0,232	2,69E-03
Pin1	23988	mAA1692	0,338	4,45E-03
Pitrm1	69617	mAA0150	0,250	4,97E-03
Pla2g4a	18783	mAA9796	0,444	2,77E-03
Pla2g4c	232889	mAA5193	0,264	4,15E-03
Pla2g7	27226	mAB2019	0,375	1,02E-03
Plac8	231507	mAA0072	0,513	2,12E-03
Plcg2	234779	mAB0830	0,422	6,60E-05
Plekhb2	226971	mAB3954	0,426	3,11E-04
Plk1	18817	mAA2508	0,453	2,40E-05
Plk4	20873	mAA3097	0,601	2,02E-06
Plp2	18824	mAA2185	0,300	1,33E-03
Pmf1	67037	mAA1094	0,298	5,66E-03
Pmm1	29858	mAA1353	0,329	2,54E-03
Pno1	66249	mAA8129	0,590	2,68E-04
Pnp	18950	mAB0469	0,723	4,53E-05
Pnpla8	67452	mAB0003	0,253	9,35E-03
Pold3	67967	mAA1525	0,359	2,49E-04
Pole	18973	mAA7540	0,524	3,18E-04
Pole2	18974	mAA9457	0,611	4,04E-04
Polr2d	69241	mAB4570	0,249	4,44E-04
Polr2g	67710	mAB2973	0,291	5,45E-04
Polr2j	20022	mAA7342	0,316	1,03E-03
Polr3h	78929	mAB5220	0,216	3,38E-03
Polr3k	67005	mAA7963	0,591	6,80E-06
Pon3	269823	mAB3195	0,462	6,87E-04
Popdc2	64082	mAA7330	0,320	3,52E-03
Pou2f3	18988	mAB5362	0,242	2,27E-03
Ppa1	67895	mAA0965	0,493	1,14E-04
Ppapdc1	71910	mAA1586	0,430	1,53E-03
Ppat	231327	mAA2415	0,429	5,89E-03
Ppfibp1	67533	mAB2160	0,485	5,20E-03
Ppia	268373	mAA2595	0,238	5,77E-03
Ppic	19038	mAA2685	0,232	3,91E-03
Ppil5	69706	mAA5097	0,398	3,10E-05



Ppp1r2	66849	mAA4099	0,260	6,61E-03
Ppp2r5b	225849	mAB5381	0,241	3,46E-03
Ppp2r5c	26931	mAA9745	0,232	2,53E-03
Ppt1	19063	mAB2172	0,315	5,90E-04
Prdx1	18477	mAA5195	0,544	3,39E-03
Prdx4	53381	mAB3916	0,506	1,39E-05
Prelid2	77619	mAB0262	0,364	3,01E-04
Prep	19072	mAA0134	0,478	2,79E-04
Prim1	19075	mAB2571	0,994	8,94E-06
Prkra	23992	mAA2275	0,268	7,54E-04
Prl3d1	18775	mAA0718	0,240	2,01E-03
Pros1	19128	mAB3545	0,273	1,31E-03
Prpf40a	56194	mAA1678	0,266	1,21E-03
Prr13	66151	mAA5686	0,288	1,76E-04
Psat1	107272	mAA9096	0,622	2,58E-06
Psm1	26440	mAA2107	0,452	2,23E-03
Psm2	19166	mAB1674	0,398	3,87E-06
Psm4	26441	mAA3673	0,205	1,13E-03
Psm5	26442	mAB4158	0,317	5,83E-05
Psm6	26443	mAA1679	0,383	5,28E-04
Psmb1	19170	mAA1920	0,258	5,79E-04
Psmb2	26445	mAA1420	0,386	7,73E-05
Psmc1	19179	mAB2786	0,229	1,41E-03
Psmc3ip	19183	mAB0579	0,583	5,38E-04
Psmd1	70247	mAA2922	0,200	7,05E-03
Psmd10	53380	mAB0328	0,246	6,38E-03
Psmd12	66997	mAA9525	0,240	2,54E-04
Psmd6	66413	mAA8417	0,332	1,73E-04
Psph	100678	mAB3256	0,331	5,90E-04
Pter	19212	mAA7986	0,472	7,06E-05
Ptpn13	19249	mAB1305	0,422	1,47E-03
Ptprk	19272	mAA9918	0,282	4,21E-03
Ptrh2	217057	mAB4657	0,289	1,65E-03
Pvrl1	58235	mAB1530	0,307	7,98E-03
Pxmp3	19302	mAB3676	0,222	7,05E-04
Pycard	66824	mAB0028	0,366	1,65E-03
Pycr2	69051	mAB0065	0,388	7,67E-05
Pycl1	66194	mAB1055	0,220	5,91E-03
Orsl1	76563	mAA4312	0,213	8,43E-03
Rab1	19324	mAA0148	0,217	3,09E-03
Rab30	75985	mAA8578	0,695	1,91E-06
Rab32	67844	mAA5859	0,467	2,43E-04
Rab5c	19345	mAB5541	0,334	1,11E-03
Rad51	19361	mAB1078	1,247	1,43E-08
Rad54l	19366	mAA2752	0,837	3,70E-06
Ralgds	19730	mAB1575	0,221	9,84E-03
Ralgps2	78255	mAA9464	0,238	3,92E-03
Raly	19383	mAA7922	0,453	2,65E-03
Ran	19384	mAB4690	0,512	4,79E-04
Ranbp1	19385	mAA0498	0,333	9,01E-04
Ranbp5	70572	mAA2452	0,293	8,89E-03
Rangrf	57785	mAA1570	0,244	6,62E-03
Rapgef5	217944	mAA6634	0,207	4,42E-03

Rars2	109093	mAA4842	0,396	2,75E-04
Raxos1	360222	mAB5267	0,419	3,15E-03
Rbbp7	245688	mAA9740	0,221	2,15E-03
Rbl1	19650	mAB1095	0,432	1,60E-03
Rbm3	19652	mAA0927	0,208	2,15E-03
Rbm4	19653	mAA8078	0,312	2,68E-05
Rbmxrt	19656	mAB1475	0,265	2,39E-04
Rbx1	56438	mAA2845	0,227	1,25E-03
Rcc1	100088	mAA1267	0,519	2,64E-03
Rexo2	104444	mAA2262	0,367	5,50E-04
Rfc1	19687	mAA9709	0,234	5,75E-03
Rfc2	19718	mAB2580	0,468	2,71E-04
Rfc3	69263	mAA6055	0,701	7,10E-06
Rfwd3	234736	mAB3373	0,293	2,15E-03
Rgs2	19735	mAA5003	0,213	1,37E-03
Rhpn2	52428	mAA7518	0,201	9,41E-03
Rnaseh2b	67153	mAB2634	0,489	3,72E-06
Rnh1	107702	mAB0817	0,213	2,48E-03
Rnmt	67897	mAA1366	0,336	2,87E-03
Rnpep	215615	mAA1252	0,268	8,66E-03
Rpa2	19891	mAB3968	0,637	7,92E-05
Rpa3	68240	mAA8630	0,519	1,91E-03
Rpl6	19988	mAB3785	0,214	2,72E-03
Rpn1	103963	mAA1255	0,629	1,38E-04
Rpo1-3	20018	mAA2032	0,298	5,19E-04
Rpp14	67053	mAA0709	0,323	3,18E-04
Rps15a	267019	mAA2638	0,254	9,15E-03
Rps6ka5	73086	mAB3918	0,237	1,28E-03
Rrm1	20133	mAA2143	0,700	1,39E-05
Rrm2	20135	mAA0253	0,457	7,71E-06
Rsl1d1	66409	mAA2706	0,221	1,24E-03
Rspo3	72780	mAB1135	1,319	7,10E-03
Rsu1	20163	mAA2006	0,380	9,83E-03
Rufy3	52822	mAA0853	0,302	8,73E-03
Rwdd1	66521	mAA8801	0,264	2,33E-04
Ryk	20187	mAA2483	0,526	8,69E-06
S100a13	20196	mAA1312	0,224	1,27E-03
S100a6	20200	mAA8348	1,300	1,10E-08
Sc4mol	66234	mAA8985	0,389	4,92E-03
Sccpdh	109232	mAA3001	0,216	1,92E-03
Scmh1	29871	mAB0764	0,353	2,21E-03
Scoc	56367	mAB3737	0,236	8,59E-03
Sec24d	69608	mAA2360	0,561	2,47E-03
Sec61g	20335	mAB1431	0,323	7,40E-04
Sept11	52398	mAA7878	0,251	1,16E-03
Serpina3g	20715	mAA4967	0,640	5,42E-07
Serpinb1a	66222	mAB1478	0,629	1,06E-05
Serpinb6a	20719	mAB2938	0,284	2,16E-04
Serpinb6c	97848	mAA3094	0,241	1,84E-03
Set	56086	mAA7825	0,241	6,20E-04
Setbp1	240427	mAA7568	0,333	4,81E-05
Sf3b5	66125	mAB2847	0,332	1,67E-03
Sfrs1	110809	mAA9973	0,223	3,76E-03

Sfrs3	20383	mAA2240	0,216	8,18E-03
Sfxn2	94279	mAA4219	0,268	5,90E-04
Sgol1	72415	mAA0506	0,903	2,08E-07
Sh3bgrl2	212531	mAA0310	0,332	8,18E-03
Sh3d19	27059	mAB5103	0,433	4,75E-05
Shcbp1	20419	mAA5419	0,598	3,43E-03
Shfm1	20422	mAB4252	0,286	2,35E-03
Shmt1	20425	mAA3773	0,320	1,03E-03
Slbp	20492	mAA1489	0,418	1,35E-04
Slc12a2	20496	mAA7534	0,291	4,88E-04
Slc15a4	100561	mAB0387	0,335	5,18E-03
Slc1a5	20514	mAA8723	0,819	2,22E-04
Slc25a17	20524	mAA2984	0,262	2,93E-03
Slc25a19	67283	mAA5703	0,322	5,10E-04
Slc30a2	230810	mAA1049	0,261	2,49E-04
Slc31a1	20529	mAA2834	0,402	2,52E-05
Slc35b1	110172	mAA1750	0,365	2,78E-05
Slc39a8	67547	mAA9323	0,238	8,14E-03
Slc4a7	218756	mAB3892	0,407	8,63E-03
Slco5a1	240726	mAA0223	0,450	8,74E-03
Slk	20874	mAB2055	0,288	1,06E-03
Slmo2	66390	mAA1757	0,445	6,29E-03
Smc2	14211	mAA2602	0,445	7,18E-03
Smu1	74255	mAB4032	0,224	4,02E-04
Snapc3	77634	mAA2678	0,350	3,98E-03
Snn	20621	mAB1057	0,534	2,35E-06
Snrpb2	20639	mAA2986	0,228	3,38E-04
Snupn	66069	mAA8863	0,208	6,89E-04
Snx10	71982	mAA1889	0,482	9,53E-05
Snx14	244962	mAA0872	0,262	3,49E-03
Snx2	67804	mAB2105	0,270	1,11E-04
Snx5	69178	mAA4663	1,054	2,10E-08
Snx8	231834	mAB2438	0,295	2,06E-03
Sorbs1	20411	mAB0887	0,232	3,11E-03
Sp110	109032	mAA8222	0,543	4,21E-05
Spag5	54141	mAA9327	0,225	2,77E-03
Spc25	66442	mAA6728	0,418	5,75E-04
Sqle	20775	mAA1911	0,414	2,56E-04
Srbd1	78586	mAA4850	0,306	6,42E-04
Srp14	20813	mAA2312	0,352	1,95E-05
Sspn	16651	mAB5277	0,453	8,69E-03
Ssr1	107513	mAA2824	0,372	4,95E-03
Ssr2	66256	mAB2487	0,443	2,18E-04
Ssr4	20832	mAA3655	0,358	8,30E-04
St3gal6	54613	mAB2480	0,514	6,57E-06
Stch	110920	mAB2945	0,568	2,96E-05
Stil	20460	mAA1544	0,346	1,46E-03
Stmn1	16765	mAB1646	0,451	7,03E-04
Stt3a	16430	mAA0457	0,275	2,09E-03
Stx12	100226	mAA0672	0,207	3,43E-03
Stx3	20908	mAB2352	0,200	4,45E-03
Stx7	53331	mAB3782	0,289	1,38E-04
Sub1	20024	mAB3227	0,313	6,69E-04

Suclg1	56451	mAA9489	0,204	6,63E-04
Sumo1	22218	mAA1553	0,291	4,84E-03
Sumo3	20610	mAA2129	0,455	7,17E-03
Surf4	20932	mAA1279	0,207	1,49E-03
Suv39h1	20937	mAB3515	0,399	7,72E-05
Syce2	71846	mAB1760	1,110	2,07E-04
Sycp1	20957	mAB4912	0,218	4,44E-03
Syk	20963	mAB5595	0,328	4,79E-03
Sypl	19027	mAA1935	0,416	1,46E-04
Syvn1	74126	mAB2706	0,444	1,58E-04
Tacc3	21335	mAA8722	0,418	2,60E-04
Tada1l	27878	mAA4110	0,240	6,58E-03
Tada2l	217031	mAA2743	0,305	9,65E-05
Taf9	108143	mAA2495	0,272	5,71E-03
Taldo1	21351	mAB4648	0,280	2,16E-03
Tbc1d7	67046	mAA0937	0,423	2,40E-04
Tcf19	106795	mAA7090	0,420	4,55E-05
Tcf4	21413	mAA7818	0,262	2,15E-03
Tcp1	21454	mAA2187	0,232	3,52E-03
Tec	21682	mAB5495	0,216	4,02E-04
Tek	21687	mAB5610	0,324	2,28E-04
Tex2	21763	mAA0982	0,239	1,90E-03
Tfb1m	224481	mAB2067	0,429	5,54E-03
Tfg	21787	mAB5067	0,243	1,84E-03
Tfpi	21788	mAB2380	0,366	8,03E-04
Tgfb1	21810	mAB0901	0,303	2,02E-04
Tgs1	116940	mAA8295	0,334	4,67E-04
Timd2	171284	mAA3388	0,266	5,93E-04
Timeless	21853	mAA2027	0,241	2,15E-03
Timm17a	21854	mAA1046	0,262	2,10E-04
Timm8a1	30058	mAA0748	0,344	2,32E-05
Timm8b	30057	mAA4565	0,306	2,79E-04
Tipin	66131	mAB1233	0,998	4,71E-08
Tjp2	21873	mAA9654	0,423	1,70E-03
Tk1	21877	mAA1754	0,667	1,19E-05
Tmbim4	68212	mAB0381	0,376	1,08E-03
Tmc5	74424	mAA9163	2,389	2,12E-09
Tmed10	68581	mAB2952	0,309	9,21E-05
Tmed9	67511	mAA0806	0,632	4,07E-05
Tmem11	216821	mAA0495	0,275	5,84E-03
Tmem14a	75712	mAA4958	0,320	7,13E-03
Tmem33	67878	mAA9985	0,275	9,08E-03
Tmem4	56530	mAB2021	0,313	2,61E-03
Tmem41b	233724	mAA7262	0,215	3,62E-03
Tmem48	72787	mAA2138	0,554	4,08E-05
Tmem49	75909	mAA5342	0,347	7,51E-04
Tmem93	66048	mAA0945	0,248	5,88E-03
Tnfrsf21	94185	mAB5649	0,369	6,15E-04
Tnfsf13b	24099	mAB5331	0,316	3,26E-03
Tnfsf9	21950	mAB5427	0,233	6,57E-03
Tnk2	51789	mAB2517	0,272	7,43E-03
Tnks2	74493	mAA2175	0,322	1,05E-03
Tns3	319939	mAA7488	0,500	1,08E-05

Tommm20	67952	mAA3634	0,331	8,31E-04
Tommm70a	28185	mAA1982	0,340	1,40E-03
Top2a	21973	mAA3428	0,468	5,80E-05
Topbp1	235559	mAB5470	0,457	1,72E-04
Tpd52	21985	mAA5485	0,288	7,54E-05
Tpi1	21991	mAB4241	0,623	3,71E-04
Tpp2	22019	mAA2271	0,277	2,56E-03
Tppp3	67971	mAB0207	0,273	6,63E-03
Tpst1	22021	mAB3430	0,625	1,51E-06
Trap1	68015	mAA2583	0,223	7,69E-03
Trim35	66854	mAB2500	0,259	1,33E-03
Trim37	68729	mAA2663	0,278	5,50E-03
Trip13	69716	mAA0887	0,634	1,78E-04
Trmt5	76357	mAB1004	0,416	7,30E-04
Trmt6	66926	mAA8429	0,287	1,71E-03
Tsen2	381802	mAA9051	0,233	4,20E-04
Tsen34	66078	mAB2654	0,216	7,23E-03
Tsr1	104662	mAA1436	0,227	5,29E-03
Tssc1	380752	mAA2684	0,207	1,09E-03
Ttc15	217449	mAB2299	0,219	1,07E-03
Ttc32	75516	mAA4905	0,423	3,62E-03
Ttc33	67515	mAA0751	0,204	7,07E-03
Ttk	22137	mAB3067	0,770	1,96E-03
Tubgcp2	74237	mAB3248	0,203	2,03E-03
Txn1	22166	mAB1966	0,856	4,62E-06
Txndc16	70561	mAA9678	0,453	5,90E-04
Txndc2	213272	mAA5754	0,548	2,65E-05
Txndc4	76299	mAA1695	0,301	3,52E-04
Txndc5	105245	mAA3130	0,230	4,59E-04
Txndc9	98258	mAA1734	0,314	9,05E-03
Txnl4a	27366	mAB2593	0,291	3,20E-03
Ube2c	68612	mAA2214	0,347	2,62E-03
Ube2l3	22195	mAA0890	0,252	1,33E-03
Ube2s	77891	mAA9773	0,256	7,16E-03
Ube2v2	70620	mAA0545	0,238	7,09E-03
Ublcp1	79560	mAA7469	0,484	2,63E-04
Uchl3	50933	mAA7593	0,334	1,45E-04
Uchl5	56207	mAA0796	0,293	2,88E-03
Uck2	80914	mAA1389	0,357	1,48E-04
Ugp2	216558	mAB3454	0,274	3,90E-03
Uhrf1	18140	mAA2459	0,509	1,73E-05
Umps	22247	mAA0368	0,564	8,04E-06
Unc119b	106840	mAA0159	0,403	7,35E-04
Usmg5	66477	mAB1997	0,338	5,02E-04
Usp14	59025	mAA7590	0,215	6,83E-03
Usp32	237898	mAA9076	0,460	8,95E-05
Usp38	74841	mAA2290	0,205	6,20E-04
Usp39	28035	mAA0460	0,234	4,13E-04
Utx	22289	mAA7431	0,317	9,58E-03
Uvrag	78610	mAB0041	0,214	3,42E-03
Uxt	22294	mAB2118	0,349	5,09E-03
Vbp1	22327	mAA1870	0,277	2,01E-03
Vdac1	22333	mAB2049	0,232	9,70E-03

Vdac2	22334	mAB3194	0,437	2,85E-05
Vdac3	22335	mAB2762	0,420	1,33E-04
Vim	22352	mAB1400	0,396	2,86E-04
Vkorc1	27973	mAB3103	0,433	7,23E-03
Vps29	56433	mAB1755	0,304	3,72E-03
Vps4b	20479	mAA1738	0,239	1,28E-03
Vrk1	22367	mAB4979	0,316	3,59E-03
Vta1	66201	mAA9273	0,263	3,60E-04
Wdhd1	218973	mAA2679	0,735	4,11E-06
Wdr61	66317	mAB4843	0,380	2,29E-04
Wdr67	210544	mAA2639	0,279	1,72E-04
Wdr92	103784	mAB0080	0,214	2,86E-03
Wwp1	107568	mAB0921	0,260	6,49E-04
Xbp1	22433	mAA9243	0,951	6,83E-03
Xist	213742	mAB4462	0,668	7,05E-04
Xlr3c	22446	mAA5724	0,233	3,90E-03
Xpo4	57258	mAA1851	0,345	1,58E-03
Xrcc6	14375	mAB4503	0,241	7,46E-04
Ybx1	22608	mAA8175	0,300	7,70E-05
Yif1b	77254	mAA0646	0,256	8,86E-04
Yipf5	67180	mAA0716	0,224	4,49E-03
Ythdf2	213541	mAA8061	0,296	4,05E-03
Ywhaq	22630	mAA0086	0,337	7,16E-04
Zar1	317755	mAA9710	0,247	6,23E-04
Zbtb46	72147	mAB1401	0,310	4,08E-03
Zc3h12c	244871	mAA4602	0,249	2,63E-03
Zc3h13	67302	mAA1135	0,497	2,73E-04
Zdhhc2	70546	mAB4777	0,783	1,04E-03
Zdhhc6	66980	mAA3431	0,279	3,55E-03
Zfp131	72465	mAB3707	0,387	7,04E-05
Zfp367	238673	mAB2024	0,677	1,33E-05
Zfp706	68036	mAA9561	0,311	1,40E-03
Znhit3	448850	mAB5020	0,278	2,29E-03
Zp2	22787	mAB3228	0,219	8,64E-03
Zwilch	68014	mAA2172	0,708	3,96E-07
Zwint	52696	mAA2549	0,442	2,48E-05

#### E2F1 KO 0h Down

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P.Value
1110019N10Rik	68523	mAA0226	-0,656	2,56E-03
2210012G02Rik	66526	mAB4243	-0,213	5,27E-03
2210419I08Rik	73663	mAB0766	-1,773	5,62E-07
2410081M15Rik	73680	mAA8859	-0,306	1,36E-03
2610206B13Rik	72486	mAB5218	-0,597	5,02E-03
4633401B06Rik	70828	mAA9321	-0,444	9,47E-03
5430440L12Rik	71384	mAA2458	-0,206	9,00E-03
5730508B09Rik	70617	mAA4451	-0,426	2,85E-04
9130404D08Rik	74549	mAA1861	-0,207	2,74E-03
Acadl	11363	mAA4259	-0,242	8,93E-03
Adi1	104923	mAA0769	-0,263	5,37E-03
Agpat1	55979	mAA1344	-0,235	3,19E-03

Agr2	23795	mAA9270	-0,228	3,75E-03
Alas2	11656	mAB4537	-0,988	9,91E-05
Alox12e	11685	mAA5673	-0,226	6,92E-03
Arhgdia	192662	mAA1280	-0,476	7,27E-03
Arid1a	93760	mAA2114	-0,322	3,66E-03
Arl6ip2	56298	mAA6417	-0,333	2,26E-04
Arsb	11881	mAB2091	-0,315	3,40E-03
Atp6v0a4	140494	mAA5158	-0,263	4,02E-03
AU014876	106306	mAA7954	-0,325	1,66E-03
AU016938	101236	mAA8600	-0,503	1,56E-03
AU024546	100839	mAA6844	-0,266	6,05E-03
B430203I24Rik	97874	mAA4078	-0,241	9,18E-03
Bcl2l1	12048	mAB1291	-1,474	7,73E-08
Bst2	69550	mAA5355	-0,300	1,07E-03
C76711	97629	mAA3227	-0,313	6,65E-03
C77096	97131	mAA3348	-0,348	2,15E-03
C79240	97531	mAA4059	-0,290	9,11E-03
C81521	97095	mAA4713	-0,223	3,23E-03
C86371	97615	mAA5139	-0,256	2,34E-03
Cacna2d3	12294	mAA6208	-0,283	4,33E-03
Cbx5	12419	mAA3041	-1,636	1,95E-07
Ccdc86	108673	mAA4455	-0,721	1,75E-04
Ccl27	20301	mAB5168	-0,274	2,88E-03
Cfl1	12631	mAB1823	-0,277	1,16E-03
Cnn2	12798	mAA3732	-0,246	2,80E-03
Col2a1	12824	mAA2480	-0,296	3,62E-03
Csnk1e	27373	mAA5436	-0,258	6,61E-03
Cyb5r3	109754	mAA4759	-0,284	1,21E-03
D14Ertd449e	66039	mAB0350	-0,416	5,26E-04
D17Wsu104e	28106	mAA0034	-0,358	4,74E-04
D330038O06Rik	330788	mAA4977	-0,261	2,12E-03
D5Ertd422e	52268	mAA4944	-0,216	5,99E-03
Dab2	13132	mAA2348	-0,285	3,41E-03
Daxx	13163	mAA2326	-0,308	1,84E-03
Ddx54	71990	mAB1533	-0,409	3,93E-05
Dppa2	73703	mAA2921	-0,290	2,68E-03
E2f4	104394	mAA0754	-0,224	8,27E-03
Efna1	13636	mAA0060	-0,438	8,88E-03
Egflam	268780	mAA9132	-0,462	1,63E-03
Eif2s3y	26908	mAA7581	-0,504	6,49E-07
Eif4b	75705	mAA4783	-0,299	6,60E-03
Entpd4	67464	mAA6859	-0,262	4,10E-03
Fgd6	13998	mAA6475	-0,363	3,09E-03
Fkbp8	14232	mAA2913	-0,383	2,00E-03
Folr4	64931	mAA5104	-0,293	3,06E-03
Gapvd1	66691	mAA0036	-0,331	8,50E-03
Gdf9	14566	mAA4861	-0,248	5,18E-03
Got2	14719	mAB5012	-0,917	1,44E-06
Gpd2	14571	mAA0456	-0,300	3,44E-04
Gstm1	14862	mAB2830	-0,258	5,44E-03
Hba-a1	15122	mAB1711	-1,856	2,04E-06
Hba-x	15126	mAB1024	-1,301	1,08E-04
Hbb-y	15135	mAB1237	-1,591	9,91E-07

Hnrph1	59013	mAB1996	-1,666	3,26E-05
Hsd17b4	15488	mAB1178	-0,841	9,91E-07
Igtp	16145	mAB5013	-0,234	6,65E-03
Ikbke	56489	mAB4876	-0,297	9,74E-04
Il6st	16195	mAA8410	-0,210	3,69E-03
Iqgap1	29875	mAA8013	-0,251	1,03E-03
Itfg2	101142	mAA1557	-0,306	4,94E-03
Kif5b	16573	mAA0048	-0,650	6,96E-04
Lats1	16798	mAA4728	-0,215	6,65E-03
Ldb1	16825	mAA7385	-0,242	3,15E-03
Limd2	67803	mAA7396	-0,214	9,53E-03
Lmbr1l	74775	mAA7151	-0,203	2,77E-03
Lrrc27	76612	mAA9560	-0,236	6,65E-03
Mast2	17776	mAB0979	-0,258	3,89E-03
Mbd5	109241	mAB2828	-1,134	4,38E-06
Mov10	17454	mAA3547	-0,270	2,87E-03
Ncstn	59287	mAA1123	-0,344	2,74E-04
Nfe2l1	18023	mAA0421	-0,202	4,29E-03
Npepl1	228961	mAB4970	-0,240	6,52E-03
Nr1h2	22260	mAA5470	-0,265	2,15E-03
Nr5a1	26423	mAA5014	-0,271	9,16E-03
Nrf1	18181	mAA5306	-0,341	8,98E-03
Oas1c	114643	mAA5120	-0,337	1,03E-03
Otud5	54644	mAA0279	-0,298	7,08E-03
Pabpc1	18458	mAA1114	-0,222	7,43E-03
Pabpc4	230721	mAA2981	-0,203	5,92E-03
Patz1	56218	mAA2876	-0,308	6,22E-03
Phf6	70998	mAB1714	-0,509	2,06E-03
Pld3	18807	mAA7535	-0,256	2,23E-03
Ppp1r1b	19049	mAA9250	-0,238	8,15E-03
Ppp1r9b	217124	mAB3301	-0,297	2,05E-03
Ppp2r4	110854	mAA9241	-0,229	5,27E-03
Prkcsh	19089	mAA2890	-0,388	6,65E-04
Pscd2	19158	mAA5457	-0,213	3,09E-03
Pygb	110078	mAB1213	-0,212	6,05E-03
Rab11b	19326	mAB1474	-0,254	1,84E-03
Rab1b	76308	mAA2313	-0,212	6,21E-03
Rab35	77407	mAB3009	-0,249	6,95E-03
Ranbp10	74334	mAA4401	-0,243	5,39E-03
Rbpms	19663	mAA7193	-0,682	1,34E-04
Rfng	19719	mAA3938	-0,303	2,18E-03
Rfx1	19724	mAA7259	-0,265	6,04E-03
Ripk5	213452	mAA6293	-0,421	6,41E-03
RP23-136K12.4	19062	mAB4990	-0,213	5,01E-03
Rpgrip1	77945	mAA4433	-0,370	9,68E-05
Rpia	19895	mAA8755	-0,242	8,28E-03
Samhd1	56045	mAA6682	-0,249	8,28E-03
Sgta	52551	mAA3826	-0,255	6,41E-03
Sh2b3	16923	mAB5113	-0,272	3,26E-03
Slc1a5	20514	mAA8723	-0,773	1,56E-03
Slc44a2	68682	mAB4009	-0,276	3,35E-03
Slc9a3r1	26941	mAA3758	-0,377	3,82E-05
Slco3a1	108116	mAA4738	-0,312	2,66E-03



Socs3	12702	mAA0826	-0,266	3,52E-03
Stau1	20853	mAB1716	-0,323	5,07E-03
Stbd1	52331	mAA6245	-0,310	6,58E-03
Stk24	223255	mAA3178	-0,228	3,19E-03
Thrap3	230753	mAA1560	-0,278	1,53E-03
Tia1	21841	mAB1485	-1,258	9,33E-06
Tktl1	83553	mAA4291	-0,619	6,21E-03
Tmc6	217353	mAA3869	-0,333	7,15E-04
Tmub2	72053	mAA2796	-0,208	6,41E-03
Tnfrsf23	79201	mAA1793	-0,231	3,20E-03
Trim11	94091	mAB4019	-0,211	2,50E-03
Trim8	93679	mAA0069	-0,228	9,58E-03
Trp53	22059	mAB3578	-0,329	3,20E-03
Trpc4ap	56407	mAA2078	-0,338	4,47E-03
Ube2v1	66589	mAA0028	-0,260	3,48E-03
Ube3b	117146	mAB2510	-0,205	4,21E-03
Usmg5	66477	mAB2010	-0,788	2,35E-07
Wdhd1	218973	mAA2679	-0,308	7,14E-03
Wfdc1	67866	mAB3408	-1,186	3,10E-07
Xist	213742	mAB4462	-1,892	5,62E-07

#### E2F2 KO 0h Down

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P.Value
1110059E24Rik	66206	mAB4416	-0,327	3,38E-04
1600021P15Rik	239796	mAB5115	-0,283	3,27E-03
1700021C14Rik	76927	mAB1663	-0,289	1,39E-04
1810015C04Rik	66270	mAA8099	-0,390	1,08E-03
2210419I08Rik	73663	mAB0766	-0,576	2,23E-03
2410002F23Rik	66976	mAB3895	-0,209	7,07E-03
2410081M15Rik	73680	mAA8859	-0,380	1,41E-04
2610529C04Rik	67075	mAA8131	-0,209	9,20E-04
2700038G22Rik	67194	mAA3024	-0,345	1,56E-03
2810002O09Rik	72345	mAB4923	-0,382	2,00E-03
2810040C05Rik	72719	mAA4216	-0,498	5,13E-06
4633401B06Rik	70828	mAA9321	-0,661	4,06E-04
4833420G17Rik	67392	mAB3347	-1,116	5,66E-04
5730508B09Rik	70617	mAA4451	-0,221	8,23E-03
5830417I10Rik	76022	mAA3643	-0,202	6,86E-03
5830471E12Rik	77208	mAA3066	-0,485	1,79E-03
9030612M13Rik	208292	mAA0923	-0,385	6,20E-03
9130404D08Rik	74549	mAA3593	-0,649	8,28E-06
9230105E10Rik	319236	mAA2038	-0,566	4,63E-04
9430016H08Rik	68115	mAA0172	-0,393	1,05E-03
A930012N16Rik	77813	mAA3982	-0,214	2,21E-03
Aak1	269774	mAA4095	-0,306	4,20E-03
Acp5	11433	mAA0606	-0,275	7,24E-03
Actb	11461	mAA3902	-0,373	2,32E-03
Actn1	109711	mAA1688	-0,487	7,78E-03
Add1	11518	mAB3273	-0,354	1,70E-03
Agtrap	11610	mAA2526	-0,312	9,79E-03
AI314760	106885	mAA8403	-0,673	1,41E-04

AI450241	106906	mAA3879	-0,216	7,48E-03
Akap8l	54194	mAA9881	-0,221	3,95E-03
Akap9	100986	mAA3980	-0,795	1,41E-04
Arih1	23806	mAA7022	-0,398	2,48E-04
Arrb2	216869	mAA6909	-0,248	6,46E-03
Atm	11920	mAB4487	-0,240	9,88E-03
Atp1b1	11931	mAA1740	-0,207	1,61E-03
AU014876	106306	mAA7954	-0,293	1,38E-03
AU015336	106309	mAA7976	-0,218	5,51E-03
AU016938	101236	mAA8600	-0,355	5,57E-03
AU019542	102224	mAA7306	-0,220	1,91E-03
AU022252	230696	mAA5926	-0,297	1,00E-03
AU040829	216831	mAA9186	-0,275	6,42E-04
Aven	74268	mAA8782	-0,296	5,01E-03
AW556556	106817	mAB4226	-0,402	6,39E-04
Bach2	12014	mAB2867	-0,641	1,68E-03
Baz2a	116848	mAA7116	-0,394	8,59E-03
BC057552	212123	mAA7556	-0,263	3,96E-03
Bcl2l1	12048	mAB1291	-0,413	9,20E-04
Bicd2	76895	mAA5121	-0,214	7,21E-04
Bmp15	12155	mAA5284	-0,255	2,81E-03
Brd4	57261	mAA0011	-0,201	9,94E-03
C130038G02Rik	77521	mAA7822	-0,210	9,37E-03
C430045I18Rik	77656	mAA3799	-0,249	1,15E-03
C76472	97784	mAA3175	-0,234	7,11E-03
C77563	97857	mAA3495	-0,315	5,35E-04
C77847	97954	mAA3588	-0,213	5,84E-03
C77905	97142	mAA3603	-0,229	4,11E-03
C78505	98146	mAA3785	-0,283	9,02E-04
C78653	97640	mAA3836	-0,229	2,39E-03
C78704	97868	mAA3855	-0,292	3,48E-03
C78893	97149	mAA3927	-0,237	8,90E-03
C79240	97531	mAA4059	-0,371	1,01E-03
C81189	97654	mAA4624	-0,342	6,51E-03
C85771	98123	mAA4954	-0,240	1,56E-03
Calcoco2	76815	mAA3904	-0,244	5,54E-03
Cbl	12402	mAA6119	-0,461	5,66E-04
Cbx5	12419	mAA3041	-0,491	1,42E-03
Ccar1	67500	mAA2810	-0,223	9,20E-04
Ccdc6	76551	mAA8217	-0,269	5,84E-04
Ccdc86	108673	mAA4455	-0,259	2,31E-03
Ccnd2	12444	mAB2743	-0,377	1,66E-04
Cdv3	321022	mAA4117	-0,452	9,31E-04
Chd4	107932	mAA4940	-0,266	6,10E-03
Chd8	67772	mAA8098	-0,294	6,72E-03
Cnn2	12798	mAA3732	-0,275	8,68E-04
Cpsf4	54188	mAA9550	-0,201	2,37E-03
Crry	12946	mAA1604	-0,496	8,14E-05
Csad	246277	mAA6343	-0,345	6,85E-04
Csnk2a2	13000	mAA7293	-0,277	9,00E-04
Csprs	114564	mAA8310	-0,566	9,44E-04
Cxxc1	74322	mAA9111	-0,204	8,74E-03
D11Ertd80e	52473	mAA3614	-0,439	3,52E-04

D11Wsu173e	28129	mAA0451	-0,227	7,26E-03
D13Ertd787e	52680	mAA7769	-0,639	8,02E-05
D14Ertd436e	218978	mAA7730	-0,380	1,19E-03
D14Ertd449e	66039	mAA5181	-0,543	6,06E-04
D14Ertd725e	52524	mAA7117	-0,323	3,72E-04
D15Ertd55e	52458	mAA3517	-0,217	7,39E-04
D1Ertd646e	52383	mAA8065	-0,516	3,05E-03
D1Ertd83e	52079	mAA3627	-0,206	1,54E-03
D2Ertd295e	51901	mAA4302	-0,236	1,33E-03
D2Ertd612e	51922	mAA7898	-0,659	1,43E-05
D2Ertd640e	51925	mAA8034	-0,396	9,93E-04
D3Ertd34e	52061	mAA3433	-0,262	6,09E-03
D7Ertd183e	52234	mAA3800	-0,272	1,31E-03
D9Ertd306e	52203	mAA4383	-0,316	8,59E-04
Dag1	13138	mAA0688	-0,298	8,44E-04
Dcbld2	73379	mAA2857	-0,232	5,21E-03
Ddi2	68817	mAA8776	-0,529	2,86E-05
Dgka	13139	mAA2764	-0,277	1,07E-03
Dnajc5	13002	mAA7049	-0,308	1,96E-03
Dnm2	13430	mAA5730	-0,246	9,86E-03
Dnmt3b	13436	mAA0218	-0,279	1,59E-03
Dph5	69740	mAA0952	-1,051	2,65E-04
Drap1	66556	mAB4601	-0,319	1,67E-03
DXErtd223e	52197	mAA3979	-0,465	1,86E-03
Etnk1	75320	mAA3111	-0,488	1,87E-03
Fkbp8	14232	mAA2913	-0,257	9,12E-03
Foxo1	56458	mAA6160	-0,328	7,54E-04
Foxp1	108655	mAB5069	-0,342	8,94E-03
Frrs1	20321	mAA5220	-0,422	2,41E-04
Fryl	72313	mAA6492	-0,348	6,88E-04
Fsd1	240121	mAA3005	-0,207	5,85E-03
G3bp1	27041	mAB0119	-0,238	5,27E-03
G3bp2	23881	mAA6730	-0,333	1,92E-04
Galnt10	171212	mAA8998	-0,320	5,67E-03
Gcap14	72972	mAA4760	-0,619	9,90E-05
Gdf9	14566	mAA4861	-0,207	3,67E-03
Ggnbp2	217039	mAA3075	-0,434	7,06E-03
Glg1	20340	mAA4959	-0,408	7,86E-04
Gmip	78816	mAA1254	-0,210	7,13E-03
Gna14	14675	mAA6314	-0,212	2,69E-03
Gnai2	14678	mAA1669	-0,591	5,00E-05
Got2	14719	mAB5012	-0,269	7,39E-03
Gpd2	14571	mAA0456	-0,231	9,00E-04
Gramd1a	52857	mAB1040	-0,353	7,56E-03
Gstm1	14862	mAB2830	-0,287	1,28E-03
Gtf3c1	233863	mAA8272	-0,990	1,20E-04
Gtf3c2	71752	mAB1047	-0,252	7,95E-04
Hba-a1	15122	mAA4235	-0,346	9,30E-03
Hbb-b1	15129	mAB1304	-0,490	1,03E-04
Hbb-y	15135	mAB1237	-0,425	9,75E-03
Hdc	15186	mAB0471	-0,956	1,45E-04
Igfbp3	16009	mAB4766	-0,786	1,73E-03
Igfbp4	16010	mAB0130	-0,884	1,18E-06

Ikbke	56489	mAB4876	-0,317	2,86E-04
Il6st	16195	mAA8410	-0,351	5,39E-05
Itfg2	101142	mAA1557	-0,269	4,73E-03
Jarid1a	214899	mAA9108	-0,467	1,34E-03
Kctd4	67516	mAA8669	-0,248	2,33E-03
Kif5b	16573	mAA3027	-0,233	3,66E-03
Klf11	194655	mAA4975	-0,237	1,89E-03
Klf6	23849	mAA0730	-0,343	1,39E-03
Klf7	93691	mAA5819	-0,532	1,21E-04
Lats1	16798	mAA6073	-0,256	3,53E-04
Ldb1	16825	mAA7385	-0,215	2,81E-03
Limd1	29806	mAA1744	-0,331	1,23E-03
Limd2	67803	mAA7396	-0,235	2,81E-03
Lmbr1l	74775	mAA7151	-0,265	2,18E-04
LOC100039026	100039026	mAA4034	-0,328	1,38E-03
Luc7l2	192196	mAA2832	-0,257	1,70E-03
Malat1	72289	mAA0957	-0,900	2,51E-04
Man1c1	230815	mAA9856	-0,223	2,07E-03
Map3k3	26406	mAB1460	-0,276	6,71E-04
Mark2	13728	mAA1913	-0,212	2,32E-03
Mbc2	23943	mAA8967	-0,280	1,33E-03
Mbnl2	105559	mAB0163	-0,372	2,75E-04
Med14	26896	mAB0202	-0,232	1,47E-03
Mgea5	76055	mAA4863	-0,695	1,18E-06
Mier3	218613	mAA8112	-0,356	3,56E-05
Mll5	69188	mAA9237	-0,447	1,86E-03
Mllt1	64144	mAA0050	-0,211	1,32E-03
Mns1	17427	mAB0825	-0,269	4,52E-03
Mtdh	67154	mAA0744	-0,323	2,11E-03
Myh9	17886	mAA4311	-0,341	5,02E-04
Nasp	50927	mAA6986	-0,366	4,10E-04
Ncor1	20185	mAB3919	-0,840	1,71E-06
Nfatc3	18021	mAA0238	-0,293	8,51E-03
Nlk	18099	mAA1076	-0,306	1,10E-04
Npc2	67963	mAB0038	-0,295	6,69E-03
Npepps	19155	mAA2494	-0,358	2,06E-04
Nr1h2	22260	mAA5470	-0,203	4,70E-03
Nsd1	18193	mAA4716	-0,424	7,50E-04
Nupl1	71844	mAA2539	-0,428	5,88E-05
Ogt	108155	mAA2768	-0,530	3,27E-03
Orc3l	50793	mAA7399	-0,819	5,36E-07
Otud5	54644	mAA0279	-0,255	8,15E-03
Pabpc1	18458	mAA1113	-0,216	2,25E-03
Pan3	72587	mAB3666	-0,378	2,25E-04
Pbrm1	66923	mAA3254	-0,310	3,80E-03
Pdcd4	18569	mAB2491	-0,661	2,80E-03
Pds5a	71521	mAA8698	-0,219	7,95E-03
Phip	83946	mAA6942	-0,785	5,80E-04
Pi4ka	224020	mAA3803	-0,231	9,02E-04
Pik3ip1	216505	mAA8391	-0,306	2,44E-03
Pink1	68943	mAB0538	-0,248	4,07E-03
Pip5k1a	18720	mAA2173	-0,315	3,02E-03
Pld3	18807	mAA7535	-0,326	2,08E-04

Plec1	18810	mAB0496	-0,404	2,09E-03
Pqlc1	66943	mAA3961	-0,216	6,77E-04
Prkcbp1	228880	mAA5624	-0,230	1,71E-03
Prkcsh	19089	mAA2890	-0,246	5,19E-03
Prkx	19108	mAB3025	-0,219	4,07E-03
Psen2	19165	mAB3360	-0,228	2,50E-03
Pten	19211	mAA8166	-0,275	8,22E-03
Purb	19291	mAA2387	-0,559	2,57E-05
Rab1b	76308	mAA2313	-0,205	3,50E-03
Rabac1	14470	mAB0044	-0,221	3,25E-03
Rai1	19377	mAA1654	-0,221	2,10E-03
Rbm27	225432	mAA7660	-0,228	1,31E-03
Rbm28	68272	mAA1295	-0,247	3,82E-03
Rbm38	56190	mAA9539	-0,269	2,70E-03
Rbm39	170791	mAA4490	-0,468	3,72E-03
Rbms1	56878	mAA2615	-0,233	3,52E-03
Rbpms2	71973	mAA3018	-0,230	8,14E-03
Rock1	19877	mAA6560	-0,246	3,27E-03
Rpp30	54364	mAA4673	-0,261	1,58E-03
Sall2	50524	mAB5216	-0,230	8,00E-03
Samhd1	56045	mAA6682	-0,255	3,57E-03
Scfd1	76983	mAA7437	-0,238	9,61E-03
Sf3b1	81898	mAB4472	-0,433	4,19E-05
Sfn	55948	mAA0152	-0,271	1,02E-03
Sfpq	71514	mAA5769	-0,958	6,05E-04
Sfrs10	20462	mAA4144	-0,582	4,84E-04
Sgms1	208449	mAA9994	-0,238	2,50E-03
Sh3bgrl3	73723	mAA0608	-0,402	3,81E-03
Shoc2	56392	mAB2940	-0,417	4,36E-04
Slc6a6	21366	mAA4449	-0,334	7,62E-03
Slc9a3r1	26941	mAA3758	-0,306	2,22E-04
Smarcc1	20588	mAA2523	-0,328	8,46E-05
Smc4	70099	mAA6368	-0,471	2,12E-03
Smek2	104570	mAA6998	-0,200	1,57E-03
Smg6	103677	mAA3233	-0,304	2,79E-03
Son	20658	mAA3281	-0,497	4,15E-05
Sos1	20662	mAB2538	-0,276	4,74E-03
Spint2	20733	mAB0449	-0,223	1,72E-03
Srrm2	75956	mAA0173	-0,556	1,82E-05
Ssbp3	72475	mAA7232	-0,234	7,39E-04
Stat3	20848	mAB5147	-0,358	1,61E-04
Taok1	216965	mAA6827	-0,432	7,63E-05
Tbl1x	21372	mAA3868	-0,841	5,20E-05
Tdrd9	74691	mAB4592	-0,332	6,45E-03
Thrap3	230753	mAB3587	-0,505	1,87E-05
Timm50	66525	mAA8966	-0,229	1,30E-03
Tnfrsf9	21942	mAA0367	-0,217	1,58E-03
Tnrc6a	233833	mAB3358	-0,270	7,10E-03
Trim34	94094	mAA9290	-0,535	1,24E-04
Trove2	20822	mAA9418	-0,263	8,00E-03
Trp53	22059	mAB3578	-0,237	8,80E-03
Tshz1	110796	mAA5737	-0,272	7,03E-04
Tulp3	22158	mAA9146	-0,257	6,98E-03

Ubp2l	74383	mAA3373	-0,231	2,28E-03
Ube2r2	67615	mAA0686	-0,249	3,79E-03
Utx	22289	mAA7431	-0,692	1,27E-04
Vgll4	232334	mAA7846	-0,330	1,11E-04
Vldlr	22359	mAA9215	-0,407	9,31E-04
Wdr26	226757	mAA1228	-0,239	9,81E-04
Wdr45l	66840	mAA7029	-0,299	2,80E-03
Wipf2	68524	mAA5603	-0,283	1,90E-04
Xist	213742	mAB4462	-3,936	3,69E-09
Xpr1	19775	mAA4492	-0,282	8,43E-04
Zcchc6	214290	mAA5661	-0,380	4,25E-03
Zfp36l2	12193	mAA1399	-0,608	3,30E-06

### DKO 0h Down

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P,Value
0610025P10Rik	216860	mAB5021	-0,328	3,58E-03
1110001D15Rik	68553	mAB3002	-0,575	6,94E-04
1110014N23Rik	68505	mAA2569	-0,202	2,68E-03
1200004M23Rik	67457	mAA7122	-0,474	5,12E-05
1200015A19Rik	67808	mAB0267	-0,384	1,41E-04
1500003O03Rik	56398	mAA7708	-0,270	7,72E-04
1500005K14Rik	76566	mAA7839	-0,583	3,96E-07
1500034J01Rik	66498	mAA7966	-0,318	7,01E-04
1600020E01Rik	72012	mAA8054	-0,276	5,60E-03
1700081L11Rik	76719	mAB5105	-0,764	2,01E-05
1810015C04Rik	66270	mAA8099	-0,311	2,50E-03
2210010C17Rik	70080	mAA5913	-0,463	2,99E-04
2210419I08Rik	73663	mAB0766	-0,548	1,73E-03
2310007H06Rik	75680	mAA9223	-0,955	4,27E-07
2310014G06Rik	654795	mAB5049	-0,300	1,46E-03
2310014H01Rik	76448	mAA0281	-0,420	7,58E-05
2310043N10Rik	66961	mAA8680	-0,412	8,02E-04
2310051F07Rik	108745	mAB0753	-0,292	6,24E-05
2410014A08Rik	109154	mAB1350	-0,309	7,20E-04
2410081M15Rik	73680	mAA8859	-0,440	2,08E-05
2500003M10Rik	66511	mAA4664	-0,240	6,15E-04
2610019F03Rik	72148	mAB3606	-0,386	6,60E-04
2610024E20Rik	225358	mAB0722	-0,247	5,34E-03
2610301G19Rik	219158	mAB2316	-0,356	3,07E-03
2810040C05Rik	72719	mAA4216	-0,294	9,79E-05
4121402D02Rik	74026	mAA6855	-0,544	2,68E-06
4631424J17Rik	70802	mAA8409	-0,310	4,98E-04
4632428N05Rik	74048	mAA0846	-0,375	1,81E-03
4732418C07Rik	230648	mAA0250	-0,200	2,32E-03
4833420G17Rik	67392	mAB3347	-1,162	2,08E-04
4930565O14	330902	mAA8684	-0,247	3,22E-03
4930595D18Rik	78062	mAA0055	-0,493	7,50E-06
4933437K13Rik	74478	mAB2355	-0,238	9,95E-03
4933439C20Rik	66776	mAA0832	-0,212	1,50E-03
5430440L12Rik	71384	mAA2458	-0,242	8,54E-04
5730403B10Rik	66626	mAB3975	-0,224	1,92E-03

5730593F17Rik	215512	mAB4358	-0,238	1,57E-03
5830434P21Rik	227723	mAA0792	-0,339	7,79E-04
5830471E12Rik	77208	mAA3066	-0,364	6,04E-03
6330514A18Rik	216166	mAB0172	-0,242	5,19E-03
9130404D08Rik	74549	mAA3593	-0,239	3,91E-03
9230105E10Rik	319236	mAA2038	-0,481	7,01E-04
9530029O12Rik	399629	mAA9315	-0,499	6,72E-03
A130034M23Rik	320759	mAA1756	-0,252	7,98E-03
A230054D04Rik	665775	mAA6482	-0,381	1,45E-04
AA763515	98823	mAA9021	-0,260	9,13E-04
Aak1	269774	mAA5604	-0,274	1,19E-03
Aatf	56321	mAA2770	-0,232	8,50E-03
Abce1	24015	mAA0439	-0,247	1,25E-03
Abl2	11352	mAA6054	-0,252	9,49E-03
Ablim1	226251	mAA2733	-0,274	6,32E-04
Acadm	11364	mAA2757	-0,309	1,64E-03
Acin1	56215	mAA9733	-0,226	2,03E-03
Acp5	11433	mAA0606	-0,468	1,31E-04
Actn1	109711	mAA0285	-0,701	9,04E-04
Actn3	11474	mAA5062	-0,483	3,46E-05
Actn4	60595	mAA4025	-0,432	2,67E-03
Actr1a	54130	mAA2722	-0,333	5,45E-04
Acvr1b	11479	mAB2871	-0,348	3,89E-03
Adamts10	224697	mAA2248	-0,569	3,57E-04
Adcy7	11513	mAA0276	-0,503	8,86E-04
Add1	11518	mAB3273	-0,613	1,87E-05
Adi1	104923	mAA0769	-0,315	1,54E-03
Adipor2	68465	mAB3074	-0,248	6,08E-04
Adrb2	11555	mAA3307	-0,296	2,49E-04
Agpat7	99010	mAA3039	-0,288	9,59E-03
Agtrap	11610	mAA2526	-0,470	4,55E-04
AI314760	106885	mAA8403	-0,333	6,75E-03
AI848100	226551	mAA8597	-0,242	2,03E-03
Akap8	56399	mAA7587	-0,449	2,00E-04
Akap8l	54194	mAA9881	-0,222	2,24E-03
Akap9	100986	mAA3980	-0,349	9,49E-03
Akt1s1	67605	mAA0312	-0,254	6,57E-03
Akt2	11652	mAB2236	-0,379	2,19E-05
Aldoa	11674	mAA2918	-0,271	1,41E-03
Aldob	230163	mAA5221	-0,254	9,55E-03
Angel2	52477	mAA4765	-0,241	1,76E-04
Ankrd10	102334	mAB2690	-0,244	7,01E-04
Ankrd11	77087	mAB2152	-0,291	9,43E-04
Anxa6	11749	mAB3407	-0,694	3,19E-05
Ap2m1	11773	mAA1099	-0,316	3,33E-03
Appl2	216190	mAB2956	-0,411	1,25E-05
Arc	11838	mAA5047	-0,200	3,04E-03
Arf3	11842	mAB4526	-0,280	2,54E-03
Arhgap1	228359	mAB5466	-0,316	8,83E-04
Arhgap12	75415	mAA1330	-0,443	1,07E-04
Arhgap4	171207	mAB5573	-0,341	6,58E-03
Arhgap9	216445	mAA9553	-0,409	9,68E-05
Arhgdia	192662	mAA1280	-0,609	3,83E-04

Arhgef4	226970	mAB3076	-0,352	2,65E-03
Arid1a	93760	mAA2114	-0,762	5,24E-07
Arid2	77044	mAA1357	-0,286	8,54E-03
Arnt	11863	mAA6117	-0,375	6,64E-03
Arpc4	68089	mAA1945	-0,297	5,73E-03
Arrb2	216869	mAA6909	-0,590	9,52E-06
Arrdc1	215705	mAB0950	-0,395	4,29E-05
As3mt	57344	mAA7549	-0,303	3,24E-03
Asb13	142688	mAA4810	-0,214	7,93E-03
Aspscr1	68938	mAA2884	-0,254	1,46E-03
Asxl2	75302	mAB1254	-0,267	7,82E-04
Atp11b	76295	mAA7069	-0,348	4,01E-03
Atp1b1	11931	mAA1780	-0,379	1,72E-05
Atp6v0a2	21871	mAA3286	-0,258	3,46E-03
Atrx	22589	mAB2628	-0,336	1,24E-03
AU017455	105590	mAA8762	-0,219	9,70E-03
AU022252	230696	mAA5926	-0,206	5,48E-03
B430203I24Rik	97874	mAA4078	-0,242	2,66E-03
B4galt1	14595	mAA1313	-0,213	1,49E-03
B930037P14Rik	225861	mAB5117	-0,251	3,98E-03
Bach1	12013	mAA7168	-0,329	1,61E-03
Bach2	12014	mAB2867	-1,082	2,23E-05
Banp	53325	mAB0550	-0,351	9,12E-04
Bap1	104416	mAA2652	-0,248	6,82E-04
Bat3	224727	mAA0452	-0,210	2,28E-03
Baz2a	116848	mAA7116	-0,481	1,58E-03
BB001228	103503	mAA9666	-0,468	9,04E-05
BC029214	227622	mAA9142	-0,203	1,38E-03
BC032204	108101	mAA4195	-0,223	4,71E-03
BC037393	381695	mAB5136	-0,241	5,66E-03
BC043098	214469	mAB3109	-0,255	7,69E-03
BC057552	212123	mAA7556	-0,369	2,39E-04
Bcl2	12043	mAB5436	-0,236	1,91E-03
Bcl2l1	12048	mAB1291	-0,516	1,02E-04
Bcor	71458	mAA0742	-0,243	8,59E-03
Birc6	12211	mAB2858	-0,340	5,88E-03
Bmp15	12155	mAA5284	-0,952	1,02E-07
Bptf	207165	mAA8261	-0,324	3,17E-03
Brc1	12189	mAB5530	-0,315	1,97E-05
Brd1	223770	mAA7742	-0,415	9,06E-06
Brd2	14312	mAB1333	-0,497	1,03E-04
Brd3	67382	mAB0440	-0,479	6,10E-03
Brd4	57261	mAA0011	-0,248	1,76E-03
Brd8	78656	mAA2618	-0,308	1,71E-03
Bsg	12215	mAA1899	-0,293	8,66E-03
Btbd7	238386	mAB5076	-0,360	1,14E-04
C030046I01Rik	109284	mAB2908	-0,527	3,11E-05
C130006E23	331563	mAB2022	-0,498	8,33E-05
C78409	216441	mAA3752	-0,211	1,03E-03
C81521	97095	mAA4713	-0,251	3,40E-04
C920006C10Rik	76740	mAB4617	-0,242	4,67E-03
Cacnb3	12297	mAB1136	-0,222	5,08E-03
Camk1d	227541	mAA9687	-0,296	1,09E-03



Capzb	12345	mAB4162	-0,300	2,48E-04
Casd1	213819	mAB2827	-0,235	2,99E-03
Casp7	12369	mAB5630	-0,204	2,52E-03
Cbx5	12419	mAA3041	-0,535	4,37E-04
Ccdc115	69668	mAA9943	-0,235	7,90E-03
Ccdc52	212514	mAA6146	-0,229	8,50E-03
Ccdc64	75665	mAB2301	-0,471	2,29E-04
Ccdc86	108673	mAA4455	-0,202	6,10E-03
Ccdc88c	68339	mAA7506	-0,299	8,86E-04
Ccnd2	12444	mAB2689	-0,536	1,79E-04
Ccnt1	12455	mAB0363	-0,343	6,35E-04
Cd1d1	12479	mAA7515	-0,407	1,29E-03
Cd47	16423	mAA0294	-0,419	1,18E-03
Cdc42se1	57912	mAB4879	-0,366	1,07E-04
Cdkn1b	12576	mAA0337	-0,208	1,74E-03
Cdkn2c	12580	mAB0818	-0,645	1,84E-05
Cdv3	321022	mAA4117	-0,423	4,52E-03
Cfl1	12631	mAB1823	-0,691	2,85E-07
Chd4	107932	mAA4940	-0,422	9,24E-03
Chd8	67772	mAA6361	-0,649	2,78E-05
Chmp1a	234852	mAA1138	-1,214	3,52E-03
Chst12	59031	mAA8607	-0,239	9,03E-04
Clip1	56430	mAA2815	-0,202	8,53E-04
Cln3	12752	mAB4222	-0,476	1,78E-05
Clptm1	56457	mAB4980	-0,236	5,44E-03
Cnn2	12798	mAA3732	-0,436	1,58E-05
Col4a3bp	68018	mAA8524	-0,337	1,33E-04
Crebbp	12914	mAA7177	-0,273	1,39E-03
Crebzf	233490	mAB0777	-0,292	5,02E-04
Crim1	50766	mAA5668	-0,264	8,34E-03
Crkrs	69131	mAA2854	-0,209	7,04E-03
Csad	246277	mAA6343	-0,309	7,20E-04
Csde1	229663	mAA2327	-0,215	3,11E-03
Csnk1e	27373	mAA3907	-0,211	2,40E-03
Csnk1g2	103236	mAB1417	-0,252	3,99E-04
Csnk2a1	12995	mAA1724	-0,580	1,32E-05
Csnk2a2	13000	mAA7293	-0,333	1,29E-04
Csrp2bp	228714	mAA4824	-0,252	7,17E-03
Ctbp1	13016	mAB0352	-0,315	2,33E-03
Ctdsp1	227292	mAA9179	-0,441	3,85E-05
Ctdsp2	52468	mAB2601	-0,312	5,09E-03
Cxxc1	74322	mAA9111	-0,397	6,24E-05
Cxxc5	67393	mAA3022	-0,249	2,25E-03
Cyb5r3	109754	mAA4759	-0,294	2,05E-04
Cyhr1	54151	mAB4334	-0,278	1,90E-03
D11Ertd726e	52682	mAA7124	-0,367	6,69E-03
D11Ertd80e	52473	mAA3614	-0,239	8,71E-03
D14Ertd436e	218978	mAA5074	-0,322	3,76E-03
D14Ertd449e	66039	mAB0350	-0,348	4,02E-04
D17Wsu92e	224647	mAA7616	-0,348	8,24E-04
D18Ertd734e	52721	mAA7150	-0,389	5,98E-03
D230004J03Rik	194388	mAA6430	-0,615	3,72E-04
D2Ertd295e	51901	mAA4302	-0,280	2,15E-04

D2Ertd391e	51897	mAA8473	-0,308	2,29E-03
D2Ertd612e	51922	mAA7898	-0,304	1,45E-03
D330038O06Rik	330788	mAA4977	-0,321	9,31E-04
D6Wsu176e	27999	mAB2554	-0,218	1,07E-03
D7Ertd183e	52234	mAA3800	-0,245	1,43E-03
Daxx	13163	mAA2326	-0,221	3,54E-03
Dcbld2	73379	mAA2857	-0,357	2,43E-04
Dcun1d3	233805	mAA2760	-0,222	3,72E-03
Ddx17	67040	mAB3423	-0,469	6,36E-04
Ddx3x	13205	mAA1704	-0,271	2,32E-04
Ddx3y	26900	mAA0376	-0,905	6,56E-04
Ddx5	13207	mAB2555	-0,231	1,49E-03
Dgka	13139	mAA2764	-0,809	3,64E-06
Dhcr7	13360	mAA0490	-0,324	3,02E-03
Dhx16	69192	mAA3505	-0,221	3,00E-03
Dhx37	208144	mAA0026	-0,217	2,21E-03
Diap1	13367	mAA0302	-0,265	1,32E-03
Dicer1	192119	mAA3137	-0,211	6,31E-03
Dirc2	224132	mAA7287	-0,448	3,15E-05
Dlgap4	228836	mAA3782	-0,354	5,98E-05
Dmtf1	23857	mAB3819	-0,242	1,17E-03
Dnajc5	13002	mAA7049	-0,440	9,37E-05
Dnajc7	56354	mAA4187	-0,210	8,96E-03
Dnm2	13430	mAA5730	-0,487	6,66E-05
Dnmt3a	13435	mAB1737	-0,407	1,10E-03
Dnmt3b	13436	mAA0218	-0,264	1,26E-03
Dpf2	19708	mAB3272	-0,269	7,81E-04
Dusp10	63953	mAA3967	-0,456	5,96E-03
Dyrk1a	13548	mAA2535	-0,362	7,33E-04
E030031F02Rik	319689	mAA9364	-0,289	1,75E-03
E2f4	104394	mAA0754	-0,245	1,32E-03
E4f1	13560	mAA2159	-0,414	5,97E-04
Eef2	13629	mAB2310	-0,682	4,17E-04
EG666457	666457	mAB4891	-0,223	5,54E-04
EG667823	667823	mAB3930	-0,556	4,24E-05
Egr1	13653	mAA8792	-0,431	3,07E-05
Eif1	20918	mAA1454	-0,205	1,62E-03
Eif2ak1	15467	mAB2027	-0,253	5,66E-03
Eif2c1	236511	mAB0938	-0,508	5,92E-03
Eif2s3y	26908	mAA7581	-1,408	2,42E-10
Eif4b	75705	mAA4783	-0,337	6,09E-03
Eif4g3	230861	mAB1988	-0,232	1,55E-03
ENSMUSG00000073783	100038419	mAA2158	-0,452	9,27E-03
Entpd4	67464	mAA6859	-0,390	6,38E-05
Entpd5	12499	mAA1825	-0,420	1,49E-05
Entpd7	93685	mAA2177	-0,201	5,90E-03
Ep400	75560	mAA6627	-0,453	3,42E-03
Epb4.1	269587	mAB4924	-0,243	3,71E-03
Ephb6	13848	mAB0201	-0,280	2,12E-03
Ephx1	13849	mAB0533	-0,333	1,76E-04
Erc4	50505	mAA7329	-0,291	7,51E-04
Esco1	77805	mAB1149	-0,433	4,76E-05
Etohd2	13996	mAA6337	-0,330	8,15E-03

Evl	14026	mAB0656	-0,718	9,62E-06
Ext1	14042	mAA1838	-0,290	2,67E-03
Extl3	54616	mAA9042	-0,503	7,40E-07
F730014I05Rik	228866	mAB2783	-0,323	8,50E-03
Fastk	66587	mAB3368	-0,237	5,69E-03
Fbxl11	225876	mAA2529	-0,227	2,21E-03
Fbxo21	231670	mAB5129	-0,204	3,75E-03
Fbxo22	71999	mAB0197	-0,226	1,23E-03
Fbxo42	213499	mAB2493	-0,210	9,19E-03
Fkbp8	14232	mAA2913	-0,624	2,56E-04
Flii	14248	mAB1560	-0,436	2,05E-04
Flna	192176	mAB4696	-0,284	3,86E-04
Flt4	14257	mAB5323	-0,516	1,73E-05
Fnbp4	55935	mAA9471	-0,373	2,36E-03
Folr4	64931	mAA5104	-0,212	5,66E-03
Fosl2	14284	mAB0475	-0,294	1,67E-04
Foxg1	15228	mAB5513	-0,266	3,30E-03
Foxk1	17425	mAA5278	-0,492	2,42E-04
Foxn3	71375	mAB1279	-0,269	3,53E-03
Foxo1	56458	mAA9522	-0,515	3,95E-05
Foxp1	108655	mAB5069	-0,738	2,94E-05
Frk	14302	mAA4733	-0,208	6,48E-03
Fryl	72313	mAA6492	-0,380	1,86E-04
Fscn1	14086	mAA0523	-0,678	9,84E-06
Fusip1	14105	mAA2767	-0,274	3,19E-03
Gadd45a	13197	mAB5360	-0,320	3,55E-03
Ganab	14376	mAB3232	-0,297	5,26E-04
Gapvd1	66691	mAA0036	-0,309	3,72E-03
Gatad2b	229542	mAA2811	-0,238	5,48E-04
Gcn1l1	231659	mAA1713	-0,217	5,17E-03
Gcn5l2	14534	mAA3404	-0,353	4,43E-03
Gcs1	57377	mAA5186	-0,333	1,72E-04
Gdf9	14566	mAA4861	-0,281	5,80E-04
Gdi1	14567	mAA1914	-0,381	6,45E-03
Gga1	106039	mAA8309	-0,271	4,26E-03
Glb1	12091	mAB3077	-0,317	7,19E-03
Glg1	20340	mAB5203	-0,286	1,18E-03
Gmip	78816	mAA1254	-0,320	2,79E-04
Gnai2	14678	mAB1497	-0,342	2,93E-03
Gnb2l1	14694	mAA2541	-0,229	1,73E-03
Gnrhr	14715	mAB5447	-0,406	2,91E-03
Gpbp1l1	77110	mAA1041	-0,470	1,31E-05
Gpi1	14751	mAA5312	-0,230	3,69E-03
Gpr108	78308	mAA4015	-0,207	9,43E-04
Gramd1a	52857	mAB1040	-0,823	1,34E-05
Grinl1a	28015	mAA1944	-0,408	6,59E-05
Gsk3b	56637	mAB1909	-0,406	1,53E-04
Gstm1	14862	mAB2830	-0,629	2,41E-06
Gtf3c1	233863	mAA8272	-0,447	9,81E-03
Gtf3c2	71752	mAB1047	-0,384	1,94E-05
H2afj	232440	mAA8842	-0,255	5,34E-03
H2-D1	14964	mAA9131	-0,356	1,25E-04
H2-K1	14972	mAB0190	-0,384	2,94E-05

Hba-a1	15122	mAB1998	-0,386	1,73E-03
Hbb-b1	15129	mAB1173	-0,524	5,80E-04
Hbb-y	15135	mAB1236	-0,373	9,33E-03
Hdac2	15182	mAA8506	-0,280	3,84E-03
Hdc	15186	mAB0471	-0,691	6,40E-04
Hdgf	15191	mAB2472	-0,298	9,43E-04
Hmha1	70719	mAA1122	-0,623	1,04E-03
Hnrnpl	15388	mAB3093	-0,259	3,71E-03
Hnrpd	11991	mAA2816	-0,572	8,33E-05
Hnrpul2	68693	mAA8901	-0,249	1,84E-03
Hps1	192236	mAA2623	-0,221	1,33E-03
Hs3st3b1	54710	mAA2291	-0,452	1,58E-03
Hsd17b4	15488	mAB1178	-0,312	7,86E-04
Hsp90ab1	15516	mAB4067	-0,278	7,05E-03
Huwe1	59026	mAB2334	-0,287	1,40E-03
Ifngr2	15980	mAB0918	-0,214	1,25E-03
Igfbp3	16009	mAB4766	-0,626	4,07E-03
Igfbp4	16010	mAB0130	-0,845	5,79E-07
Ihpk1	27399	mAB4811	-0,529	2,02E-03
Ikbkb	16150	mAB3055	-0,407	2,30E-05
Ikbke	56489	mAB4876	-0,716	3,04E-07
Ikzf1	22778	mAB5519	-0,497	4,71E-03
Ikzf4	22781	mAA9714	-0,424	4,36E-04
Il10rb	16155	mAB5347	-0,216	5,23E-03
Il16	16170	mAA4803	-0,266	9,70E-03
Il27ra	50931	mAB5166	-0,421	5,93E-03
Il4ra	16190	mAA7413	-0,222	1,78E-03
Il6st	16195	mAA8240	-0,597	1,78E-06
Il7r	16197	mAB5522	-0,444	2,61E-04
Ilk	16202	mAB2892	-0,297	1,52E-03
Inadl	12695	mAB1896	-0,341	6,31E-03
Irak1	16179	mAA3991	-0,300	5,71E-04
Irf1	16362	mAA4793	-0,326	5,24E-04
Itgax	16411	mAB5540	-0,276	3,37E-03
Jak1	16451	mAA5586	-0,502	4,53E-03
Jarid1b	75605	mAA3867	-0,397	2,08E-03
Jarid2	16468	mAA4281	-0,280	7,81E-03
Jhdm1d	338523	mAA8526	-0,231	2,48E-03
Jmjd1a	104263	mAB2902	-0,226	1,93E-03
Junb	16477	mAB5509	-0,445	2,19E-04
Kif5b	16573	mAA3027	-0,204	4,76E-03
Klf7	93691	mAA5819	-0,278	4,24E-03
Klhdc3	71765	mAB4639	-0,367	4,40E-05
Klhdc6	74589	mAA4937	-1,250	5,57E-06
Lasp1	16796	mAA7463	-0,215	3,28E-04
Lats1	16798	mAA5939	-0,203	9,21E-04
Ldb1	16825	mAA7385	-0,478	5,52E-06
Leng4	77582	mAA2859	-0,478	2,51E-05
Lgtn	16865	mAA3122	-0,222	7,40E-04
Limd1	29806	mAA1744	-0,394	1,92E-04
Limd2	67803	mAA7397	-0,496	5,11E-05
Limk2	16886	mAB0017	-0,310	4,95E-03
Lman2l	214895	mAA7338	-0,240	7,51E-04

Lmbr1l	74775	mAA7151	-0,340	1,57E-05
LOC100039026	100039026	mAA4034	-0,207	3,85E-03
LOC100039623	100039623	mAA0858	-0,226	6,10E-03
LOC100041677	100041677	mAA8763	-0,588	9,06E-05
LOC666215	666215	mAA3015	-0,200	2,84E-03
LOC668482	668482	mAA9080	-0,395	8,04E-06
Lphn1	330814	mAB3468	-0,433	8,40E-04
Lrba	80877	mAA4399	-0,337	6,74E-03
Lrig2	269473	mAA5605	-0,243	6,65E-04
Lrrfip1	16978	mAB0743	-0,303	7,07E-04
Lsm14a	67070	mAA8934	-0,242	6,65E-03
Lsm14b	241846	mAA9829	-0,275	3,43E-04
Luc7l	66978	mAA1044	-0,271	1,27E-03
Luc7l2	192196	mAA2832	-0,337	1,45E-04
Ly6e	17069	mAA2536	-0,274	1,76E-04
Lztr1	66863	mAB3383	-0,220	8,63E-03
Madcam1	17123	mAB5309	-0,392	8,23E-04
Maf1	68877	mAB0571	-0,260	1,41E-04
Magel2	27385	mAB5273	-0,364	3,55E-03
Malat1	72289	mAB0371	-0,276	6,33E-04
Maml1	103806	mAA3042	-0,234	7,16E-03
Man2b1	17159	mAA3950	-0,261	1,42E-03
Map2k6	26399	mAA2562	-0,397	1,69E-03
Map3k1	26401	mAB5548	-0,358	1,34E-04
Map3k14	53859	mAB0907	-0,243	7,28E-04
Map4k4	26921	mAB0059	-0,367	4,32E-04
Mapk14	26416	mAB0223	-0,265	5,12E-03
Mark2	13728	mAA1913	-0,566	3,07E-05
Mark3	17169	mAA7393	-0,280	1,57E-04
Mast3	546071	mAB2590	-0,617	2,46E-03
Mbc2	23943	mAA8967	-0,370	1,04E-04
Mbd1	17190	mAA8571	-0,348	8,10E-03
Mbtd1	103537	mAA9926	-0,245	4,87E-03
Mcm3ap	54387	mAA4043	-0,223	1,38E-03
Med15	94112	mAA3119	-0,257	1,96E-03
Mef2d	17261	mAA5316	-0,240	1,17E-03
Mepce	231803	mAA3894	-0,373	9,80E-05
Mex3b	108797	mAB0998	-0,567	1,18E-03
Mfhas1	52065	mAA3425	-0,205	1,56E-03
Mgea5	76055	mAA4863	-0,407	2,41E-05
Mia3	338366	mAA4338	-0,333	5,54E-04
Mical2	320878	mAA0442	-0,425	3,96E-04
Mier3	218613	mAA8112	-0,204	8,15E-04
Mknk2	17347	mAB0802	-0,501	4,00E-04
Mlf2	30853	mAB2483	-0,284	1,13E-04
Mlh3	217716	mAB0799	-0,235	1,91E-03
Mllt1	64144	mAA0050	-0,255	4,87E-03
Mllt3	70122	mAB2682	-0,343	1,59E-03
Mllt6	246198	mAA1685	-0,608	2,68E-06
Mmp14	17387	mAB5501	-0,233	9,60E-04
Mobkl2a	208228	mAA0889	-0,426	7,62E-04
Msn	17698	mAA4163	-0,488	6,38E-03
Mtmr3	74302	mAB4668	-0,259	3,36E-03

Mupcdh	72040	mAA0847	-0,734	9,43E-03
Myh9	17886	mAA4311	-0,683	1,49E-06
Mylip	218203	mAB5491	-0,396	8,19E-04
Mysm1	320713	mAA9116	-0,312	5,19E-04
Nap1l4	17955	mAB0940	-0,252	2,73E-04
Napg	108123	mAB4764	-0,236	2,00E-03
Nasp	50927	mAA6986	-0,229	4,42E-03
Ncor1	20185	mAA6633	-0,304	3,58E-04
Ncor2	20602	mAA3630	-0,214	1,93E-03
Ncstn	59287	mAA1123	-0,620	1,42E-05
Ndrg2	29811	mAA9130	-0,231	8,94E-03
Ndrg3	29812	mAA1196	-0,396	1,55E-05
Ndst2	17423	mAB1324	-0,254	2,09E-03
Net1	56349	mAA8252	-0,324	2,55E-04
Neu1	18010	mAA0256	-0,207	2,27E-03
Nfe2l1	18023	mAA0421	-0,221	4,46E-03
Nfkb2	18034	mAB5382	-0,254	8,78E-03
Nfya	18044	mAA0528	-0,244	9,27E-03
Nisch	64652	mAB2130	-0,380	4,26E-03
Nlk	18099	mAA4239	-0,303	8,12E-03
Npc2	67963	mAB0971	-0,234	4,56E-03
Npepl1	228961	mAB4970	-0,491	1,08E-05
Npepps	19155	mAA2494	-0,273	6,32E-04
Nr1h2	22260	mAA5470	-0,445	1,12E-05
Nrbp1	192292	mAA2140	-0,558	1,80E-04
Nrd1	230598	mAA2485	-0,246	5,24E-04
Nrf1	18181	mAA5306	-0,294	5,28E-04
Nub1	53312	mAA4076	-0,280	9,84E-04
Nucb1	18220	mAA4766	-0,202	1,81E-03
Nudcd3	209586	mAA6422	-0,478	8,42E-06
Nup153	218210	mAA0949	-0,202	1,21E-03
Ogdh	18293	mAA7943	-0,367	1,76E-03
Ogt	108155	mAB1411	-0,365	8,83E-03
Orc3l	50793	mAA7399	-0,334	1,69E-04
Os9	216440	mAA5571	-0,575	4,34E-04
Osbpl8	237542	mAA7359	-0,295	7,09E-03
Otud5	54644	mAA0279	-0,685	5,36E-06
Ovgp1	12659	mAB0187	-0,329	4,85E-03
Pabpc1	18458	mAA1114	-0,327	7,14E-03
Pabpc4	230721	mAA2981	-0,238	5,34E-04
Pabpn1	54196	mAB1115	-0,318	7,78E-05
Pafah1b1	18472	mAA5765	-0,242	9,39E-03
Pafah1b3	18476	mAA5677	-0,263	2,89E-03
Pan3	72587	mAB3666	-0,362	1,44E-04
Pank4	269614	mAA7370	-0,289	2,12E-03
Papd5	214627	mAA7712	-0,320	1,80E-05
Parp16	214424	mAA4285	-0,229	4,76E-03
Patz1	56218	mAA2876	-0,427	1,09E-05
Pbx2	18515	mAA9530	-0,428	1,84E-04
Pcgf1	69837	mAA6688	-0,216	1,56E-03
Pcnt	18541	mAA7402	-0,236	3,71E-03
Pcnx	54604	mAB1745	-0,248	1,87E-03
Pdcd4	18569	mAB2491	-0,594	3,15E-03

Pde2a	207728	mAA7422	-0,313	4,80E-04
Pde4b	18578	mAB5194	-0,495	3,90E-05
Peli1	67245	mAA8157	-0,648	3,24E-04
Phf1	21652	mAB4498	-0,604	9,65E-06
Phf12	268448	mAA3109	-0,317	2,73E-03
Phf13	230936	mAA7772	-0,214	1,07E-03
Phip	83946	mAA6564	-0,464	1,49E-03
Phkb	102093	mAB5208	-0,210	3,66E-03
Pias1	56469	mAA2961	-0,414	7,37E-03
Pik3c2a	18704	mAA7821	-0,203	3,04E-03
Pik3ca	18706	mAA9199	-0,294	5,35E-03
Pik3cd	18707	mAA1139	-0,711	7,85E-03
Pik3ip1	216505	mAB4336	-0,480	5,26E-05
Pik3r1	18708	mAA6779	-0,370	1,15E-04
Pink1	68943	mAB0538	-0,428	5,74E-05
Pip5k1c	18717	mAA1360	-0,387	3,93E-03
Pisd	320951	mAA2642	-0,329	1,34E-03
Piwil2	57746	mAB4301	-0,351	1,42E-03
Pkn1	320795	mAB5479	-0,339	1,97E-03
Pknx1	18771	mAB2367	-0,284	5,77E-04
Pld3	18807	mAA7535	-0,500	4,12E-06
Plec1	18810	mAB0496	-0,422	8,67E-04
Pnrc1	108767	mAB1045	-0,261	2,70E-03
Polg	18975	mAA2209	-0,249	2,62E-03
Ppfibp1	67533	mAB1824	-0,244	1,54E-03
Ppm1a	19042	mAA2564	-0,232	2,44E-03
Ppm1g	14208	mAA2566	-0,294	4,91E-05
Ppm1h	319468	mAA9289	-0,398	2,40E-05
Ppp1r12a	17931	mAA8128	-0,254	3,25E-04
Ppp1r13b	21981	mAA2119	-0,305	1,25E-03
Ppp1r9b	217124	mAB3437	-0,466	8,60E-03
Ppp2r1a	51792	mAA2643	-0,383	4,59E-03
Ppp2r4	110854	mAA9241	-0,334	1,02E-04
Ppp4c	56420	mAA1638	-0,214	8,74E-03
Prdm15	114604	mAB5073	-0,306	3,06E-04
Prkcbp1	228880	mAA5624	-0,214	1,52E-03
Prkcn	75292	mAB5206	-0,255	6,50E-03
Prkcs	19089	mAA2890	-0,220	5,58E-03
Prkx	19108	mAB3025	-0,251	9,84E-04
Prpf38b	66921	mAA1796	-0,227	2,12E-03
Prr14	233895	mAA7729	-0,319	6,05E-04
Prr3	75210	mAB4468	-0,305	5,91E-03
Pscd2	19158	mAA5457	-0,292	1,65E-04
Psd4	215632	mAA7798	-0,204	3,86E-03
Ptbp1	19205	mAA2416	-0,269	4,49E-04
Ptms	69202	mAA8474	-0,403	1,54E-04
Ptpn6	15170	mAB3395	-0,421	1,53E-03
Pum2	80913	mAA3707	-0,348	2,76E-03
Pvr	52118	mAA2779	-0,265	5,03E-03
Rab11b	19326	mAB4035	-0,225	1,08E-03
Rab13	68328	mAA1400	-0,201	3,41E-03
Rab18	19330	mAA9748	-0,231	3,87E-03
Rab1b	76308	mAA2313	-0,375	8,07E-06

Rab3gap1	226407	mAA1170	-0,210	4,04E-03
Rab3ip	216363	mAA1611	-0,250	4,61E-03
Rabac1	14470	mAB0044	-0,289	2,97E-04
Rac1	19353	mAA1664	-0,222	9,91E-04
Rac3	170758	mAB5533	-0,284	6,41E-04
Rag1ap1	19729	mAB1549	-0,202	2,67E-03
Rai1	19377	mAA1654	-0,235	7,80E-04
Ranbp10	74334	mAA4401	-0,320	3,74E-05
Rasa3	19414	mAB1803	-0,238	8,44E-03
Raver2	242570	mAA2966	-0,228	3,84E-03
Rbbp6	19647	mAA8603	-0,235	4,89E-03
Rbm12	75710	mAA9001	-0,356	8,74E-03
Rbm25	67039	mAA8539	-0,217	8,62E-03
Rbm27	225432	mAA7660	-0,310	8,08E-05
Rbm38	56190	mAA9539	-0,390	1,20E-04
Rbm39	170791	mAA4490	-0,288	4,79E-03
Rbm6	19654	mAB5078	-0,365	3,57E-04
Rbm7	67010	mAB1616	-0,282	5,45E-04
Rbms1	56878	mAA2615	-0,224	2,61E-03
Rc3h1	381305	mAA1172	-0,213	7,98E-03
Rcbtb1	71330	mAA2582	-0,316	1,89E-04
Reck	53614	mAB5351	-0,465	4,11E-06
Relb	19698	mAB5590	-0,249	2,29E-03
Rere	68703	mAA1996	-0,325	8,08E-05
Rexo4	227656	mAB5064	-0,254	3,55E-03
Rfng	19719	mAA3938	-0,253	1,70E-03
Rfx1	19724	mAA7259	-0,313	5,12E-04
Rgl2	19732	mAB3562	-0,371	9,78E-03
Rgs10	67865	mAA9759	-0,379	2,74E-05
Rgs11	50782	mAA3652	-0,351	2,71E-03
Ric8	101489	mAA1387	-0,222	3,66E-03
Rmnd5a	68477	mAA5781	-0,350	7,07E-04
Rnf111	93836	mAA2667	-0,306	7,53E-03
Rnf166	68718	mAB3589	-0,235	2,45E-04
Rnf167	70510	mAB3444	-0,683	1,90E-04
Rnf187	108660	mAA0453	-0,246	6,23E-04
Rnf38	73469	mAA6629	-0,524	3,81E-06
Rod1	230257	mAA1795	-0,291	8,95E-03
Rplp2	67186	mAA9869	-0,390	5,60E-04
Rps6ka1	20111	mAA0138	-0,334	8,42E-04
Rps6ka2	20112	mAA0095	-0,241	8,88E-04
Rrbp1	81910	mAA9224	-1,245	1,10E-08
Rtn4	68585	mAA0142	-0,314	1,21E-03
S100a8	20201	mAB5288	-0,522	1,37E-03
S100a9	20202	mAB0962	-0,661	5,50E-05
Safb2	224902	mAA0531	-0,689	1,13E-03
Samhd1	56045	mAA6682	-0,276	1,24E-03
Sap130	269003	mAB2608	-0,213	7,75E-04
Satb1	20230	mAA3062	-0,535	1,37E-03
Sbno1	243272	mAB4715	-0,287	3,26E-04
Scamp3	24045	mAA1458	-0,274	2,18E-04
Scotin	66940	mAB3001	-0,482	2,55E-05
Sdccag3	68112	mAA7831	-0,341	2,71E-04



Sdf4	20318	mAA3942	-0,225	8,97E-03
Sec24c	218811	mAA9917	-0,312	1,90E-04
Sec31a	69162	mAB3307	-0,251	7,46E-04
Selplg	20345	mAA8838	-0,398	1,05E-03
Senp3	80886	mAA4489	-0,229	8,30E-03
Senp6	215351	mAA4608	-0,257	8,32E-04
Sept9	53860	mAB2911	-0,561	1,36E-04
Sepw1	20364	mAB1238	-0,796	1,54E-04
Serinc3	26943	mAB2900	-0,407	5,98E-03
Setd1a	233904	mAA8911	-0,229	9,57E-04
Setd7	73251	mAA5757	-0,272	2,73E-03
Sf3b2	319322	mAB1080	-0,250	1,32E-03
Sfn	55948	mAA0152	-0,293	1,14E-04
Sfpq	71514	mAA7068	-0,431	5,12E-03
Sfrs10	20462	mAA4144	-0,354	5,99E-03
Sft2d2	108735	mAB5043	-0,266	1,84E-03
Sgk	20393	mAB0519	-0,509	5,35E-03
Sh2b3	16923	mAB5113	-0,220	3,03E-03
Sh3bgrl3	73723	mAA0608	-0,346	5,66E-03
Sh3gl1	20405	mAA3341	-0,239	9,01E-03
Sh3kbp1	58194	mAB0357	-0,398	7,35E-03
Shoc2	56392	mAB2940	-0,412	2,29E-04
Sidt2	214597	mAB0095	-0,321	1,19E-04
Sin3a	20466	mAA8211	-0,360	4,37E-04
Skap1	78473	mAB4187	-0,346	6,23E-04
Slc11a2	18174	mAA9230	-0,221	7,12E-03
Slc12a7	20499	mAB3502	-0,577	2,94E-04
Slc20a1	20515	mAA0776	-0,358	2,01E-03
Slc22a5	20520	mAB3225	-0,219	1,59E-03
Slc44a2	68682	mAB4009	-0,513	9,52E-06
Slc44a4	70129	mAA3308	-0,215	1,68E-03
Slc4a1	20533	mAB2314	-0,413	2,22E-03
Slc4a2	20535	mAB3100	-0,527	1,74E-03
Slc6a6	21366	mAA4449	-0,387	1,91E-03
Slc9a1	20544	mAB3345	-0,323	4,40E-05
Slc9a3r1	26941	mAA3758	-0,813	6,00E-08
Slco3a1	108116	mAA4738	-0,299	8,16E-04
Smap1l	69780	mAA0474	-0,370	8,29E-04
Smarcc1	20588	mAA2523	-0,270	1,53E-04
Smarcc2	68094	mAB5621	-0,262	8,69E-03
Smc4	70099	mAB2652	-0,356	1,36E-04
Smc6	67241	mAA7113	-0,281	1,13E-04
Smg5	229512	mAA0241	-0,292	6,48E-03
Smg7	226517	mAB3438	-0,338	3,66E-05
Smurf1	75788	mAB4873	-0,339	4,71E-05
Socs1	12703	mAB5485	-0,262	8,53E-04
Socs3	12702	mAA0826	-0,301	3,76E-04
Socs7	192157	mAA5547	-0,343	3,21E-03
Son	20658	mAA3281	-0,293	3,19E-05
Sos1	20662	mAB2538	-0,265	3,68E-03
Spin1	20729	mAA6512	-0,301	9,72E-03
Spint2	20733	mAB0449	-0,261	3,26E-04
Spna2	20740	mAB1258	-0,503	9,61E-04

Spnb2	20742	mAA0944	-0,240	2,09E-03
Spop	20747	mAB0965	-0,253	2,10E-03
Spred1	114715	mAB4038	-0,283	6,15E-04
Spred2	114716	mAA4027	-0,370	6,10E-03
Spsb3	79043	mAB3158	-0,212	1,03E-03
Sqstm1	18412	mAA1179	-0,252	7,20E-04
Srebf2	20788	mAB5476	-0,319	3,54E-04
Srpk1	20815	mAA1453	-0,302	4,79E-04
Srpk2	20817	mAB1079	-0,358	1,75E-04
Ssbp3	72475	mAA7232	-0,236	3,51E-04
St3gal1	20442	mAA7265	-0,218	5,86E-04
Stat3	20848	mAB5147	-0,403	3,01E-05
Stat6	20852	mAB3600	-0,332	1,75E-03
Stk10	20868	mAA1794	-0,310	1,10E-03
Stk24	223255	mAA3178	-0,281	1,76E-04
Stk25	59041	mAA7024	-0,266	8,41E-05
Strn3	94186	mAB4090	-0,206	5,80E-03
Suox	211389	mAA9220	-0,217	2,08E-03
Supt5h	20924	mAA7162	-0,273	1,43E-03
Supt6h	20926	mAB5095	-0,268	1,63E-03
Suv420h2	232811	mAA7528	-0,217	7,20E-03
Syt11	229521	mAB0135	-0,385	1,47E-04
Tagap1	380608	mAB5475	-0,451	2,00E-05
Taok1	216965	mAA6827	-0,263	1,13E-03
Taok2	381921	mAA5174	-0,453	1,16E-05
Tapbp	21356	mAA0207	-0,246	3,79E-03
Tbc1d20	67231	mAB4581	-0,321	1,79E-04
Tbl1x	21372	mAA3868	-0,413	3,15E-03
Tbrg4	21379	mAA0292	-0,249	1,73E-03
Tcf20	21411	mAB2687	-0,287	3,08E-03
Tcf25	66855	mAB4928	-0,226	9,76E-04
Tcf7	21414	mAA1967	-0,776	3,58E-03
Tcirg1	27060	mAA0693	-0,253	1,99E-03
Tef	21685	mAA2650	-0,240	3,29E-03
Tes	21753	mAA4627	-0,284	8,78E-03
Tex264	21767	mAB2616	-0,224	1,40E-03
Tgfbr3	21814	mAA8186	-0,216	4,02E-03
Thrap3	230753	mAA1560	-0,410	1,95E-05
Thrsp	21835	mAB5605	-0,226	7,03E-03
Tia1	21841	mAB1485	-0,531	1,64E-03
Tmc6	217353	mAA8633	-0,234	9,70E-03
Tmem112b	105847	mAA2428	-0,281	9,96E-04
Tmem16f	105722	mAB3101	-0,379	5,35E-03
Tmem50a	71817	mAA5656	-0,221	2,65E-03
Tmem63a	208795	mAA8948	-0,328	4,14E-03
Tmem66	67887	mAA0857	-0,309	1,06E-03
Tmem87b	72477	mAA7934	-0,358	2,17E-05
Tmem9	66241	mAA2385	-0,230	8,52E-03
Tmod3	50875	mAA1637	-0,200	8,02E-03
Tmsb10	19240	mAA0093	-0,837	4,28E-03
Tmub2	72053	mAA2796	-0,223	1,05E-03
Tnfaip1	21927	mAB5170	-0,223	2,48E-03
Tnfrsf9	21942	mAA0367	-0,350	2,94E-05

Tnip1	57783	mAA7123	-0,392	8,64E-03
Tnks1bp1	228140	mAA4262	-0,216	1,34E-03
Tnrc15	227331	mAA1841	-0,278	6,41E-03
Tnrc6a	233833	mAB3358	-0,460	1,27E-04
Tnrc6b	213988	mAA5614	-0,584	3,46E-04
Tom1l2	216810	mAB0340	-0,209	9,61E-04
Tpm3	59069	mAA2082	-0,222	7,53E-03
Tpm4	326618	mAA1893	-0,871	5,11E-03
Tpr	108989	mAA4301	-0,285	2,59E-04
Trim34	94094	mAA9290	-1,369	4,10E-08
Trim59	66949	mAB4265	-0,386	3,43E-03
Trim8	93679	mAA0430	-0,260	1,90E-04
Trove2	20822	mAA9418	-0,238	8,85E-03
Trp53	22059	mAB3578	-0,336	1,62E-03
Trpc4ap	56407	mAA2078	-0,433	2,05E-04
Trrap	100683	mAB5615	-0,235	8,11E-04
Tsc22d2	72033	mAA8490	-0,413	9,65E-06
Tshz1	110796	mAA5737	-0,325	1,03E-04
Tspan32	27027	mAA0016	-0,335	1,19E-03
Tspan5	56224	mAA6697	-0,214	1,53E-03
Ttc3	22129	mAA6764	-0,242	3,62E-03
Tubb5	22154	mAA2729	-0,201	8,64E-03
Txnip	56338	mAB2229	-0,532	1,96E-04
Ubac2	68889	mAA2649	-0,274	4,67E-03
Ubap2l	74383	mAA1444	-0,332	1,34E-04
Ubc	22190	mAA7620	-0,271	2,41E-03
Ube2d2	56550	mAA1331	-0,232	1,38E-03
Ube2e1	22194	mAB1671	-0,254	9,46E-03
Ube2h	22214	mAA5396	-0,310	7,67E-05
Ube2q1	70093	mAB1443	-0,213	7,37E-04
Ube2r2	67615	mAA0686	-0,370	1,58E-03
Ube2v1	66589	mAA0028	-0,375	3,64E-03
Ube3b	117146	mAB2510	-0,329	3,85E-05
Ube4b	63958	mAA5009	-0,232	3,15E-03
Ubr4	69116	mAA1636	-0,382	6,67E-03
Ubr5	70790	mAB1729	-0,217	1,67E-03
Ubx1	66530	mAA1173	-0,222	3,17E-03
Ubx2	67812	mAB5236	-0,239	4,08E-03
Ugcg	22234	mAB5433	-0,359	3,94E-03
Unkl	74154	mAA1694	-0,253	4,14E-03
Uqcrc1	22273	mAA7668	-0,227	6,76E-04
Usp24	329908	mAA4257	-0,250	1,19E-04
Vasp	22323	mAA0963	-0,735	5,83E-05
Vezf1	22344	mAB1984	-0,339	1,15E-03
Wac	225131	mAB4396	-0,255	7,63E-03
Was	22376	mAA1891	-0,293	9,50E-03
Wbp11	60321	mAA0083	-0,348	1,61E-04
Wbp7	75410	mAB5211	-0,449	2,74E-03
Wdr1	22388	mAA4407	-0,212	5,95E-03
Wdr13	73447	mAA5265	-0,243	3,66E-03
Wdr26	226757	mAA9651	-0,357	2,51E-03
Wdr45l	66840	mAA7029	-0,334	7,61E-04
Wipf2	68524	mAA5603	-0,228	3,91E-04

Wnk1	232341	mAA2463	-0,366	2,50E-03
Xpr1	19775	mAA3069	-0,306	6,96E-03
Xylt2	217119	mAA2156	-0,349	2,75E-03
Ypel3	66090	mAB5055	-0,571	3,60E-04
Ywhab	54401	mAB1247	-0,201	3,39E-03
Ywhae	22627	mAB1108	-0,235	4,13E-04
Ywhaz	22631	mAB4589	-0,406	6,03E-05
Zbtb20	56490	mAB2226	-0,276	7,83E-03
Zc3h13	67302	mAB4830	-0,221	4,46E-04
Zcchc8	70650	mAA5609	-0,237	4,32E-03
Zdhhc18	503610	mAB1527	-0,206	1,89E-03
Zdhhc20	75965	mAB4174	-0,222	2,71E-04
Zfp12	231866	mAB2636	-0,216	6,65E-03
Zfp263	74120	mAA7649	-0,222	5,46E-03
Zfp335	329559	mAB1730	-0,310	1,34E-04
Zfp36l2	12193	mAA1399	-0,669	7,47E-07
Zfp592	233410	mAB4588	-0,257	1,59E-03
Zfp740	68744	mAB0158	-0,454	9,31E-06
Zkscan6	52712	mAA7160	-0,236	7,24E-04
Znrf2	387524	mAA4126	-0,450	7,32E-05
Zyx	22793	mAB3778	-0,400	3,35E-04
Zzef1	195018	mAA2075	-0,250	1,61E-03

---

## E2F1 KO 36h Up

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P.Value
1110003E01Rik	68552	mAA6321	2,75E-01	6,06E-03
2610204K14Rik	67148	mAA0100	2,08E-01	3,95E-03
2810439F02Rik	72747	mAA6538	2,84E-01	5,65E-05
2810457I06Rik	72828	mAB5101	5,80E-01	1,46E-04
2810474O19Rik	67246	mAA7114	2,59E-01	5,19E-03
4632427E13Rik	666737	mAA8133	4,03E-01	2,66E-04
9430016H08Rik	68115	mAA0172	2,14E-01	5,74E-03
A530040E14Rik	621875	mAA9916	2,36E-01	8,08E-03
Ablim1	226251	mAA2728	2,25E-01	5,19E-03
Aco1	11428	mAA0543	2,12E-01	2,25E-03
Acot9	56360	mAA0960	2,76E-01	7,19E-03
Acsbg1	94180	mAA7450	2,10E-01	1,37E-03
Acsl4	50790	mAA7691	2,09E-01	6,79E-03
Adam17	11491	mAA3255	2,00E-01	6,05E-04
Add3	27360	mAB1628	3,63E-01	7,00E-04
AI451617	209387	mAA5983	9,79E-01	1,46E-04
Amotl1	75723	mAA0566	1,45E+00	1,54E-05
Anxa2	12306	mAB2026	2,17E-01	8,54E-04
Anxa5	11747	mAA1468	2,04E-01	1,26E-03
Ap1g1	11765	mAA4707	2,55E-01	4,47E-04
Arl5a	75423	mAA2381	2,31E-01	3,36E-04
Arl6	56297	mAA5011	2,47E-01	2,46E-03
Arl6ip1	54208	mAA1746	2,96E-01	6,28E-03
Atp6v1b2	11966	mAA1165	2,30E-01	9,65E-03
Atrx	22589	mAA7513	3,31E-01	1,43E-04
B4galt1	14595	mAB3626	2,55E-01	4,95E-03
Blnk	17060	mAA5446	2,53E-01	9,46E-03
Bmp15	12155	mAA5284	2,83E-01	2,77E-04
Bpnt1	23827	mAA5409	2,05E-01	6,21E-04
Btbd10	68815	mAA1415	2,01E-01	1,75E-03
C1galt1	94192	mAA1762	2,90E-01	1,31E-04
Canx	12330	mAA7727	2,76E-01	1,35E-04
Casp8ap2	26885	mAB1215	2,14E-01	6,54E-04
Cbl	12402	mAA6119	2,00E-01	3,72E-03
Cdc23	52563	mAB0800	3,63E-01	3,34E-03
Cdc6	23834	mAA0733	2,16E-01	7,23E-03
Cnot1	234594	mAA5095	2,94E-01	1,84E-04
Cpne3	70568	mAA1799	5,64E-01	5,51E-07
Crry	12946	mAA1163	2,23E-01	1,58E-03
Csprs	114564	mAA5241	2,05E-01	6,07E-03
Cst3	13010	mAA3142	2,03E-01	9,26E-03
Ctnna1	12385	mAA4511	2,29E-01	2,48E-03
Ctsh	13036	mAA2686	3,51E-01	4,32E-04
Cybb	13058	mAA5734	6,10E-01	1,78E-03
Cyfp1	20430	mAA2689	3,13E-01	2,88E-03
D7Ertd715e	52480	mAA7083	2,39E-01	1,40E-03
Dhx36	72162	mAA3124	2,21E-01	8,10E-04
Dock9	105445	mAA0627	2,44E-01	3,78E-03
Dpp8	74388	mAB2550	2,25E-01	9,70E-03
DXErtd223e	52197	mAA3979	3,67E-01	1,97E-04
Dynlt3	67117	mAA7596	2,54E-01	5,44E-03

Eftud1	101592	mAA7298	3,39E-01	2,78E-04
Eif5	217869	mAA3021	2,41E-01	1,61E-03
Emb	13723	mAA2260	2,17E-01	2,02E-04
Endod1	71946	mAA4831	2,83E-01	1,89E-04
Eprs	107508	mAA0090	2,28E-01	5,55E-04
Etnk1	75320	mAA4563	2,48E-01	1,19E-03
Exoc1	69940	mAA5271	2,74E-01	7,09E-03
Frag1	233575	mAA1204	2,62E-01	7,92E-03
Fryl	72313	mAA6492	4,43E-01	7,12E-05
G3bp2	23881	mAA3325	2,13E-01	1,27E-03
Gcap14	72972	mAA4760	3,25E-01	2,73E-03
Gcnt2	14538	mAA0931	2,44E-01	5,56E-03
Glcci1	170772	mAA7778	2,91E-01	5,86E-03
Glo1	109801	mAA1118	4,51E-01	1,42E-03
Glrx	93692	mAA2795	5,14E-01	4,30E-04
Gnai2	14678	mAB0146	2,22E-01	6,21E-03
Gpr137b	83924	mAB0819	2,28E-01	3,87E-03
Gramd3	107022	mAA1108	2,90E-01	1,45E-03
H2-Eb1	14969	mAA0738	2,55E-01	3,53E-04
Hdgfrp3	29877	mAB3108	8,60E-01	1,92E-06
Hs3st3b1	54710	mAB0278	2,50E-01	9,14E-04
Igf2r	16004	mAB4191	3,81E-01	2,85E-03
Igh-6	16019	mAA9887	7,62E-01	2,52E-06
Il2rg	16186	mAA2057	2,30E-01	2,09E-03
Itgb1	16412	mAB2861	2,55E-01	8,71E-05
Jun	16476	mAA5504	3,57E-01	2,85E-03
Lgals1	16852	mAA2094	4,02E-01	1,94E-03
Lgals8	56048	mAA6068	2,66E-01	4,53E-04
Lig1	16881	mAA3429	3,46E-01	3,91E-04
LOC100042211	100042211	mAA2833	2,04E-01	1,91E-03
Ly6a	110454	mAB0951	2,95E-01	1,45E-03
Lyn	17096	mAA0019	2,97E-01	6,64E-03
Man2a1	17158	mAB0886	4,49E-01	7,73E-03
Marcks	17118	mAA2778	2,48E-01	4,62E-03
Mccc1	72039	mAA9993	7,02E-01	8,47E-06
Med29	67224	mAA7656	2,19E-01	5,44E-03
Mfsd1	66868	mAA2399	3,38E-01	1,75E-04
Mga	29808	mAB4056	2,92E-01	1,29E-03
Mtdh	67154	mAA0744	2,90E-01	1,51E-03
Mtf2	17765	mAA3171	2,09E-01	1,29E-03
Myadm	50918	mAB0768	4,00E-01	1,82E-03
Ndufaf1	69702	mAA0800	2,53E-01	1,09E-03
Ndufc2	68197	mAA2716	2,53E-01	1,58E-03
Nek7	59125	mAA7010	2,77E-01	3,13E-04
Net1	56349	mAA8252	2,41E-01	2,99E-04
Nfkbiz	80859	mAA2049	2,30E-01	3,62E-04
Nit2	52633	mAA5835	2,33E-01	1,34E-03
Nsd1	18193	mAA4716	2,61E-01	3,99E-03
Nup160	59015	mAA5287	2,26E-01	1,62E-03
Obfc2a	109019	mAB4999	2,49E-01	3,21E-03
Osbpl6	99031	mAA8822	2,03E-01	1,35E-03
Pcf11	74737	mAA3576	2,13E-01	5,41E-03
Pfpl	56093	mAA1767	5,06E-01	2,15E-05

Phip	83946	mAA6564	3,86E-01	1,95E-03
Plaur	18793	mAA3177	8,19E-01	1,29E-04
Ppic	19038	mAA2685	4,18E-01	4,56E-04
Ppp3ca	19055	mAB4119	3,93E-01	1,86E-04
Prei4	74182	mAA9470	2,14E-01	8,54E-04
Prkra	23992	mAA2275	2,11E-01	2,50E-03
Psm1	70247	mAA2922	2,47E-01	5,16E-04
Ptp4a2	19244	mAA0354	2,76E-01	3,21E-03
Rab6	19346	mAB2533	5,91E-01	4,59E-04
Rad23b	19359	mAA9716	2,57E-01	5,92E-04
Ralgps2	78255	mAA2331	2,08E-01	2,56E-03
Rap1b	215449	mAA1671	2,09E-01	7,23E-03
Rasa3	19414	mAB1803	3,68E-01	2,17E-05
Rbms1	56878	mAA2614	2,27E-01	6,38E-04
Reep5	13476	mAA7460	2,65E-01	3,34E-04
Ryk	20187	mAA2483	2,37E-01	7,09E-03
S100a6	20200	mAA8348	7,00E-01	3,78E-06
Saps3	52036	mAA2475	2,27E-01	1,78E-03
Scp2	20280	mAB1687	2,34E-01	1,51E-03
Serpinb1a	66222	mAB1478	3,83E-01	5,87E-03
Serpinb9	20723	mAA1429	3,34E-01	1,18E-03
Serpine2	20720	mAA4007	4,21E-01	3,54E-03
Sf3b1	81898	mAB4472	3,65E-01	9,01E-05
Sf3b3	101943	mAA2762	2,08E-01	6,08E-03
Sgms1	208449	mAA9994	2,20E-01	2,37E-03
Slc25a19	67283	mAA5703	2,74E-01	1,15E-03
Snn	20621	mAB1057	3,56E-01	7,59E-05
Snx2	67804	mAB2105	3,55E-01	2,99E-04
Snx5	69178	mAA4663	4,50E-01	1,56E-04
Son	20658	mAA3281	3,25E-01	3,92E-05
Sp100	20684	mAA4916	2,97E-01	6,56E-05
Sp110	109032	mAA5323	2,22E-01	1,29E-03
Spag9	70834	mAB4965	2,00E-01	5,18E-04
Spata13	219140	mAB0808	3,07E-01	8,69E-03
St3gal6	54613	mAB2480	2,78E-01	2,63E-03
Stat3	20848	mAB5147	2,32E-01	2,66E-04
Stch	110920	mAB2945	2,72E-01	6,42E-03
Stk17b	98267	mAA2102	3,44E-01	1,09E-04
Tbl1x	21372	mAA3868	2,08E-01	4,63E-04
Tmc5	74424	mAA9163	6,66E-01	2,66E-04
Tmem176b	65963	mAB0463	2,48E-01	1,09E-03
Tmem2	83921	mAA2468	5,15E-01	2,89E-05
Tnfrsf9	21942	mAA0367	3,16E-01	1,41E-04
Tnks2	74493	mAA3804	2,79E-01	3,72E-03
Tnpo1	238799	mAA9499	4,61E-01	1,05E-03
Tnpo3	320938	mAA7163	2,24E-01	3,38E-04
Top2a	21973	mAA3428	4,13E-01	1,92E-03
Tram1	72265	mAA1055	2,17E-01	2,27E-03
Trim21	20821	mAB0513	4,61E-01	9,01E-05
Trim34	94094	mAA9290	1,30E+00	9,99E-08
Trip12	14897	mAA1395	3,72E-01	7,77E-04
Trip4	56404	mAA1668	2,90E-01	2,25E-04
Txndc16	70561	mAA9678	2,95E-01	7,34E-03

Ugcg	22234	mAA0812	3,78E-01	9,01E-05
Usp9x	22284	mAA1673	2,06E-01	5,44E-03
Vps41	218035	mAA2553	2,34E-01	2,64E-03
Xlr3c	22446	mAA5724	3,64E-01	1,34E-03
Ypel5	383295	mAB0828	2,09E-01	3,58E-03
Zdhhc2	70546	mAB4777	3,46E-01	3,79E-05
Zfand6	65098	mAB2043	2,62E-01	3,37E-03
Zfml	18139	mAB0144	2,10E-01	8,49E-03
Zfp445	235682	mAB5200	3,21E-01	1,21E-03

## E2F2 KO 36h Up

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P.Value
1110003E01Rik	68552	mAA6321	0,251	6,84E-04
1110059E24Rik	66206	mAB4416	0,548	5,34E-05
1500011B03Rik	66236	mAB4161	0,227	7,67E-04
1810031K17Rik	69171	mAA9646	0,29	1,51E-03
1810034K20Rik	67881	mAB0867	0,248	4,58E-04
1810074P20Rik	67490	mAB1594	0,299	1,59E-04
2210403K04Rik	67098	mAA0436	0,444	1,20E-03
2310004I24Rik	66358	mAA2705	0,243	1,84E-03
2410014A08Rik	109154	mAB1350	0,207	8,87E-03
2410017P09Rik	69709	mAA0500	0,289	2,96E-05
2510006D16Rik	76799	mAA1879	0,202	4,08E-03
2700007P21Rik	212772	mAB4978	0,578	3,56E-04
2700089E24Rik	381820	mAB3441	0,325	1,49E-04
2810439F02Rik	72747	mAA5828	0,569	4,58E-04
3110043O21Rik	73205	mAB1384	0,408	5,68E-05
4933439C20Rik	66776	mAA0832	0,54	1,38E-03
5730446C15Rik	226016	mAA7962	0,396	8,65E-03
5730469M10Rik	70564	mAA9279	0,268	2,62E-04
6330409N04Rik	66674	mAA7205	0,907	3,52E-03
9330134C04Rik	432766	mAA2998	0,253	5,14E-03
Aars	234734	mAA5610	0,336	2,59E-03
Ablim1	226251	mAA2728	0,218	8,87E-03
Abr	109934	mAA2429	0,219	1,82E-03
Acox1	11430	mAA1643	0,28	3,22E-05
Acsl4	50790	mAA7691	0,253	1,66E-04
Adi1	104923	mAA0769	0,249	2,45E-04
Adipor2	68465	mAB3074	0,391	3,12E-04
Alg2	56737	mAA7226	0,218	4,86E-03
Alg9	102580	mAA2163	0,364	6,29E-03
Anapc7	56317	mAA2063	0,211	1,38E-03
Ankib1	70797	mAA2765	0,308	5,68E-05
Ankzf1	52231	mAA2298	0,246	5,48E-04
Anxa11	11744	mAA1268	0,482	2,82E-03
Anxa2	12306	mAB2026	0,719	1,63E-04
Anxa7	11750	mAA3822	0,364	9,58E-03
Ap3d1	11776	mAA0209	0,233	4,93E-03
Ap3s2	11778	mAA1407	0,312	2,26E-05
Arfgap3	66251	mAA5590	0,209	4,69E-04
Armcx3	71703	mAB1464	0,274	3,91E-03



Armet	74840	mAA0773	0,458	7,81E-05
Asns	27053	mAB4749	0,259	3,57E-03
Atf3	11910	mAA5051	0,561	2,26E-05
Atrx	22589	mAA7513	0,209	2,99E-03
AW215868	104611	mAA7544	0,539	1,23E-05
Axl	26362	mAB4560	0,252	7,69E-03
B4galt1	14595	mAA1313	0,229	2,71E-03
Bcat1	12035	mAA9228	0,256	5,03E-03
Bmpr1a	12166	mAB0062	0,338	3,88E-03
Bnip3	12176	mAB2990	0,408	9,38E-04
Bscl2	14705	mAB4966	0,263	6,22E-03
Btrc	12234	mAA3937	0,397	2,31E-03
C130032J12Rik	218975	mAA1887	0,345	1,60E-04
C1galt1	94192	mAA1762	0,316	1,85E-04
C330002I19Rik	77480	mAB4636	0,279	4,69E-04
C77096	97131	mAA3348	0,514	1,17E-03
C85181	97613	mAA4778	0,308	7,84E-03
C86942	97564	mAA5322	0,2	7,87E-04
Calr	12317	mAA2002	0,431	3,33E-04
Canx	12330	mAA7727	0,253	4,23E-03
Cap1	12331	mAA1203	0,698	2,54E-05
Caskin2	140721	mAA1519	0,369	2,76E-05
Casp12	12364	mAB2553	0,265	1,08E-03
Casp6	12368	mAB5008	0,535	7,47E-05
Ccdc117	104479	mAA5036	0,227	6,57E-04
Ccpg1	72278	mAA4753	0,207	1,55E-03
Cdkl2	53886	mAA9394	0,313	5,89E-05
Chst11	58250	mAB2159	0,434	5,17E-06
Cln8	26889	mAA9044	0,21	1,20E-03
Clpx	270166	mAB2924	0,242	1,47E-04
Clstn1	65945	mAA2741	0,338	1,51E-03
Cnot1	234594	mAA5095	0,418	2,84E-03
Cpeb4	67579	mAA5994	0,346	3,06E-04
Cpne3	70568	mAA1799	0,228	5,29E-04
Crot	74114	mAB0259	0,322	1,49E-04
Cth	107869	mAA9832	0,815	7,01E-04
Ctla2b	13025	mAA2056	0,28	9,13E-03
Ctsl	13039	mAA2655	0,389	5,55E-03
Cyb5r1	72017	mAA4124	0,614	4,36E-03
Cyfip1	20430	mAA2689	0,202	3,40E-03
D10Ertd641e	52717	mAA8035	0,213	1,72E-04
D12Wsu118e	28115	mAA0127	2,73	7,57E-09
D15Wsu169e	223666	mAA0426	0,349	2,25E-03
D16Ertd472e	67102	mAA2325	0,276	1,38E-03
D3Ucla1	28146	mAA1147	0,432	2,84E-04
D3Wsu106e	28011	mAA0035	0,229	8,04E-04
D7Ertd715e	52480	mAA7083	0,391	3,95E-05
Daam2	76441	mAB4738	0,286	1,44E-03
Derl1	67819	mAA1585	0,238	7,47E-04
Dhrs3	20148	mAB1571	0,686	3,81E-03
Dnajb4	67035	mAA5463	0,295	9,23E-03
Dnajb9	27362	mAB4397	0,442	1,33E-04
Dock9	105445	mAA0627	0,316	1,43E-05

Dpp8	74388	mAB2550	0,267	3,76E-03
Dse	212898	mAA5040	0,269	2,40E-03
Dync1li2	234663	mAA1370	0,201	5,06E-04
Dynlt3	67117	mAA7596	0,224	2,00E-04
E030041M21Rik	75089	mAA4494	0,209	4,36E-04
Ech1	51798	mAB2486	0,304	1,66E-04
Echdc2	52430	mAA7627	0,313	4,73E-04
Eef1a1	13627	mAB4156	0,212	3,87E-03
Eif2s2	67204	mAA0802	0,252	5,27E-03
Entpd1	12495	mAA1707	0,297	7,81E-05
Eprs	107508	mAB4722	0,24	2,27E-04
Ern1	78943	mAA5039	0,206	1,47E-03
Ero1l	50527	mAA1771	0,566	2,26E-05
Errfi1	74155	mAA1559	0,257	2,09E-04
Etnk1	75320	mAA4563	0,262	1,84E-03
Etv5	104156	mAB1133	0,279	2,64E-04
Fam18b	67510	mAA5664	0,506	5,82E-03
Fbxl20	72194	mAA7539	0,22	2,06E-03
Fbxo18	50755	mAB1651	0,202	9,62E-04
Fbxo6	50762	mAA1155	0,408	9,39E-05
Fndc3b	72007	mAA1915	0,485	1,12E-04
Foxk2	68837	mAA0804	0,226	1,37E-04
Frap1	56717	mAB4702	0,353	8,41E-05
Frmd4b	232288	mAA5456	0,377	5,06E-04
Ftl1	14325	mAA1037	0,218	7,31E-04
Gata3	14462	mAA4659	0,268	1,71E-03
Gatm	67092	mAB2726	0,378	4,76E-05
Gbe1	74185	mAA5997	0,291	7,63E-04
Gdap2	14547	mAA2713	0,227	4,21E-04
Gdi1	14567	mAA1914	0,201	5,11E-03
Gfpt1	14583	mAA8317	0,224	4,83E-03
Ggta1	14594	mAA4684	0,217	7,57E-03
Gja1	14609	mAB0757	0,247	1,49E-04
Gldc	104174	mAA2837	0,324	1,32E-03
Glo1	109801	mAA1118	0,382	1,53E-04
Glrx	93692	mAA2795	0,361	1,26E-05
Gm2a	14667	mAA3303	0,212	4,77E-03
Gna13	14674	mAB1378	0,386	5,33E-03
Gnpda1	26384	mAA2180	0,204	3,57E-04
Gnptab	432486	mAB1416	0,406	5,72E-05
Got1	14718	mAA4309	0,283	9,36E-05
Gp49a	14727	mAB5175	0,928	9,83E-07
Gpatch2	67769	mAA0106	0,243	5,55E-03
Gpr137b	83924	mAB0819	0,215	8,77E-03
Gpt2	108682	mAA7916	0,419	1,42E-04
Grhpr	76238	mAA7653	0,202	1,81E-03
H19	14955	mAA0387	0,273	3,49E-04
H1f0	14958	mAB0543	0,497	1,29E-05
H47	109815	mAA7504	0,35	5,72E-04
Hax1	23897	mAA2239	0,329	2,06E-03
Hddc3	68695	mAA5179	0,391	2,84E-03
Hdlbp	110611	mAA3395	0,295	1,51E-04
Hipk3	15259	mAA5481	0,505	4,96E-06

Hmox1	15368	mAA1739	0,342	5,34E-04
Hsp90b1	22027	mAA2477	0,395	1,14E-05
Hspa5	14828	mAB3762	0,329	9,72E-05
Iah1	67732	mAA7960	0,504	2,39E-04
Ibtk	108837	mAB1287	0,363	2,90E-03
Ier3	15937	mAA5394	0,375	4,70E-03
Ipo9	226432	mAA3735	0,237	3,95E-03
Itgb1	16412	mAB2861	0,28	3,16E-04
Itm2c	64294	mAA9393	0,211	1,10E-03
Josd1	74158	mAB3155	0,225	4,84E-03
Jub	16475	mAA2210	0,629	9,04E-05
Jun	16476	mAA5504	0,265	2,16E-03
Kdelc1	72050	mAA5720	0,359	8,02E-06
Kif1b	16561	mAB4438	0,542	2,84E-04
Klf6	23849	mAA5281	0,262	5,83E-04
Klf9	16601	mAA2499	0,745	8,75E-04
Klhdc2	69554	mAA6757	0,296	5,39E-03
Klhl24	75785	mAB4513	0,365	9,39E-03
L3mbtl3	237339	mAA5178	0,308	7,01E-04
Lama1	16772	mAA2702	0,339	4,30E-03
Lamc1	226519	mAB0810	0,423	1,69E-05
Larp4	207214	mAA1563	0,213	8,01E-04
Lass6	241447	mAA1814	0,598	2,28E-05
Lgals1	16852	mAA0808	0,274	8,43E-05
Lgals8	56048	mAA9758	0,229	3,57E-03
Liph	239759	mAA0214	0,44	9,31E-06
Lman2	66890	mAB3075	0,22	6,39E-04
Lmbrd1	68421	mAB0783	0,29	2,61E-04
LOC100040471	100040471	mAA3029	0,341	2,66E-05
LOC100040531	100040531	mAB1908	0,549	1,20E-06
Lysmd2	70082	mAA0786	0,455	9,59E-06
Me1	17436	mAB0213	0,232	3,90E-03
Mga	29808	mAB4056	0,346	3,67E-03
Mospd1	70380	mAA1564	0,223	3,10E-03
Mpdu1	24070	mAA8591	0,324	2,52E-03
Mt2	17750	mAA1198	0,626	1,97E-05
Mxd4	17122	mAB2498	0,283	4,05E-03
Myd116	17872	mAA2579	0,221	3,40E-03
Myo10	17909	mAA2914	0,255	6,19E-03
Nars	70223	mAA3685	0,24	1,01E-03
Nbr1	17966	mAA5799	0,242	4,49E-03
Ncstn	59287	mAA1123	0,34	4,00E-05
Ndrp1	17988	mAA2915	0,343	1,43E-03
Nedd4	17999	mAB1652	0,308	2,21E-04
Nfe2l1	18023	mAA0421	0,496	1,32E-05
Nfyb	18045	mAB3934	0,21	1,36E-03
Nktr	18087	mAA0450	1,16	8,15E-05
Nlgn2	216856	mAB0509	0,301	8,22E-04
Nolc1	70769	mAB0086	0,228	5,61E-03
Nras	18176	mAB2609	0,22	4,03E-03
Nsf	18195	mAA2749	0,238	2,13E-04
Nup160	59015	mAA5287	0,303	2,19E-03
Nupr1	56312	mAA8697	0,603	1,06E-05

Nus1	52014	mAA0712	0,237	1,58E-03
Oas1a	246730	mAA1050	0,323	1,66E-05
OTTMUSG00000010657	666532	mAA2450	0,501	9,31E-06
P4ha1	18451	mAB1286	0,219	1,66E-03
P4ha2	18452	mAA0239	0,294	1,30E-03
Pafah1b2	18475	mAA8765	0,233	1,99E-03
Pcf11	74737	mAA3576	0,25	2,31E-03
Pde4b	18578	mAB5194	0,319	5,58E-04
Pde4dip	83679	mAA5345	0,305	3,10E-03
Pdia6	71853	mAB3409	0,435	3,67E-03
Pdlim1	54132	mAA1402	0,378	1,20E-03
Perp	64058	mAA2748	0,39	8,11E-03
Pgm2	72157	mAB3179	0,429	2,26E-05
Pgrmc2	70804	mAA8855	0,319	1,56E-04
Pisd	320951	mAA2642	0,335	7,28E-05
Plekha2	83436	mAB0254	0,306	1,17E-04
Plekha7	233765	mAA0476	0,54	3,76E-06
Plekha2	226971	mAB3954	0,349	2,26E-05
Ppfibp1	67533	mAB2160	0,348	2,50E-05
Ppic	19038	mAA2685	0,21	2,35E-03
Pqlc1	66943	mAA3961	0,243	3,81E-03
Pros1	19128	mAA5563	0,281	1,38E-03
Prr13	66151	mAA5686	0,291	7,96E-05
Psph	100678	mAB3256	0,364	1,42E-03
Ptger2	19217	mAB2192	0,369	6,28E-03
Ptp4a2	19244	mAB2044	0,503	3,75E-04
Pttg1ip	108705	mAB0856	0,259	2,86E-04
Pvr	52118	mAA5252	0,215	4,28E-03
Pxk	218699	mAA7018	0,247	4,57E-03
Rab20	19332	mAA4618	0,242	5,04E-04
Rad23b	19359	mAA9716	0,505	4,29E-05
Rb1cc1	12421	mAA7530	0,249	9,90E-04
Rbl2	19651	mAB2453	0,385	7,52E-06
Rbm6	19654	mAA1417	0,479	8,92E-04
Rbms1	56878	mAA2614	0,203	8,23E-03
Rcbtb2	105670	mAB2106	0,324	7,56E-05
Rgs2	19735	mAA6300	0,382	4,26E-04
Rmnd5a	68477	mAA6473	0,222	2,67E-03
Rnasen	14000	mAB1935	0,255	3,21E-03
Rnf11	29864	mAB1893	0,247	4,58E-04
Rnf12	19820	mAA8996	0,223	1,55E-03
Rnf14	56736	mAA3823	0,218	1,30E-03
Rnf181	66510	mAA9482	0,246	3,00E-03
Rnh1	107702	mAB0817	0,292	1,08E-04
Rps15a	267019	mAA2638	0,401	2,26E-05
Ryk	20187	mAA2483	0,203	9,28E-04
Saps3	52036	mAA2475	0,23	1,86E-03
Satb1	20230	mAA7643	0,211	1,19E-03
Scamp1	107767	mAA6594	0,215	7,64E-04
Scd2	20250	mAA2318	0,233	6,34E-03
Sdf4	20318	mAA3942	0,318	7,01E-04
Sec24c	218811	mAA9917	0,233	1,20E-03
Sec24d	69608	mAA2360	0,735	4,82E-07

Selk	80795	mAA8336	0,244	4,77E-03
Serinc3	26943	mAB2900	0,702	1,39E-06
Serpinb6a	20719	mAB2938	0,629	2,14E-03
Serpinb6c	97848	mAA3094	0,619	1,27E-05
Serpinb9	20723	mAA1429	0,734	1,02E-04
Serpinb9b	20706	mAA0801	0,681	1,43E-05
Serpinb9c	20707	mAA0771	0,773	1,14E-04
Serpinb9f	20709	mAA1950	0,756	3,76E-06
Serpine2	20720	mAA4007	0,276	8,08E-03
Sft2d2	108735	mAB5043	0,325	6,50E-04
Sfxn2	94279	mAA4219	0,287	2,17E-04
Slc12a2	20496	mAA7534	0,248	3,70E-03
Slc1a5	20514	mAA8723	0,743	2,36E-04
Slc2a3	20527	mAA4141	0,331	3,40E-03
Slc35b1	110172	mAA1750	0,291	5,64E-03
Slc3a2	17254	mAA2118	0,281	1,23E-03
Smek1	68734	mAA0774	0,506	8,17E-04
Snord22	83673	mAA3657	0,438	4,36E-04
Snx10	71982	mAA1889	0,247	5,46E-03
Snx5	69178	mAA4663	0,614	4,12E-04
Socs3	12702	mAA0826	0,228	3,57E-04
Sos1	20662	mAA2739	0,43	2,43E-03
Sp110	109032	mAA5323	0,234	2,15E-03
Spag9	70834	mAB4965	0,358	2,64E-04
Sqstm1	18412	mAA1179	0,41	5,59E-04
Srp72	66661	mAA3507	0,207	6,22E-04
Ssr1	107513	mAA2824	0,225	8,46E-03
Ssr3	67437	mAA1324	0,288	7,35E-03
St3gal6	54613	mAB2480	0,269	3,88E-03
Stch	110920	mAB2945	0,282	9,20E-03
Stk40	74178	mAA8062	0,21	8,87E-03
Surf4	20932	mAA1279	0,335	4,26E-03
Suz12	52615	mAA0526	0,227	8,61E-04
Syce2	71846	mAB1760	0,291	1,61E-03
Syvn1	74126	mAB2706	0,369	1,50E-03
Taf7l	74469	mAB4734	0,223	7,56E-03
Tax1bp1	52440	mAA2511	0,237	6,49E-04
Tgm2	21817	mAB3085	0,514	1,11E-03
Tgoln1	22134	mAA8142	0,367	4,63E-04
Timd2	171284	mAA7017	0,316	5,55E-05
Tmc5	74424	mAA9163	2,05	1,33E-07
Tnks2	74493	mAA3804	0,266	3,50E-03
Tnpo1	238799	mAA8207	0,245	5,49E-04
Tpm1	22003	mAA3277	0,589	2,24E-07
Trabd	67976	mAA2472	0,325	2,84E-03
Traf1	22029	mAA1397	0,285	2,33E-04
Trafd1	231712	mAB4851	0,2	1,25E-03
Tram1	72265	mAA1298	0,227	7,23E-04
Trib3	228775	mAA3276	0,698	2,86E-07
Trim35	66854	mAB2500	0,241	2,73E-03
Trip12	14897	mAA1395	0,598	6,21E-04
Trip4	56404	mAA1668	0,248	2,90E-03
Trp53bp2	209456	mAB1800	0,258	7,47E-03

Trpm7	58800	mAA5549	0,216	8,65E-04
Trpv2	22368	mAA1883	0,262	5,34E-04
Tulp4	68842	mAB2645	0,562	3,76E-06
Twsg1	65960	mAA2898	0,23	9,23E-03
Txnrd1	50493	mAA0398	0,227	2,51E-04
Ube1c	22200	mAB0842	0,205	8,65E-03
Ube2h	22214	mAA5396	0,229	8,17E-04
Ube3c	100763	mAA1747	0,324	9,13E-03
Ubl3	24109	mAB0385	0,489	3,71E-03
Ubr2	224826	mAA7574	0,24	1,48E-03
Uso1	56041	mAA6637	0,291	4,21E-04
Usp9x	22284	mAA1673	0,209	2,08E-03
Vim	22352	mAB1400	0,269	5,27E-03
Vps11	71732	mAA2682	0,204	9,65E-03
Vps37c	107305	mAB0508	0,254	1,65E-03
Vps41	218035	mAA9247	0,349	1,09E-03
Vta1	66201	mAA4829	0,411	4,57E-04
Wars	22375	mAA1931	0,218	9,45E-04
Wdr26	226757	mAA1228	0,204	6,91E-03
Xlr3c	22446	mAA5724	0,338	3,35E-03
Yars	107271	mAA1338	0,478	3,31E-04
Ypel3	66090	mAB5055	0,298	1,32E-03
Ypel5	383295	mAB4929	0,45	5,88E-04
Ywhae	22627	mAB1108	0,23	1,20E-03
Zc3h13	67302	mAA1135	0,394	2,67E-03
Zfand6	65098	mAB2043	0,216	4,58E-04
Zfp110	65020	mAB1150	0,239	8,94E-03
Zfp131	72465	mAB3707	0,202	2,21E-03
Zfr	22763	mAA7213	0,573	1,14E-04
Zfyve21	68520	mAA6020	0,207	1,65E-03

#### DKO 36h Up

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P,Value
0610009O03Rik	68294	mAA0903	2,10E-01	1,24E-03
0610025P10Rik	216860	mAB5021	3,77E-01	7,99E-05
0610031J06Rik	56700	mAB3337	3,43E-01	7,69E-03
1110005A03Rik	74319	mAB0467	3,04E-01	1,20E-04
1110008P14Rik	73737	mAA0848	2,64E-01	4,59E-03
1110034A24Rik	109065	mAA9808	2,82E-01	1,93E-05
1110059E24Rik	66206	mAB4416	3,87E-01	1,06E-05
1200004M23Rik	67457	mAA7122	2,01E-01	3,01E-04
1300010F03Rik	219189	mAB0422	3,36E-01	4,66E-04
1500003O03Rik	56398	mAA7708	4,18E-01	7,13E-05
1500010J02Rik	68964	mAB2638	2,87E-01	2,14E-03
1700021K19Rik	224118	mAA5525	4,07E-01	1,87E-06
1810027O10Rik	69186	mAB4893	5,48E-01	8,22E-03
1810044A24Rik	76510	mAB5124	2,22E-01	5,59E-04
1810073G14Rik	67726	mAB0301	5,77E-01	6,74E-04
1810074P20Rik	67490	mAB1594	2,91E-01	2,87E-04
2210403K04Rik	67098	mAA0436	4,98E-01	1,51E-05
2310004I24Rik	66358	mAA2705	2,75E-01	1,48E-04

2310005E10Rik	67861	mAA2750	2,39E-01	7,81E-04
2310014H01Rik	76448	mAA0281	3,14E-01	6,32E-05
2310016E02Rik	67695	mAA9404	2,11E-01	2,55E-03
2310021P13Rik	268721	mAB3017	3,24E-01	1,39E-03
2310022K01Rik	71909	mAA3873	2,18E-01	3,19E-04
2310040C09Rik	69640	mAA1205	2,07E-01	6,56E-03
2410003K15Rik	75593	mAB0057	5,04E-01	8,09E-06
2410008K03Rik	71962	mAA9264	4,21E-01	2,80E-05
2410014A08Rik	109154	mAB1350	3,69E-01	8,32E-04
2410017P09Rik	69709	mAA0500	2,80E-01	7,19E-05
2610002J02Rik	67513	mAA2342	2,34E-01	6,82E-03
2610019A05Rik	72149	mAB2853	3,03E-01	5,46E-04
2610301G19Rik	219158	mAB2316	2,73E-01	6,15E-04
2700007P21Rik	212772	mAB4978	4,78E-01	4,34E-04
2700038C09Rik	66496	mAA9944	9,64E-01	8,88E-06
2700049A03Rik	76967	mAB1029	2,17E-01	2,10E-03
2810012G03Rik	66306	mAA8303	2,25E-01	4,75E-04
2810439F02Rik	72747	mAA6538	1,15E+00	4,12E-06
2900011O08Rik	67254	mAB5176	3,88E-01	1,03E-06
3110043O21Rik	73205	mAB1384	2,27E-01	2,05E-04
4930402H24Rik	228602	mAB2214	2,42E-01	1,57E-04
4930430F08Rik	68281	mAB2653	2,32E-01	5,93E-03
4930471M23Rik	74919	mAA4879	2,91E-01	2,55E-04
4930473A02Rik	321014	mAA9872	2,11E-01	8,05E-05
4930570C03Rik	67739	mAA5209	2,36E-01	2,15E-03
4932442K08Rik	67544	mAB5177	2,29E-01	6,60E-03
4933413A10Rik	243220	mAA1972	2,20E-01	5,74E-05
4933425L03Rik	71169	mAB4840	3,07E-01	6,98E-05
4933437F05Rik	71275	mAA0385	5,09E-01	1,94E-06
4933439C20Rik	66776	mAA0832	4,09E-01	5,46E-06
5031414D18Rik	271221	mAA5153	3,58E-01	4,45E-05
5230400M03Rik	329406	mAA3664	2,26E-01	4,36E-04
5730419I09Rik	74741	mAA9413	2,08E-01	1,77E-04
5730446C15Rik	226016	mAA7962	3,28E-01	8,47E-05
5830434P21Rik	227723	mAB4609	2,52E-01	1,08E-03
5830472M02Rik	76080	mAA2426	2,30E-01	1,98E-03
6330409N04Rik	66674	mAA7205	1,11E+00	2,13E-06
6430537K16Rik	320480	mAB3318	8,95E-01	6,83E-09
6530401D17Rik	76219	mAB1878	2,61E-01	6,33E-05
8430419L09Rik	74525	mAB0456	5,03E-01	1,40E-03
9130221H12Rik	77124	mAA8586	2,00E-01	4,99E-03
9130404D14Rik	227737	mAA2610	6,27E-01	1,67E-03
9330134C04Rik	432766	mAA2998	4,86E-01	6,43E-04
9430010O03Rik	234023	mAA8114	4,19E-01	3,95E-06
A130034M23Rik	320759	mAA1756	3,02E-01	6,55E-04
A230087F16Rik	320738	mAA7897	2,78E-01	1,59E-04
A230098N10Rik	97209	mAA3302	2,07E-01	2,08E-03
A4galt	239559	mAA1067	2,21E-01	6,35E-05
A530040E14Rik	621875	mAA9916	7,14E-01	1,94E-06
AA536749	26936	mAA4215	2,46E-01	1,30E-03
Aars	234734	mAA5610	4,53E-01	8,89E-04
Abca3	27410	mAB3089	7,63E-01	1,91E-03
Abcb6	74104	mAA1599	3,86E-01	1,06E-03

Abcc10	224814	mAB5328	2,52E-01	7,63E-05
Abcg4	192663	mAA8826	2,10E-01	1,29E-03
Abhd4	105501	mAB1644	6,05E-01	1,20E-06
Ablim1	226251	mAA2733	2,96E-01	2,97E-03
Abr	109934	mAA5018	2,28E-01	2,87E-04
Abtb2	99382	mAA1104	2,83E-01	8,87E-05
Acad11	102632	mAB2790	2,04E-01	1,93E-03
Acadl	11363	mAA4259	8,22E-01	3,70E-05
Acads	11409	mAA2464	2,44E-01	2,21E-03
Aco1	11428	mAA0543	4,72E-01	2,66E-06
Aco2	11429	mAB3997	2,18E-01	8,69E-05
Acox1	11430	mAA1643	7,15E-01	6,48E-07
Acs14	50790	mAA7691	3,51E-01	3,79E-05
Acss1	68738	mAB0613	2,32E-01	1,67E-04
Actn2	11472	mAB4379	2,11E-01	3,59E-03
Actr1a	54130	mAA2722	3,83E-01	5,78E-05
Actr3b	242894	mAB5439	2,04E-01	5,46E-03
Adam17	11491	mAA3255	2,02E-01	3,08E-03
Adam19	11492	mAA0578	5,59E-01	7,25E-03
Adam8	11501	mAA7612	3,30E-01	6,97E-05
Adamts10	224697	mAA2248	2,65E-01	5,69E-04
Add1	11518	mAB3273	3,03E-01	2,58E-03
Adi1	104923	mAA0769	2,49E-01	4,85E-04
Adipor1	72674	mAA7206	3,81E-01	8,96E-03
Adipor2	68465	mAB3074	4,19E-01	7,20E-07
Adpgk	72141	mAA3500	3,12E-01	1,73E-03
Adprh	11544	mAA2358	2,10E-01	7,42E-03
Aebp2	11569	mAA2347	2,65E-01	2,88E-04
Agpat7	99010	mAA3039	3,50E-01	1,44E-05
Agrn	11603	mAB0826	2,49E-01	1,33E-03
Aim1	11630	mAB5500	5,08E-01	5,11E-06
Akp2	11647	mAA1818	3,96E-01	2,81E-05
Akr1a4	58810	mAB3831	2,00E-01	5,11E-04
Aldh16a1	69748	mAA2510	2,44E-01	1,08E-04
Aldh1b1	72535	mAB3209	2,64E-01	1,71E-03
Aldh3a2	11671	mAB1732	2,42E-01	2,71E-03
Aldoa	11674	mAA2918	2,33E-01	5,14E-03
Aldob	230163	mAA5221	2,40E-01	1,75E-03
Aldoc	11676	mAA4826	4,39E-01	7,82E-05
Alg9	102580	mAA2163	5,39E-01	2,92E-03
Als2	74018	mAB4913	2,89E-01	1,07E-03
Als2cr13	72750	mAA7532	5,01E-01	3,84E-05
Als2cr2	227154	mAA5046	2,07E-01	3,18E-03
Amacr	17117	mAB2465	2,72E-01	3,97E-03
Anapc2	99152	mAA9099	2,16E-01	9,44E-04
Ankfy1	11736	mAA2974	4,21E-01	2,28E-03
Ankzf1	52231	mAA2298	3,53E-01	1,12E-05
Anp32a	11737	mAB1779	2,88E-01	4,53E-05
Anxa1	16952	mAA0756	4,02E-01	3,26E-04
Anxa11	11744	mAA1268	5,03E-01	4,79E-06
Anxa2	12306	mAB2026	1,29E+00	1,95E-07
Anxa4	11746	mAA8304	7,46E-01	2,55E-07
Anxa5	11747	mAA1468	2,58E-01	1,14E-04



Anxa6	11749	mAB3263	3,10E-01	6,02E-05
Anxa7	11750	mAA3822	3,02E-01	4,77E-05
Ap1s1	11769	mAA0860	2,67E-01	2,01E-05
Ap2a2	11772	mAA3365	2,41E-01	1,41E-04
Ap3b1	11774	mAA3746	3,60E-01	7,70E-03
Ap3d1	11776	mAA0209	5,32E-01	1,28E-06
Ap3s2	11778	mAA1407	2,78E-01	3,73E-04
Apaf1	11783	mAB5393	2,84E-01	6,54E-04
Apobec1	11810	mAB0274	4,95E-01	8,60E-05
App	11820	mAB1828	7,96E-01	2,73E-07
Appl2	216190	mAB2956	4,78E-01	1,07E-05
Aprt	11821	mAA3747	2,63E-01	2,40E-03
Arfgap3	66251	mAA5590	2,78E-01	1,36E-03
Arfgef2	99371	mAA5338	2,08E-01	9,35E-04
Arhgap12	75415	mAA1330	3,51E-01	4,03E-05
Arhgdia	192662	mAA1280	4,00E-01	4,48E-04
Arhgdig	14570	mAB5258	2,21E-01	1,57E-04
Arid1a	93760	mAA2114	4,96E-01	7,41E-06
Arl2	56327	mAB2886	2,49E-01	1,70E-04
Arl6	56297	mAA5011	4,64E-01	2,86E-04
Armcx3	71703	mAB1464	4,70E-01	1,68E-05
Armcx4	102910	mAA6188	5,20E-01	2,65E-04
Armet	74840	mAA0773	3,03E-01	6,39E-04
Arrdc1	215705	mAA5392	2,11E-01	2,55E-03
Arsa	11883	mAB2760	3,06E-01	9,96E-04
Asl	109900	mAA7282	2,43E-01	1,57E-04
Asns	27053	mAB4749	2,47E-01	3,99E-03
Asph	65973	mAA4245	2,57E-01	8,36E-04
Aspm	12316	mAB5107	2,84E-01	2,17E-05
Asxl1	228790	mAA8117	3,73E-01	8,64E-06
Atf3	11910	mAA5051	7,78E-01	2,39E-07
Atf6	226641	mAA4487	2,21E-01	3,29E-05
Atg2a	329015	mAA3051	2,91E-01	1,14E-04
Atg4c	242557	mAB1076	2,63E-01	3,96E-03
Atg7	74244	mAA0997	2,68E-01	3,90E-04
Atg9a	245860	mAA7754	3,80E-01	7,24E-06
Athl1	212974	mAB2100	3,42E-01	5,60E-03
Atp11a	50770	mAA6722	3,71E-01	1,89E-04
Atp11b	76295	mAA7069	4,43E-01	9,32E-04
Atp5g3	228033	mAB1433	5,28E-01	2,56E-04
Atp6v0a2	21871	mAA3286	2,68E-01	2,28E-05
Atp6v0a4	140494	mAA5158	2,25E-01	7,20E-03
Atp6v0b	114143	mAB3378	5,20E-01	1,98E-03
Atp6v0d1	11972	mAB0736	4,13E-01	8,44E-07
Atp6v0e	11974	mAA2962	2,17E-01	3,90E-03
Atp6v1a	11964	mAA1978	3,39E-01	1,78E-04
Atp7b	11979	mAA2422	1,39E+00	2,35E-06
Atp8b2	54667	mAA1551	2,90E-01	9,92E-06
AU020206	101757	mAB4398	3,05E-01	1,62E-03
AU022434	106337	mAA6002	2,95E-01	1,21E-03
AU022751	102991	mAA8268	3,42E-01	6,62E-05
AU040320	100317	mAA9105	2,73E-01	1,43E-04
AU043392	100329	mAA9605	2,09E-01	1,62E-03

Aurkb	20877	mAA0155	2,12E-01	3,97E-03
Avpi1	69534	mAA0189	5,29E-01	1,58E-06
Axl	26362	mAB4560	5,25E-01	1,18E-04
Axud1	215418	mAA8145	3,74E-01	2,44E-05
Aytl2	210992	mAA6437	4,55E-01	2,61E-03
B4galt1	14595	mAB3626	2,19E-01	3,88E-04
B4galt5	56336	mAA1059	3,59E-01	1,26E-03
B9d1	27078	mAA1953	2,29E-01	3,70E-03
Bap1	104416	mAA2652	3,13E-01	2,39E-05
Basp1	70350	mAA2061	9,46E-01	9,25E-08
Bat3	224727	mAA0452	3,27E-01	4,73E-05
Baz2a	116848	mAA7116	7,61E-01	3,14E-06
BC004728	207818	mAA5182	3,44E-01	3,25E-06
BC008163	230789	mAA7182	2,36E-01	4,71E-03
BC010304	218236	mAA8963	4,73E-01	7,42E-05
BC010787	235043	mAA7050	2,36E-01	2,70E-04
BC020002	252875	mAB1480	3,96E-01	4,86E-06
BC024814	239706	mAB1983	2,21E-01	2,85E-04
BC026682	230579	mAA4248	2,07E-01	4,07E-03
BC029722	613262	mAA9091	2,73E-01	7,93E-05
BC032204	108101	mAA4195	3,10E-01	5,57E-04
BC034069	100038347	mAB1678	3,09E-01	7,79E-06
BC039210	234839	mAB0337	4,08E-01	9,78E-05
BC087945	432940	mAB2238	3,75E-01	3,24E-05
Bcas1	76960	mAA9557	2,08E-01	5,59E-04
Bcat2	12036	mAB3941	2,07E-01	5,71E-03
Bckdha	12039	mAB2980	2,51E-01	9,98E-03
Bcor	71458	mAA0742	2,87E-01	6,72E-06
Birc2	11797	mAB5645	2,19E-01	2,92E-03
Blcap	53619	mAA0753	2,29E-01	3,34E-04
Blk	12143	mAB5407	7,23E-01	4,22E-07
Blm	12144	mAA1530	2,04E-01	3,67E-03
Blnk	17060	mAA5446	7,85E-01	1,46E-08
Blvrb	233016	mAA4594	2,99E-01	1,55E-04
Bmp15	12155	mAA5284	3,05E-01	8,97E-04
Bmp2k	140780	mAA5473	2,10E-01	1,26E-03
Bmpr1a	12166	mAB0062	4,10E-01	5,53E-07
Bnip3	12176	mAB2990	6,35E-01	5,72E-08
Bnip3l	12177	mAA1483	3,59E-01	2,93E-03
Brd1	223770	mAA7742	2,81E-01	9,68E-04
Brd2	14312	mAB1333	2,93E-01	3,86E-03
Brd8	78656	mAA2618	2,34E-01	1,18E-04
Brwd1	93871	mAA0177	3,01E-01	4,86E-06
Bscl2	14705	mAB4966	3,73E-01	6,19E-04
Bsg	12215	mAA1899	3,56E-01	1,96E-05
Btd	26363	mAB4733	2,45E-01	1,87E-03
Btrc	12234	mAA3937	3,90E-01	1,87E-06
C030046I01Rik	109284	mAB2908	3,13E-01	1,59E-04
C130038G02Rik	77521	mAA7935	2,16E-01	3,90E-04
C1galt1	94192	mAA1762	2,67E-01	9,63E-05
C1s	50908	mAA7166	3,51E-01	1,85E-04
C230098O21Rik	102153	mAB4430	6,25E-01	1,45E-03
C330002I19Rik	77480	mAB4534	4,95E-01	3,86E-05

C76711	97629	mAA3227	2,02E-01	5,49E-05
C77096	97131	mAA3348	5,53E-01	3,45E-07
C86942	97564	mAA5322	3,89E-01	3,06E-06
Cabin1	104248	mAA2926	3,01E-01	3,68E-05
Cald1	109624	mAA2026	2,78E-01	4,69E-04
Calr	12317	mAA2002	3,00E-01	5,87E-03
Cap1	12331	mAA1203	8,94E-01	2,19E-05
Capg	12332	mAA1259	2,62E-01	5,79E-03
Capn2	12334	mAA6981	7,73E-01	1,88E-06
Capns1	12336	mAB4593	3,89E-01	5,49E-04
Car2	12349	mAA1769	3,16E-01	3,62E-04
Carm1	59035	mAA0883	2,69E-01	2,35E-03
Cars	27267	mAA6868	4,71E-01	1,61E-07
Casp12	12364	mAB2553	3,39E-01	2,52E-05
Casp2	12366	mAB5487	2,24E-01	3,91E-04
Casp6	12368	mAB5008	8,60E-01	1,21E-05
Casp8ap2	26885	mAA8787	2,11E-01	3,13E-04
Casp9	12371	mAB1847	2,76E-01	2,33E-05
Cbara1	216001	mAB2490	2,73E-01	4,48E-05
Cbx7	52609	mAA1342	2,61E-01	2,36E-03
Cc2d1a	212139	mAB2131	3,94E-01	4,06E-06
Ccdc100	225523	mAA2721	3,05E-01	1,93E-04
Ccdc128	73825	mAB4333	2,02E-01	9,08E-05
Ccdc52	212514	mAA6146	2,94E-01	6,65E-04
Ccdc64	75665	mAB2301	3,46E-01	2,20E-04
Ccdc97	52132	mAA1374	2,40E-01	4,08E-04
Ccnd3	12445	mAA3886	2,91E-01	3,12E-03
Ccnl2	56036	mAB1322	2,46E-01	5,11E-04
Ccnt1	12455	mAB5647	2,08E-01	3,42E-03
Ccpg1	72278	mAA4753	2,03E-01	6,53E-05
Cd24a	12484	mAB0372	4,77E-01	6,90E-06
Cd44	12505	mAA1146	6,21E-01	5,29E-05
Cd47	16423	mAA0294	3,82E-01	4,71E-03
Cd55	13136	mAA8377	2,40E-01	8,19E-04
Cd63	12512	mAB1380	3,12E-01	7,24E-06
Cd81	12520	mAB4432	3,07E-01	3,20E-06
Cdc14b	218294	mAA7728	2,93E-01	9,28E-04
Cdc23	52563	mAB0800	3,14E-01	6,26E-03
Cdc42se1	57912	mAB4879	3,59E-01	3,62E-06
Cdh16	12556	mAB5565	3,19E-01	1,26E-03
Cdh17	12557	mAB5593	5,83E-01	5,33E-03
Cdk5	12568	mAB0578	3,04E-01	5,31E-03
Cdkl2	53886	mAA9394	4,67E-01	3,32E-03
Cdon	57810	mAB4409	4,45E-01	6,53E-05
Ceacam15	101434	mAA1630	2,03E-01	2,51E-04
Cebpg	12611	mAA5990	3,05E-01	6,11E-05
Centd1	212285	mAA6237	5,30E-01	4,06E-06
Centd2	69710	mAB3222	4,06E-01	1,97E-06
Cep164	214552	mAA1924	4,49E-01	4,89E-07
Cep170	545389	mAA6718	3,63E-01	1,06E-05
Cetn4	207175	mAA5493	3,60E-01	1,65E-03
Cfl1	12631	mAB1823	3,74E-01	1,67E-06
Chd4	107932	mAA2161	2,72E-01	3,33E-03

Chd8	67772	mAA6361	3,67E-01	1,34E-05
Chd9	109151	mAA4921	3,59E-01	8,72E-03
Chmp1a	234852	mAA1138	1,52E+00	5,72E-08
Chmp4b	75608	mAA3271	4,21E-01	1,33E-05
Chmp5	76959	mAA2092	2,96E-01	1,36E-04
Chst10	98388	mAA9190	3,23E-01	3,30E-04
Chst12	59031	mAA8607	4,88E-01	7,49E-07
Chtf18	214901	mAA0589	2,22E-01	2,30E-03
Cish	12700	mAB5210	3,29E-01	1,80E-05
Ckap4	216197	mAB2092	4,11E-01	2,97E-05
Ckap5	75786	mAA4526	2,47E-01	2,63E-05
Ckb	12709	mAA0633	5,56E-01	2,78E-04
Clic4	29876	mAA1200	2,82E-01	7,89E-03
Cln5	211286	mAA1317	2,29E-01	1,08E-04
Clpb	20480	mAA2565	2,35E-01	7,91E-04
Clstn1	65945	mAA2741	7,01E-01	8,15E-03
Cltc	67300	mAA1284	5,65E-01	5,04E-07
Cnn3	71994	mAA5318	3,04E-01	5,13E-05
Cog6	67542	mAA7073	4,90E-01	2,89E-06
Commd10	69456	mAA2969	2,79E-01	5,51E-04
Copa	12847	mAB2206	3,19E-01	1,58E-03
Copb2	50797	mAA2850	2,24E-01	6,71E-03
Copg	54161	mAA2920	2,10E-01	4,60E-04
Copg2	54160	mAB1860	2,16E-01	2,94E-03
Coro2b	235431	mAA5529	2,03E-01	1,19E-04
Coro7	78885	mAB4165	4,92E-01	1,07E-05
Cox4i1	12857	mAA9218	5,08E-01	1,48E-03
Cox6a1	12861	mAA8786	2,09E-01	9,04E-03
Cpeb4	67579	mAA5994	3,80E-01	7,58E-06
Cradd	12905	mAB5558	2,00E-01	5,98E-03
Cramp1l	57354	mAA1939	3,50E-01	4,93E-03
Creb3	12913	mAB3040	3,79E-01	8,75E-06
Creb3l2	208647	mAB0532	6,40E-01	2,57E-06
Crip1	12925	mAB0347	7,99E-01	2,74E-09
Crip2	68337	mAB0462	6,32E-01	2,11E-07
Crip3	114570	mAA7670	3,63E-01	8,61E-03
Crot	74114	mAB0259	2,83E-01	2,88E-04
Cryz	12972	mAA4523	3,31E-01	3,16E-03
Cryz1	66609	mAB2870	2,86E-01	1,12E-03
Cs	12974	mAA1071	2,12E-01	1,90E-03
Csda	56449	mAA4213	2,65E-01	1,65E-04
Csf1	12977	mAA5416	3,45E-01	2,96E-05
Csk	12988	mAA1125	3,87E-01	1,18E-05
Csnk2a2	13000	mAA8882	2,04E-01	8,13E-03
Csrp2bp	228714	mAA5334	2,92E-01	1,27E-04
Ctdsp1	227292	mAA9179	2,99E-01	1,31E-03
Cth	107869	mAA9832	5,94E-01	9,70E-04
Ctla2b	13025	mAA2056	2,73E-01	6,29E-04
Ctnna1	12385	mAA1687	3,44E-01	1,65E-03
Ctnnd1	12388	mAA2088	4,04E-01	8,83E-05
Ctsa	19025	mAB0881	4,56E-01	2,40E-05
Ctsd	13033	mAB3245	2,52E-01	8,24E-04
Ctsh	13036	mAA2686	8,00E-01	4,51E-06

Ctnn	13043	mAB0362	2,09E-01	5,17E-04
Cugbp2	14007	mAA5654	2,68E-01	5,59E-05
Cul7	66515	mAA2503	2,79E-01	1,53E-04
Cutl1	13047	mAA0240	2,64E-01	4,39E-03
Cwc15	66070	mAA9653	2,30E-01	1,11E-04
Cyb561	13056	mAB1348	2,33E-01	3,36E-04
Cybb	13058	mAA5734	8,21E-01	6,29E-07
Cyfp1	20430	mAA2689	5,53E-01	4,31E-04
Cyfp2	76884	mAA5978	2,13E-01	2,12E-04
Cyhr1	54151	mAB4334	2,24E-01	3,90E-04
Cyp11a1	13070	mAA8964	3,87E-01	2,87E-03
D0HXS9928E	108160	mAB0055	3,46E-01	2,42E-06
D10Ertd610e	52666	mAA2380	3,41E-01	6,87E-05
D130059P03Rik	320538	mAA2104	2,12E-01	4,76E-03
D14Ertd436e	218978	mAB1097	2,56E-01	1,25E-04
D14Ertd725e	52524	mAA7117	2,37E-01	1,57E-04
D15Wsu169e	223666	mAA0426	3,32E-01	9,66E-05
D230025D16Rik	234678	mAA3196	2,11E-01	3,59E-04
D2Ertd391e	51897	mAA8473	2,89E-01	5,15E-04
D430028G21Rik	228607	mAB1982	2,56E-01	1,31E-05
D4Wsu132e	28027	mAB3425	2,92E-01	3,51E-04
D6Mit97	110963	mAA5247	2,71E-01	2,65E-03
D7Ertd715e	52480	mAA7083	5,50E-01	2,23E-06
Daam2	76441	mAB4738	3,20E-01	1,57E-05
Dab1	13131	mAB0255	3,16E-01	5,35E-05
Dab2	13132	mAA2348	4,18E-01	2,34E-06
Dag1	13138	mAA0688	2,27E-01	7,59E-03
Dap	223453	mAA9124	6,42E-01	1,93E-06
Dbi	13167	mAB1867	2,99E-01	1,97E-04
Dcbld1	66686	mAB5059	2,00E-01	2,51E-03
Dcbld2	73379	mAA2857	2,78E-01	9,51E-05
Dcun1d3	233805	mAA2760	2,79E-01	5,63E-03
Ddb1	13194	mAA0727	2,70E-01	3,66E-04
Ddef2	211914	mAA7294	2,37E-01	3,40E-04
Ddx58	230073	mAA1262	3,08E-01	2,91E-03
Deaf1	54006	mAB2599	3,09E-01	1,84E-04
Dedd	21945	mAA8686	2,53E-01	5,31E-03
Depdc5	277854	mAB1862	2,28E-01	3,02E-04
Derl1	67819	mAB2073	2,40E-01	1,05E-05
Dgat1	13350	mAA3188	1,26E+00	2,97E-07
Dgka	13139	mAA2764	2,47E-01	1,97E-04
Dhcr24	74754	mAB2906	6,65E-01	9,41E-07
Dhcr7	13360	mAA0490	5,06E-01	1,10E-04
Dhrs1	52585	mAA1961	3,78E-01	2,06E-04
Dhrs3	20148	mAB1571	1,47E+00	9,91E-08
Diap1	13367	mAA0302	4,04E-01	4,07E-05
Dirc2	224132	mAA7287	3,09E-01	1,94E-03
Dlat	235339	mAA0459	3,75E-01	1,38E-05
Dlst	78920	mAA0542	2,05E-01	5,26E-03
Dmwd	13401	mAB0526	5,73E-01	8,87E-04
Dnajb4	67035	mAA5463	2,78E-01	2,06E-04
Dnajb5	56323	mAB5388	3,70E-01	8,44E-07
Dnajc10	66861	mAB5054	2,19E-01	1,77E-03

Dnm2	13430	mAA3905	2,10E-01	3,77E-03
Dnmbp	71972	mAA4815	2,08E-01	5,31E-03
Dnpep	13437	mAA1980	2,55E-01	2,05E-04
Dock7	67299	mAA5454	3,53E-01	3,43E-05
Dock9	105445	mAA0627	6,63E-01	4,68E-06
Dok1	13448	mAB4459	3,32E-01	1,81E-04
Dot1l	208266	mAB2686	2,57E-01	6,79E-05
Dpf2	19708	mAB3272	2,41E-01	3,98E-04
Dph2	67728	mAA1983	4,26E-01	2,06E-05
Dppa1	347708	mAA3554	4,86E-01	8,54E-05
Drctnnb1a	84652	mAA6302	4,29E-01	1,34E-05
Drd1ip	68566	mAA9214	2,15E-01	5,73E-04
Dsg2	13511	mAA4287	2,93E-01	7,35E-03
Dtl	76843	mAA5242	3,63E-01	2,54E-03
Dtx1	14357	mAB4148	3,57E-01	6,62E-05
Dtx2	74198	mAA0347	2,10E-01	2,95E-03
Dullard	67181	mAA0611	6,17E-01	3,79E-04
Dusp16	70686	mAB2183	3,26E-01	7,79E-06
Dusp19	68082	mAA4004	2,67E-01	1,10E-04
Dusp3	72349	mAB0246	6,19E-01	2,13E-03
Dusp7	235584	mAB4908	2,15E-01	3,42E-03
Dynlt3	67117	mAB5109	2,43E-01	2,36E-04
E030041M21Rik	75089	mAA4494	2,48E-01	1,72E-03
E2f4	104394	mAA0754	2,25E-01	5,74E-03
E430025E21Rik	223593	mAA2015	2,65E+00	9,51E-04
E4f1	13560	mAA2159	2,52E-01	2,27E-05
Ech1	51798	mAB2486	4,06E-01	4,28E-05
Echdc2	52430	mAA7627	3,59E-01	8,05E-05
Edem1	192193	mAA1867	3,41E-01	8,67E-06
Edem2	108687	mAA0604	4,47E-01	2,12E-04
Edn2	13615	mAB5247	4,10E-01	4,12E-04
Ednra	13617	mAB4993	2,48E-01	4,45E-03
Eef2	13629	mAB2312	4,52E-01	3,29E-03
Efhd2	27984	mAB0588	2,83E-01	4,52E-04
Efna5	13640	mAA8533	3,66E-01	1,40E-05
EG668310	668310	mAA5486	2,78E-01	3,76E-05
Egln1	112405	mAB3838	2,45E-01	4,02E-05
Ehbp1l1	114601	mAB2283	5,50E-01	2,01E-05
Ehd1	13660	mAA0113	2,98E-01	1,42E-03
Ehd4	98878	mAA9757	3,49E-01	7,38E-04
Ehmt2	110147	mAB4327	2,96E-01	2,09E-03
Eid1	58521	mAB1218	2,83E-01	3,75E-05
Eif2ak4	27103	mAB1943	3,80E-01	1,46E-05
Eif2s3x	26905	mAA8199	2,43E-01	7,03E-04
Eif4b	75705	mAA4783	2,63E-01	4,76E-04
Eif4g3	230861	mAA0996	2,81E-01	4,41E-05
Eif5	217869	mAA3021	2,03E-01	4,11E-04
Eif5b	226982	mAB3525	3,92E-01	1,10E-05
Elac1	114615	mAB3072	2,06E-01	9,72E-04
Ell	13716	mAB4494	3,09E-01	4,54E-06
Ell2	192657	mAB0454	7,52E-01	1,27E-06
Elmo2	140579	mAB5157	3,50E-01	1,90E-04
Elavl6	170439	mAA1383	3,14E-01	4,89E-03

Emb	13723	mAA2260	2,13E-01	1,21E-03
Emilin3	280635	mAB4902	2,59E-01	1,74E-03
Eml4	78798	mAB4109	3,29E-01	7,86E-03
Eno1	13806	mAA2551	4,20E-01	2,46E-06
ENSMUSG00000073783	100038419	mAA2158	2,76E-01	2,09E-03
Entpd1	12495	mAA1707	1,05E+00	4,70E-07
Entpd5	12499	mAA1825	2,33E-01	8,02E-04
Ep300	328572	mAB5398	2,82E-01	4,61E-05
Epdr1	105298	mAA9320	2,60E-01	3,56E-04
Ephb6	13848	mAB0201	2,19E-01	7,86E-03
Epn2	13855	mAA4864	2,32E-01	1,03E-03
Eprs	107508	mAB4722	2,59E-01	5,61E-04
Ergic3	66366	mAB2444	2,99E-01	1,21E-03
Ern1	78943	mAA4843	2,45E-01	6,44E-04
Ero1l	50527	mAA1771	5,75E-01	8,00E-06
Espn	56226	mAA6025	4,09E-01	1,78E-06
Etnk1	75320	mAA4563	2,75E-01	1,80E-04
Etohd2	13996	mAA6337	2,36E-01	4,56E-04
Etv4	18612	mAB5606	2,17E-01	5,66E-03
Etv5	104156	mAB1133	1,08E+00	9,91E-08
Exoc6b	75914	mAB2635	2,30E-01	3,45E-04
Ext2	14043	mAA0939	2,41E-01	3,93E-03
F11r	16456	mAB4440	2,88E-01	4,37E-04
Fads1	76267	mAA2939	4,16E-01	2,99E-05
Fah	14085	mAB0431	4,56E-01	2,04E-06
Farp1	223254	mAA2625	6,92E-01	5,08E-07
Fasn	14104	mAA0998	2,37E-01	3,92E-03
Fastk	66587	mAB3368	2,91E-01	1,74E-03
Fbxl10	30841	mAA7316	3,02E-01	6,35E-04
Fbxl20	72194	mAA7539	3,36E-01	1,32E-04
Fbxo18	50755	mAB1651	5,27E-01	2,36E-04
Fbxo21	231670	mAB1619	2,39E-01	3,63E-04
Fbxo6	50762	mAA1155	7,05E-01	7,73E-07
Fbxw11	103583	mAA0369	2,28E-01	3,19E-05
Fbxw17	109082	mAA4991	2,10E-01	1,96E-03
Fcgr3	14131	mAB2946	2,16E-01	7,61E-03
Fdft1	14137	mAA7006	3,64E-01	2,78E-05
Fem1b	14155	mAB0841	2,35E-01	3,58E-04
Fgfr1	14182	mAB4795	2,40E-01	1,05E-03
Fhod3	225288	mAA4092	2,37E-01	4,37E-04
Fkbp15	338355	mAA2628	2,37E-01	2,02E-03
Flii	14248	mAA4203	3,49E-01	9,69E-05
Flna	192176	mAB4696	4,29E-01	5,46E-07
Flt4	14257	mAB5323	2,98E-01	3,49E-03
Fndc3a	319448	mAA0212	2,74E-01	1,03E-05
Fosl2	14284	mAB0475	3,49E-01	6,53E-05
Foxk2	68837	mAA0804	2,70E-01	5,42E-04
Foxm1	14235	mAB3355	2,46E-01	7,12E-04
Foxn3	71375	mAB1279	2,23E-01	2,53E-05
Foxo1	56458	mAA9522	3,70E-01	5,84E-06
Frap1	56717	mAB4702	6,59E-01	1,72E-05
Frmd4b	232288	mAA5456	6,49E-01	9,51E-07
Fry	320365	mAA5402	2,87E-01	3,46E-06

Fscn1	14086	mAA0523	3,28E-01	2,20E-05
Ftl1	14325	mAA2205	2,67E-01	9,05E-05
Fuk	234730	mAB5552	3,19E-01	2,35E-04
Furin	18550	mAB5585	5,98E-01	2,04E-05
Fxr2	23879	mAB5201	3,13E-01	2,53E-05
G3bp1	27041	mAA2753	3,07E-01	1,42E-03
G630014P10Rik	333639	mAB0407	3,10E-01	3,16E-06
G6pc3	68401	mAA9970	2,23E-01	2,29E-03
Gaa	14387	mAB0394	4,74E-01	5,10E-07
Gadd45a	13197	mAB5360	3,73E-01	3,91E-04
Gak	231580	mAB5617	3,01E-01	1,60E-04
Gale	74246	mAA1711	6,64E-01	7,18E-07
Ganab	14376	mAB3232	5,57E-01	2,62E-04
Gap43	14432	mAB5041	2,22E-01	2,87E-03
Gapdh	14433	mAA2374	3,55E-01	2,97E-03
Gata3	14462	mAA4659	2,48E-01	1,61E-04
Gatm	67092	mAB2726	1,58E+00	7,01E-03
Gbf1	107338	mAB4555	2,44E-01	2,47E-04
Gcnt2	14538	mAA0931	4,53E-01	1,03E-03
Gdap1	14545	mAA5495	3,19E-01	6,37E-04
Gdap2	14547	mAA2713	2,27E-01	5,92E-04
Gdi1	14567	mAA1914	4,88E-01	4,58E-07
Gfm2	320806	mAA7362	2,03E-01	4,50E-04
Gga2	74105	mAB4270	2,08E-01	7,84E-04
Ggta1	14594	mAA4684	4,57E-01	9,92E-06
Gipc1	67903	mAB1680	2,04E-01	2,41E-03
Gja1	14609	mAB0757	1,10E+00	1,58E-07
Gla	11605	mAA8404	3,38E-01	9,03E-04
Glb1	12091	mAA8286	4,81E-01	1,86E-05
Gldc	104174	mAA2837	5,72E-01	2,09E-04
Glg1	20340	mAA0553	3,76E-01	1,32E-04
Glo1	109801	mAB3752	6,00E-01	1,20E-07
Glrx	93692	mAA2795	3,59E-01	7,07E-03
Glt8d1	76485	mAB2125	3,10E-01	3,85E-06
Glud1	14661	mAB3399	5,00E-01	7,69E-05
Gm2a	14667	mAA3303	5,16E-01	1,49E-03
Gm784	333564	mAA2457	2,13E+00	7,39E-09
Gmppa	69080	mAB3003	2,64E-01	6,31E-03
Gna13	14674	mAB1378	2,07E-01	1,04E-04
Gnai2	14678	mAB1497	5,42E-01	1,23E-06
Gnas	14683	mAB4370	3,35E-01	1,44E-06
Gnb1	14688	mAA8965	2,40E-01	1,94E-04
Gnpda1	26384	mAA2180	4,78E-01	6,84E-04
Gnptab	432486	mAB1416	5,47E-01	8,15E-04
Golga4	54214	mAA3460	2,31E-01	3,62E-04
Golgb1	224139	mAB0602	3,16E-01	1,32E-04
Gosr1	53334	mAA1426	4,63E-01	1,14E-04
Got1	14718	mAA4309	2,28E-01	2,79E-03
Gp49a	14727	mAB5175	1,35E+00	6,49E-06
Gpatch2	67769	mAA0106	2,44E-01	2,63E-03
Gpi1	14751	mAA5312	2,79E-01	3,91E-04
Gpkow	209416	mAB1587	2,85E-01	9,35E-03
Gpld1	14756	mAB0712	3,37E-01	7,17E-04



Gpr108	78308	mAA4015	2,56E-01	5,62E-03
Gpr125	70693	mAB2826	2,45E-01	3,48E-04
Gpr137b	83924	mAB0819	3,64E-01	5,07E-04
Gpsn2	106529	mAB1715	4,85E-01	9,94E-04
Gpt2	108682	mAA7916	6,32E-01	6,99E-05
Gramd1a	52857	mAB1040	4,10E-01	4,06E-06
Grb2	14784	mAA2116	2,22E-01	8,13E-04
Grb7	14786	mAA0551	2,66E-01	2,93E-04
Grhpr	76238	mAA7653	2,30E-01	1,04E-03
Grina	66168	mAB4495	6,29E-01	4,03E-04
Grin1a	28015	mAA1944	3,19E-01	8,35E-03
Gsk3b	56637	mAB1909	3,13E-01	4,39E-03
Gsn	227753	mAB1442	8,05E-01	2,04E-08
Gstm1	14862	mAB2832	2,37E-01	7,22E-04
Gstm5	14866	mAA8020	2,99E-01	2,16E-04
Gstp1	14870	mAA0625	2,52E-01	5,99E-03
Gtf3c3	98488	mAB1567	2,75E-01	7,00E-04
Gtpbp2	56055	mAA9029	2,23E-01	8,86E-04
H1f0	14958	mAB0543	6,53E-01	1,58E-07
H2-D1	14964	mAB3462	2,00E-01	2,36E-03
H2-DMa	14998	mAB0418	3,51E-01	5,14E-06
H2-Eb1	14969	mAA0738	7,84E-01	1,76E-07
H3f3b	15081	mAA5125	3,17E-01	8,95E-04
Havcr1	171283	mAA9641	6,99E-01	1,30E-03
Hax1	23897	mAA2239	2,98E-01	4,10E-05
Hdac1	433759	mAB0906	2,28E-01	5,53E-05
Hdac5	15184	mAB5560	2,84E-01	1,19E-04
Hdac6	15185	mAB5561	2,24E-01	9,04E-05
Hddc3	68695	mAA5179	5,87E-01	2,21E-03
Hdlbp	110611	mAA1835	2,67E-01	4,90E-04
Heatr5b	320473	mAA2965	4,53E-01	2,50E-06
Hexb	15212	mAA7448	4,32E-01	5,09E-03
Hexdc	238023	mAB2637	2,02E-01	9,05E-05
Hgsnat	52120	mAA4630	2,00E-01	7,69E-04
Hif1a	15251	mAA1440	4,80E-01	8,73E-05
Hip1r	29816	mAB4201	2,56E-01	1,11E-03
Hipk3	15259	mAA5481	5,86E-01	2,22E-06
Hira	15260	mAA2867	2,45E-01	1,51E-03
Hk1	15275	mAB2807	4,37E-01	2,29E-04
Hmga1	15361	mAA2710	4,61E-01	1,62E-06
Hmox1	15368	mAA1739	2,79E-01	1,08E-05
Hn1	15374	mAA3478	4,13E-01	3,69E-04
Hnrnpl	15388	mAB3093	4,01E-01	1,20E-05
Hnt	235106	mAA3167	2,24E-01	2,45E-03
Hook2	170833	mAA9535	3,30E-01	3,17E-05
Hoxb1	15407	mAA2971	2,19E-01	6,44E-03
Hoxd9	15438	mAB5515	2,22E-01	8,06E-03
Hps1	192236	mAA2623	2,77E-01	2,05E-03
Hps5	246694	mAA4761	2,37E-01	1,53E-04
Hs3st3b1	54710	mAB0278	2,48E-01	4,85E-04
Htra2	64704	mAA4276	2,59E-01	9,22E-06
Huwe1	59026	mAB2334	2,80E-01	5,30E-03
Iah1	67732	mAA7960	3,64E-01	4,41E-05

Idh1	15926	mAB4646	3,65E-01	1,74E-03
Ier3	15937	mAA5394	5,62E-01	5,90E-06
Ifi30	65972	mAA3814	2,43E-01	1,36E-03
Ifitm2	80876	mAB1374	2,02E-01	9,66E-05
Ifitm3	66141	mAB0216	8,30E-01	1,85E-07
Ift81	12589	mAB2224	3,10E-01	7,73E-03
Igf2bp3	140488	mAA6879	5,97E-01	8,44E-07
Igf2r	16004	mAB4191	5,03E-01	1,47E-04
Igfbp4	16010	mAB0130	3,22E-01	1,66E-05
Igfbp6	16012	mAB5358	2,04E-01	8,27E-03
Igh-6	16019	mAA9887	7,89E-01	1,95E-06
Igsf8	140559	mAA9360	3,20E-01	2,81E-03
Ikbkb	16150	mAB3055	3,65E-01	1,31E-05
Ikzf4	22781	mAA9714	3,68E-01	7,10E-04
Il13	16163	mAB5369	8,11E-01	1,88E-07
Il15	16168	mAB5346	4,57E-01	1,46E-04
Il1r2	16178	mAB5287	1,12E+00	3,72E-08
Il2ra	16184	mAB5379	9,34E-01	3,45E-05
Il4ra	16190	mAB5508	4,41E-01	7,23E-03
Ildr1	106347	mAA9787	4,17E-01	2,84E-06
Ints5	109077	mAA1885	3,26E-01	1,30E-03
Ipo13	230673	mAB2488	2,31E-01	9,47E-03
Ipo7	233726	mAA0977	2,02E-01	7,12E-03
Ipo9	226432	mAA3735	2,28E-01	1,79E-03
Iqgap1	29875	mAA8013	2,28E-01	5,90E-03
Iqgap2	544963	mAB5634	2,00E-01	1,58E-04
Irak3	73914	mAB5391	2,39E-01	2,56E-04
Irf4	16364	mAB5248	3,03E-01	6,29E-06
Irf6	54139	mAA7541	3,96E-01	3,76E-04
Itfg1	71927	mAB3448	2,93E-01	1,46E-04
Itfg3	106581	mAA4483	2,40E-01	6,39E-05
Itga3	16400	mAB3058	2,95E-01	3,66E-05
Itgax	16411	mAB5540	5,59E-01	1,58E-06
Itgb1	16412	mAB2861	3,63E-01	6,96E-06
Itgb5	16419	mAA2967	2,45E-01	1,87E-04
Itm2c	64294	mAA9393	3,34E-01	6,53E-05
Itpk1	217837	mAB4414	3,54E-01	2,60E-06
Jak2	16452	mAA4650	3,84E-01	1,12E-04
Jarid1c	20591	mAB3925	3,47E-01	3,89E-03
Josd1	74158	mAB3155	3,35E-01	1,25E-03
Jub	16475	mAA2210	8,31E-01	8,64E-06
Kctd10	330171	mAA9863	2,67E-01	4,47E-05
Kdelc1	72050	mAA5720	2,87E-01	1,03E-04
Kif16b	16558	mAB5082	2,95E-01	6,95E-04
Kif1b	16561	mAB4438	5,54E-01	2,39E-03
Kif26a	668303	mAA1683	2,02E-01	1,57E-03
Kif3a	16568	mAB1620	3,18E-01	2,18E-04
Kif9	16578	mAA8276	2,57E-01	2,79E-04
Kifap3	16579	mAA1693	5,01E-01	6,57E-04
Klc4	74764	mAA2449	2,21E-01	5,91E-05
Klf6	23849	mAA5281	4,26E-01	8,32E-03
Klhdc2	69554	mAA6757	6,34E-01	1,35E-05
Klhl18	270201	mAB0677	4,67E-01	3,54E-05

KIhl5	71778	mAB2619	2,98E-01	6,08E-04
Kpna6	16650	mAA5141	2,60E-01	2,08E-03
Kpnb1	16211	mAA7553	5,46E-01	3,12E-06
Krt18	16668	mAA1933	2,64E-01	5,40E-06
Krt19	16669	mAA2096	3,63E-01	2,79E-05
Krt7	110310	mAA0592	7,67E-01	8,39E-07
Krt8	16691	mAA1343	2,38E-01	5,73E-03
L3mbtl3	237339	mAA5178	3,26E-01	3,89E-03
Lama1	16772	mAA2702	5,66E-01	1,07E-06
Lama5	16776	mAA0415	2,34E-01	1,52E-05
Lamc1	226519	mAA4132	2,98E-01	2,83E-04
Lamp2	16784	mAB0406	4,02E-01	2,82E-06
Lars	107045	mAA2427	6,02E-01	1,03E-06
Lass6	241447	mAA1814	1,14E+00	1,02E-07
Ldlr	16835	mAA1275	2,07E-01	1,73E-03
Leng4	77582	mAA2859	3,58E-01	4,73E-06
Lgals1	16852	mAA2094	6,22E-01	1,31E-03
Lgals4	16855	mAA3226	2,75E-01	2,48E-03
Lgmn	19141	mAA5959	3,03E-01	4,59E-05
Lgtn	16865	mAA3122	2,21E-01	1,77E-04
Liph	239759	mAA0214	3,53E-01	1,31E-05
Lman1	70361	mAA9600	2,07E-01	4,71E-03
Lman2	66890	mAB3075	2,13E-01	6,63E-04
Lmbrd1	68421	mAB0783	2,71E-01	7,86E-04
Lmna	16905	mAA1600	4,15E-01	1,45E-04
Lmo7	380928	mAA3813	2,68E-01	7,18E-04
LOC100038935	100038935	mAA7323	3,81E-01	7,10E-03
LOC100040471	100040471	mAA3029	5,85E-01	2,06E-07
LOC100040531	100040531	mAB1908	5,01E-01	2,24E-04
LOC100041151	100041151	mAB2059	3,84E-01	1,46E-06
LOC675884	675884	mAA3443	5,95E-01	9,29E-05
Lphn2	99633	mAB2989	3,13E-01	6,47E-06
Lrp1	16971	mAA9988	3,91E-01	4,69E-04
Lrp2	14725	mAA2268	2,74E+00	3,85E-04
Lrsam1	227738	mAB4712	3,95E-01	1,03E-04
Lsr	54135	mAB2207	3,54E-01	3,75E-05
Ltb4dh	67103	mAA3708	3,19E-01	1,63E-04
Luzp1	269593	mAA3012	2,06E-01	3,85E-04
Ly6a	110454	mAB0951	4,39E-01	1,21E-06
Ly6e	17069	mAA2536	3,70E-01	2,06E-04
Lyn	17096	mAA0019	6,19E-01	1,53E-03
Lypla3	192654	mAA5492	2,11E-01	1,78E-04
Lysmd2	70082	mAA0786	4,11E-01	2,94E-04
Lztr1	66863	mAB3383	4,29E-01	3,12E-06
Maged1	94275	mAB4151	2,33E-01	2,71E-04
Magel2	27385	mAB5273	4,01E-01	1,98E-05
Man2a2	140481	mAA5455	2,28E-01	3,70E-04
Man2b1	17159	mAA3950	3,39E-01	2,43E-05
Man2c1	73744	mAB2881	3,79E-01	6,04E-05
Manba	110173	mAA0994	2,47E-01	8,72E-05
Map3k14	53859	mAB5641	2,46E-01	8,22E-04
Map3k5	26408	mAB5311	4,02E-01	7,40E-07
Map3k8	26410	mAB5324	5,09E-01	4,71E-03

Map4k4	26921	mAB0059	2,79E-01	7,96E-04
Mapkapk2	17164	mAB4647	6,26E-01	9,08E-07
Mapkbp1	26390	mAA5751	3,74E-01	1,46E-05
March1	72925	mAA3532	4,10E-01	4,66E-04
March5	69104	mAA5744	2,18E-01	1,32E-04
March8	71779	mAB2561	5,01E-01	3,68E-04
Mark2	13728	mAA1913	2,22E-01	8,88E-03
Mark4	232944	mAA4243	3,58E-01	2,14E-03
Mast3	546071	mAB2590	2,99E-01	3,99E-03
Mbc2	23943	mAA2064	4,92E-01	1,29E-03
Mbd1	17190	mAA8571	2,59E-01	4,52E-04
Mboat2	67216	mAA1274	3,98E-01	4,39E-04
Mccc1	72039	mAA9993	4,83E-01	4,89E-04
Mcm10	70024	mAA4808	2,60E-01	1,22E-04
Mcm2	17216	mAB3142	2,61E-01	5,95E-05
Mcm3	17215	mAA2486	2,03E-01	1,47E-04
Mcm3ap	54387	mAA2903	2,79E-01	1,67E-04
Me1	17436	mAB4081	6,41E-01	1,80E-07
Med13	327987	mAA8125	3,27E-01	3,65E-05
Med13l	76199	mAB3117	2,77E-01	2,28E-03
Med24	23989	mAB1016	2,65E-01	1,70E-03
Men1	17283	mAB2838	2,35E-01	2,51E-03
Mfhas1	52065	mAA3425	6,56E-01	5,74E-05
Mfn1	67414	mAA7523	2,49E-01	1,18E-04
Mgrn1	17237	mAB2291	3,17E-01	2,66E-03
Mia3	338366	mAA4338	2,09E-01	9,59E-03
Mib1	225164	mAA3638	4,12E-01	2,46E-06
Mid1	17318	mAB1392	3,58E+00	1,20E-04
Mier1	71148	mAB5188	5,13E-01	2,61E-03
Mknk2	17347	mAB0802	3,00E-01	1,69E-04
Mmp13	17386	mAB5445	6,70E-01	9,06E-06
Mms19	72199	mAB5030	2,36E-01	1,57E-04
Morn1	76866	mAB0546	2,02E-01	5,32E-03
Mov10	17454	mAA3547	3,13E-01	3,17E-03
Mpzl1	68481	mAA0892	2,13E-01	7,62E-03
Msc	17681	mAA4088	2,86E-01	2,33E-04
Msn	17698	mAA4163	4,43E-01	1,94E-06
Mst1	15235	mAB5313	3,02E-01	4,36E-05
Mt1	17748	mAA1849	9,33E-01	2,24E-04
Mt2	17750	mAA1198	9,50E-01	6,96E-08
Mta3	116871	mAB0073	2,47E-01	5,82E-04
Mtap4	17758	mAA5526	3,30E-01	1,13E-04
Mthfd2	17768	mAB5122	3,10E-01	1,66E-05
Mtmr4	170749	mAA1808	2,34E-01	1,95E-03
Mtmr7	54384	mAA8037	3,00E-01	4,49E-03
Muc1	17829	mAA3571	2,60E-01	8,48E-04
Mutyh	70603	mAA0188	2,01E-01	1,29E-03
Mvp	78388	mAA3592	2,47E-01	3,71E-04
Mx2	17858	mAB5527	4,62E-01	3,96E-03
Myadm	50918	mAB0768	4,37E-01	8,05E-05
Mycbp	56309	mAA0489	2,33E-01	2,48E-03
Myh10	77579	mAA5515	2,37E-01	2,78E-03
Myo10	17909	mAA2914	7,22E-01	1,12E-04

Myo1c	17913	mAA1505	2,42E-01	1,87E-03
Myo1e	71602	mAA0262	6,46E-01	3,70E-05
Napa	108124	mAA2989	2,66E-01	1,41E-03
Narg1	74838	mAA2166	2,38E-01	1,22E-03
Nbeal2	235627	mAA3379	3,40E-01	6,94E-03
Nbr1	17966	mAA9977	2,50E-01	1,23E-03
Nckap1	50884	mAA4079	2,38E-01	2,49E-04
Ncor2	20602	mAA3630	2,44E-01	2,08E-04
Ncstn	59287	mAA1123	4,32E-01	8,41E-03
Ndrp1	17988	mAA2915	5,67E-01	2,56E-05
Ndrp4	234593	mAA7430	2,54E-01	1,19E-03
Ndst2	17423	mAB1324	3,19E-01	1,73E-03
Nedd4	17999	mAA9905	3,05E-01	8,17E-04
Nek8	140859	mAA9002	2,31E-01	8,76E-03
Nf2	18016	mAB4272	2,33E-01	1,20E-04
Nfatc3	18021	mAA0238	3,81E-01	2,42E-03
Nfe2l1	18023	mAA0421	4,54E-01	1,45E-03
Nfkbil2	72749	mAB1441	2,74E-01	4,16E-05
Nfyb	18045	mAB3934	2,32E-01	1,33E-04
Nicn1	66257	mAB2399	3,53E-01	2,04E-06
Nisch	64652	mAB2130	2,35E-01	4,30E-04
Nktr	18087	mAA0450	1,48E+00	1,06E-06
Nlgn2	216856	mAB0509	6,64E-01	2,45E-05
Nlrp9c	330490	mAA5157	2,60E-01	1,64E-04
Nomo1	211548	mAA3680	2,61E-01	2,44E-03
Npc2	67963	mAA7336	3,48E-01	1,38E-03
Npepps	19155	mAA0554	2,57E-01	5,74E-04
Nploc4	217365	mAA4807	3,10E-01	6,90E-04
Npnt	114249	mAB2972	2,16E-01	2,43E-03
Nr6a1	14536	mAA2471	2,19E-01	3,28E-04
Nrbp1	192292	mAA2140	3,63E-01	2,65E-06
Nrd1	230598	mAA2485	3,87E-01	4,54E-05
Nsf	18195	mAA3162	3,94E-01	6,21E-04
Nuak2	74137	mAB2358	3,18E-01	2,53E-03
Nub1	53312	mAA3783	2,88E-01	2,28E-03
Nucb2	53322	mAA1144	2,69E-01	9,94E-05
Nudcd3	209586	mAA6422	3,49E-01	6,99E-04
Nudt22	68323	mAA2043	3,54E-01	4,99E-06
Nudt7	67528	mAA7420	2,62E-01	1,27E-04
Nufip2	68564	mAA1581	2,91E-01	2,77E-05
Nup62	18226	mAB0051	2,00E-01	1,70E-03
Nupr1	56312	mAA8697	5,39E-01	2,91E-07
Oas1d	100535	mAA6687	2,01E-01	4,29E-04
Oas1e	231699	mAA5453	2,19E-01	3,51E-03
Oasl1	231655	mAB5510	2,13E-01	1,14E-03
Oaz2	18247	mAA1537	2,62E-01	2,14E-05
Obfc2a	109019	mAB4999	3,67E-01	3,45E-05
Obsl1	98733	mAB4362	3,19E-01	2,58E-03
Ogt	108155	mAB1253	3,99E-01	1,77E-06
Osbp	76303	mAB3278	3,81E-01	4,11E-06
Osbp16	99031	mAA8822	3,90E-01	3,99E-04
Osbp17	71240	mAB1224	2,81E-01	2,40E-03
Ostf1	20409	mAA3703	4,20E-01	3,03E-03

OTTMUSG00000010657	666532	mAA2450	3,11E-01	8,95E-06
Oxct1	67041	mAB3116	2,05E-01	2,33E-03
Oxr1	170719	mAA4408	2,85E-01	1,60E-03
P4ha1	18451	mAB1286	2,07E-01	2,44E-03
P4ha2	18452	mAA0239	4,04E-01	7,22E-06
Pafah1b1	18472	mAA5765	3,05E-01	1,03E-05
Pafah1b2	18475	mAA0454	2,39E-01	1,05E-03
Pafah1b3	18476	mAA5677	4,38E-01	6,46E-05
Papd5	214627	mAA7317	2,32E-01	7,54E-05
Pard3	93742	mAA1134	6,98E-01	9,02E-05
Parp16	214424	mAA4285	2,47E-01	3,18E-03
Pawr	114774	mAA3602	2,20E-01	4,32E-04
Pbx2	18515	mAA9530	2,29E-01	7,69E-04
Pbx3	18516	mAA5674	2,25E-01	2,12E-05
Pcaf	18519	mAA2423	3,15E-01	2,13E-05
Pcbp2	18521	mAB4395	2,56E-01	6,10E-03
Pcbp4	59092	mAB4676	2,64E-01	2,61E-03
Pcdhga12	93724	mAB1185	4,11E-01	2,36E-04
Pcf11	74737	mAA3576	3,75E-01	6,77E-05
Pcm1	18536	mAA6240	3,85E-01	6,98E-05
Pcnt	18541	mAA7402	2,10E-01	1,90E-04
Pcnx	54604	mAB1745	3,22E-01	2,52E-03
Pcyt1a	13026	mAA9060	2,03E-01	7,31E-05
Pde2a	207728	mAA7422	2,41E-01	1,46E-03
Pde4b	18578	mAB5194	6,71E-01	3,12E-07
Pde4dip	83679	mAA5345	2,63E-01	3,63E-03
Pde8a	18584	mAA5483	2,23E-01	6,36E-03
Pdgfa	18590	mAB3945	2,47E-01	8,53E-05
Pdgfb	18591	mAB5627	2,02E-01	7,46E-04
Pdia5	72599	mAA8149	2,46E-01	1,58E-04
Pdia6	71853	mAB3409	2,38E-01	2,60E-03
Pdlim1	54132	mAA1402	2,19E-01	1,30E-04
Pea15a	18611	mAA1326	2,64E-01	1,40E-05
Peci	23986	mAB4680	3,21E-01	1,32E-04
Pef1	67898	mAA0904	2,21E-01	4,37E-05
Perp	64058	mAA2748	4,10E-01	3,44E-05
Pex11a	18631	mAA1886	2,67E-01	4,67E-04
Pfpl	56093	mAA1767	5,91E-01	5,35E-06
Pgm1	66681	mAA1373	2,12E-01	1,91E-04
Pgrmc2	70804	mAA8855	2,86E-01	4,94E-05
Pgs1	74451	mAA2019	3,87E-01	2,05E-06
Phf12	268448	mAB4053	2,72E-01	1,93E-05
Phf20	228829	mAA9861	5,68E-01	3,02E-06
Phf8	320595	mAA7995	2,74E-01	5,62E-03
Phip	83946	mAA1072	4,13E-01	1,35E-05
Phkb	102093	mAB5208	4,95E-01	5,46E-07
Phlda2	22113	mAA2025	2,27E-01	3,36E-04
Phldb1	102693	mAB1013	3,97E-01	7,74E-03
Pi4k2a	84095	mAB0702	2,24E-01	8,13E-05
Pi4ka	224020	mAB5457	3,72E-01	1,05E-03
Picalm	233489	mAA2256	3,85E-01	6,64E-06
Pigs	276846	mAA2034	2,09E-01	6,20E-04
Pik3r4	75669	mAA7881	4,67E-01	6,45E-07

Pip5k1c	18717	mAA1360	4,10E-01	2,38E-06
Pip5k3	18711	mAA9984	3,21E-01	9,44E-04
Pkm2	18746	mAA2830	4,25E-01	1,61E-06
Pkp2	67451	mAA0677	7,79E-01	4,96E-08
Pla2g12b	69836	mAA2411	4,13E-01	2,85E-04
Pla2g4a	18783	mAA9796	3,55E-01	2,18E-03
Pla2g6	53357	mAA2864	2,08E-01	6,51E-05
Plac8	231507	mAA0072	5,93E-01	1,09E-03
Plagl2	54711	mAA2783	3,65E-01	1,77E-04
Plau	18792	mAB5341	3,26E-01	2,87E-03
Plcd1	18799	mAA4295	2,20E-01	4,24E-03
Plcg2	234779	mAB0830	9,38E-01	3,75E-09
Pld2	18806	mAA4830	2,76E-01	4,67E-04
Plec1	18810	mAB0496	4,96E-01	2,53E-03
Plekha2	83436	mAB0254	4,71E-01	1,41E-03
Plekha7	233765	mAA0476	3,98E-01	2,17E-05
Plekha2	226971	mAB3954	3,39E-01	1,37E-03
Plekha1	353047	mAB0634	2,58E-01	7,18E-06
Plod3	26433	mAA5690	3,22E-01	1,46E-05
Plp2	18824	mAA2185	2,11E-01	9,01E-03
Plxnb1	235611	mAA1385	4,22E-01	2,50E-04
Pml	18854	mAB5571	5,64E-01	2,08E-03
Pnma2	239157	mAB0420	2,46E-01	1,41E-04
Pnpla2	66853	mAA1598	2,67E-01	7,37E-05
Pnpla8	67452	mAB0003	2,15E-01	8,35E-05
Pofut2	80294	mAA9650	2,01E-01	4,80E-04
Pold1	18971	mAA7128	5,68E-01	1,94E-03
Polg	18975	mAA2209	3,38E-01	1,90E-04
Polr2a	20020	mAA3386	2,69E-01	1,48E-05
Pou2af1	18985	mAB5307	3,68E-01	7,56E-06
Ppfbp1	67533	mAB2160	5,22E-01	4,67E-04
Ppm1a	19042	mAA7744	3,51E-01	8,93E-05
Ppp1r3b	244416	mAA9979	5,25E-01	7,53E-06
Ppp1r9b	217124	mAB3437	3,26E-01	3,19E-06
Ppp2r5e	26932	mAB5644	2,28E-01	7,86E-04
Ppp3ca	19055	mAB0558	3,88E-01	2,37E-04
Pqlc1	66943	mAA3961	4,44E-01	7,78E-05
Prcp	72461	mAB4942	3,98E-01	1,18E-05
Prdm2	110593	mAA4895	2,21E-01	5,24E-03
Prdm5	70779	mAA8645	3,86E-01	3,95E-03
Prdx4	53381	mAB3917	2,61E-01	7,18E-05
Preid1	66494	mAB1050	2,26E-01	4,52E-04
Preid2	77619	mAB0262	8,20E-01	4,37E-05
Prep	19072	mAA0134	2,72E-01	8,75E-06
Prkcbp1	228880	mAA5624	2,07E-01	1,73E-03
Prkra	23992	mAA2275	2,99E-01	6,58E-06
Prl3d1	18775	mAA2087	3,74E-01	1,28E-03
Prmt8	381813	mAA2711	3,76E-01	7,44E-04
Prnp	19122	mAB0823	2,96E-01	8,01E-06
Procr	19124	mAA2073	5,12E-01	9,91E-08
Pros1	19128	mAA5563	3,16E-01	8,77E-04
Prr13	66151	mAA5686	6,00E-01	4,01E-06
Prr14	233895	mAA7729	2,14E-01	6,90E-03

Prr3	75210	mAB4468	2,45E-01	3,44E-04
Prtg	235472	mAA0587	2,22E-01	1,85E-04
Prune	229589	mAA8567	2,13E-01	4,79E-03
Pscd2	19158	mAA5457	2,02E-01	6,07E-03
Psph	100678	mAB3256	3,88E-01	6,58E-06
Pter	19212	mAB4304	3,13E-01	3,64E-04
Ptgis	19223	mAB5219	2,51E-01	2,63E-05
Ptk2	14083	mAA2571	2,26E-01	2,91E-03
Ptms	69202	mAA8474	3,55E-01	4,64E-04
Ptn	19242	mAB1809	2,60E-01	3,39E-04
Ptov1	84113	mAA7920	2,01E-01	1,86E-04
Ptp4a2	19244	mAA1026	6,72E-01	1,86E-04
Ptpn13	19249	mAB1305	3,27E-01	6,73E-04
Pvrl1	58235	mAB1530	2,84E-01	7,42E-04
Pygb	110078	mAB1213	4,79E-01	9,43E-03
R3hdm1	226412	mAA5356	2,70E-01	2,88E-05
R3hdm2	71750	mAA9601	3,56E-01	2,26E-06
Rab11fip1	75767	mAB0675	2,06E-01	1,69E-03
Rab13	68328	mAA1400	2,57E-01	9,90E-05
Rab14	68365	mAA2296	2,22E-01	9,99E-03
Rab17	19329	mAA2657	2,77E-01	8,98E-05
Rab20	19332	mAA4618	2,05E-01	1,57E-03
Rab26	328778	mAB5551	2,04E-01	1,49E-03
Rab30	75985	mAA8578	4,78E-01	5,81E-03
Rab4a	19341	mAB5543	2,96E-01	1,87E-03
Rab6ip1	19347	mAB3533	5,58E-01	3,05E-05
Rabac1	14470	mAB0044	4,64E-01	4,47E-06
Rac3	170758	mAB5533	2,06E-01	8,05E-03
Rad50	19360	mAA0855	2,73E-01	4,82E-04
Ralb	64143	mAA8999	3,64E-01	3,98E-06
Ralbp1	19765	mAA8758	3,10E-01	2,31E-05
Ralgps2	78255	mAA9464	2,04E-01	1,92E-04
Ranbp10	74334	mAA4401	2,07E-01	4,24E-04
Ranbp9	56705	mAA1161	4,36E-01	6,28E-04
Rap1gds1	229877	mAB0554	2,89E-01	1,02E-03
Rbbp9	26450	mAA9294	2,76E-01	1,96E-05
Rbm14	56275	mAA2500	2,00E-01	1,28E-04
Rbm5	83486	mAB2948	2,77E-01	1,25E-05
Rbms1	56878	mAA0715	3,15E-01	6,36E-04
Rbpj	19664	mAA4655	6,26E-01	5,00E-08
Reep5	13476	mAA6162	3,29E-01	1,65E-03
Rere	68703	mAA1996	5,45E-01	4,17E-06
Retsat	67442	mAA4308	2,07E-01	7,40E-05
Rfc2	19718	mAB2580	2,81E-01	4,98E-04
Rfng	19719	mAA3938	2,41E-01	7,52E-05
Rfx1	19724	mAA7259	2,78E-01	3,41E-05
Rgs11	50782	mAA3652	2,60E-01	1,38E-04
Rgs2	19735	mAA5003	4,97E-01	1,77E-07
Rhob	11852	mAA0680	6,16E-01	1,01E-05
Ric8	101489	mAA1387	2,95E-01	3,20E-03
Rmnd1	66084	mAA0297	3,27E-01	2,94E-04
Rnasen	14000	mAB1935	7,15E-01	5,82E-08
Rnf10	50849	mAB1498	4,02E-01	2,30E-03



Rnf11	29864	mAB1893	2,08E-01	3,11E-04
Rnf111	93836	mAA2667	3,17E-01	1,22E-04
Rnf130	59044	mAA9663	4,81E-01	4,98E-05
Rnf14	56736	mAA0851	2,04E-01	9,98E-03
Rnf181	66510	mAA9482	3,70E-01	4,50E-06
Rnf19b	75234	mAA1438	7,98E-01	6,88E-08
Rnf215	71673	mAB4420	2,15E-01	1,06E-03
Rnf216	108086	mAB5202	3,01E-01	5,93E-03
Rnf24	51902	mAA6568	2,97E-01	9,09E-04
Rnh1	107702	mAB0817	7,76E-01	2,67E-06
Rora	19883	mAB5642	7,62E-01	1,21E-05
Rpap1	68925	mAB0253	2,51E-01	1,26E-04
Rpl31	114641	mAB1980	2,15E-01	6,10E-03
Rpl37	67281	mAB2737	2,13E-01	6,10E-03
Rpl39l	68172	mAA3920	2,82E-01	6,24E-03
Rplp1	56040	mAB3431	2,11E-01	2,08E-03
Rplp2	67186	mAB0701	2,07E-01	1,00E-03
Rps10	67097	mAB2015	2,11E-01	1,05E-03
Rps12	20042	mAB0669	2,23E-01	5,20E-04
Rps15a	267019	mAA2638	2,91E-01	2,20E-03
Rps20	67427	mAA8052	3,05E-01	2,19E-05
Rps3a	20091	mAA7582	3,68E-01	4,31E-06
Rps6ka1	20111	mAA0138	2,96E-01	6,25E-03
Rps6ka6	67071	mAA2527	3,35E-01	3,25E-05
Rragd	52187	mAA2708	2,24E-01	1,47E-03
Rrbp1	81910	mAA0838	5,48E-01	1,11E-04
Rspry1	67610	mAB1391	2,68E-01	3,00E-03
Rtn4	68585	mAA0142	2,24E-01	6,20E-05
Runx1t1	12395	mAB0139	3,03E-01	1,20E-04
Runx2	12393	mAA4855	4,25E-01	2,56E-04
Rxrb	20182	mAB1230	2,21E-01	2,44E-04
Ryk	20187	mAA2483	3,30E-01	6,04E-05
S100a13	20196	mAA1312	3,50E-01	2,65E-04
S100a6	20200	mAA8348	8,10E-01	8,39E-07
Samd4b	233033	mAA1086	3,79E-01	1,67E-04
Samhd1	56045	mAB2170	3,75E-01	5,85E-05
Saps3	52036	mAA2475	3,16E-01	2,21E-05
Satb1	20230	mAA7643	3,18E-01	6,34E-04
Sbno2	216161	mAB1030	4,56E-01	5,55E-06
Scamp1	107767	mAA6594	2,67E-01	9,29E-05
Scarb1	20778	mAA1085	3,96E-01	1,82E-04
Sccpdh	109232	mAA3001	3,05E-01	5,51E-05
Scd2	20250	mAA2318	2,97E-01	6,00E-05
Scotin	66940	mAB3001	2,88E-01	8,54E-03
Scyl1	78891	mAA8461	2,08E-01	1,26E-04
Sdc3	20970	mAA1595	1,01E+00	3,37E-08
Sdf4	20318	mAA2076	2,75E-01	2,78E-04
Sec14l2	67815	mAA2670	2,38E-01	5,32E-04
Sec24a	77371	mAA2444	4,06E-01	9,48E-07
Sec24c	218811	mAA9917	3,63E-01	5,07E-06
Sec24d	69608	mAA2360	5,51E-01	8,40E-07
Sec31a	69162	mAB3307	2,73E-01	3,86E-05
Sec61g	20335	mAB1431	5,48E-01	2,06E-07

Selk	80795	mAA8336	2,86E-01	1,61E-05
Selp	20344	mAA6226	5,83E-01	3,02E-05
Sema6d	214968	mAA0521	6,98E-01	3,58E-03
Senp1	223870	mAA1377	2,03E-01	5,83E-05
Senp6	215351	mAA4608	2,91E-01	1,09E-04
Sept8	20362	mAB1125	4,37E-01	2,16E-03
Sept9	53860	mAB2911	6,11E-01	6,41E-07
Sepx1	27361	mAA0144	3,36E-01	2,10E-05
Serpinb1a	66222	mAB1478	7,06E-01	1,61E-07
Serpinb6a	20719	mAB2938	3,89E-01	1,28E-05
Serpinb6c	97848	mAA3094	2,96E-01	7,17E-04
Serpinb9	20723	mAA1429	3,85E-01	3,24E-05
Serpinb9c	20707	mAA0771	4,78E-01	2,22E-03
Serpinb9f	20709	mAA1950	4,92E-01	2,51E-06
Serpine1	18787	mAB5490	5,27E-01	2,17E-05
Serpine2	20720	mAA4007	8,17E-01	6,87E-05
Serpinf1	20317	mAB3174	2,26E-01	8,74E-03
Setbp1	240427	mAA7568	2,27E-01	6,55E-03
Setd1a	233904	mAA8911	2,90E-01	2,83E-05
Sf3b3	101943	mAA2762	2,92E-01	3,05E-04
Sfrs17b	338351	mAA0042	4,69E-01	6,88E-06
Sft2d2	108735	mAB5043	2,29E-01	4,33E-04
Sfxn1	14057	mAA9003	2,86E-01	4,23E-05
Sh2b1	20399	mAB2345	2,62E-01	3,62E-05
Shkbp1	192192	mAA9910	2,58E-01	1,89E-04
Shox2	20429	mAB5274	2,30E-01	1,17E-03
Sidt2	214597	mAB0095	4,12E-01	2,41E-03
Sipa1l1	217692	mAB4453	4,40E-01	4,84E-04
Sipa1l2	244668	mAA1093	2,60E-01	2,80E-03
Slc12a2	20496	mAA7534	2,46E-01	1,33E-03
Slc12a4	20498	mAB0866	4,57E-01	6,18E-03
Slc16a13	69309	mAA5368	2,42E-01	2,02E-03
Slc16a3	80879	mAA2267	6,85E-01	3,15E-06
Slc1a5	20514	mAA8723	9,43E-01	7,18E-06
Slc22a5	20520	mAB3225	2,32E-01	1,98E-03
Slc25a1	13358	mAA3569	3,59E-01	4,61E-03
Slc25a19	67283	mAA0654	4,05E-01	1,35E-05
Slc25a36	192287	mAB1225	3,53E-01	8,97E-04
Slc2a3	20527	mAA4141	4,36E-01	1,09E-03
Slc2a4	20528	mAB1668	3,40E-01	4,18E-06
Slc2a8	56017	mAA3482	2,73E-01	1,38E-04
Slc30a9	109108	mAB2897	4,64E-01	9,98E-08
Slc39a10	227059	mAA1770	4,90E-01	1,60E-04
Slc39a4	72027	mAB4946	3,04E-01	3,37E-04
Slc39a8	67547	mAA9323	4,40E-01	1,49E-05
Slc44a2	68682	mAB4009	4,43E-01	1,82E-03
Slc44a4	70129	mAA3308	2,59E-01	2,66E-04
Slc45a4	106068	mAB2464	2,57E-01	1,62E-03
Slc4a1	20533	mAB2314	2,93E-01	1,38E-04
Slc4a2	20535	mAB3100	2,09E-01	1,02E-04
Slc9a1	20544	mAB3345	2,78E-01	1,75E-03
Slc9a3r1	26941	mAA3758	5,43E-01	3,46E-03
Smap1l	69780	mAA0474	4,46E-01	1,59E-06

Smarca4	20586	mAA2338	4,54E-01	1,68E-05
Smarcc2	68094	mAB5621	2,10E-01	9,70E-04
Smarcd1	83797	mAA2636	2,25E-01	9,90E-04
Smc5	226026	mAB2000	5,40E-01	3,46E-03
Smek1	68734	mAA0774	3,30E-01	6,85E-03
Smox	228608	mAA5698	9,48E-01	6,92E-08
Smpd1	20597	mAA7838	2,83E-01	2,41E-05
Snapc2	102209	mAB3379	2,64E-01	3,29E-04
Snapc3	77634	mAA2678	3,43E-01	5,32E-04
Snn	20621	mAB1057	7,41E-01	1,21E-04
Snx10	71982	mAA1889	4,50E-01	4,45E-03
Snx2	67804	mAA3857	5,01E-01	3,33E-05
Snx5	69178	mAA4663	9,45E-01	3,72E-05
Snx8	231834	mAB2476	3,48E-01	1,71E-05
Socs1	12703	mAB5485	2,69E-01	1,44E-04
Socs2	216233	mAB5583	5,85E-01	2,51E-06
Socs3	12702	mAA0826	9,85E-01	3,86E-08
Sorbs1	20411	mAB0887	3,17E-01	5,28E-03
Sos1	20662	mAA2739	3,57E-01	1,22E-04
Sp100	20684	mAA4916	2,48E-01	1,48E-04
Sp110	109032	mAA5323	3,84E-01	3,70E-04
Spag9	70834	mAB4965	3,70E-01	2,77E-04
Spata13	219140	mAB0808	3,95E-01	1,64E-04
Spata2	263876	mAA7459	2,87E-01	1,71E-03
Spdef	30051	mAB0499	2,30E-01	1,18E-03
Spg20	229285	mAA4031	2,10E-01	2,23E-03
Sphk2	56632	mAA3272	3,64E-01	1,46E-05
Spire1	68166	mAB2988	3,72E-01	1,14E-05
Spnb2	20742	mAB2099	4,50E-01	2,97E-03
Spred2	114716	mAA4027	2,44E-01	7,48E-03
Sqle	20775	mAA1911	2,22E-01	6,91E-05
Srebf2	20788	mAB5476	3,08E-01	6,29E-04
Srgap3	259302	mAB4192	4,18E-01	1,32E-05
Srpk1	20815	mAA1453	2,12E-01	2,37E-03
Srrm1	51796	mAA3479	3,15E-01	1,70E-04
Ssh1	231637	mAA9332	2,92E-01	6,98E-03
Ssr3	67437	mAA1324	3,04E-01	5,80E-03
Ssu72	68991	mAB0354	2,14E-01	2,13E-03
St3gal1	20442	mAA7265	4,42E-01	7,21E-05
St3gal3	20441	mAB5042	2,36E-01	3,72E-05
St3gal6	54613	mAB2480	4,12E-01	8,93E-03
St6gal1	20440	mAB4497	4,31E-01	6,50E-06
Stard10	56018	mAA3061	2,96E-01	7,21E-03
Stat2	20847	mAA7277	6,31E-01	3,72E-06
Stat5a	20850	mAB5598	3,11E-01	2,28E-04
Stbd1	52331	mAA6245	2,77E-01	3,72E-05
Stch	110920	mAB2945	2,88E-01	3,17E-05
Stk24	223255	mAA3178	3,47E-01	3,37E-04
Stk36	269209	mAA5330	2,28E-01	2,55E-04
Stx16	228960	mAB3020	2,71E-01	9,96E-03
Stx7	53331	mAB3782	4,29E-01	3,99E-06
Stxbp2	20911	mAB4428	2,64E-01	1,09E-03
Suclg1	56451	mAA9489	2,75E-01	3,64E-05

Sufu	24069	mAB3202	3,37E-01	1,10E-04
Supt6h	20926	mAA6773	3,05E-01	7,27E-03
Surf4	20932	mAA1279	2,16E-01	2,38E-03
Suv420h2	232811	mAA7528	2,50E-01	6,00E-03
Suz12	52615	mAA0538	2,06E-01	2,06E-03
Syce2	71846	mAB1760	7,57E-01	3,64E-06
Syk	20963	mAB5595	4,00E-01	6,30E-07
Syngn1	20972	mAA1547	4,01E-01	1,82E-05
Sypl	19027	mAA1935	3,33E-01	5,58E-05
Syvn1	74126	mAB2706	3,69E-01	2,58E-03
Taf7l	74469	mAB4734	2,36E-01	4,87E-03
Tagln2	21346	mAA1631	3,71E-01	7,23E-06
Taldo1	21351	mAB4648	2,10E-01	4,50E-04
Tanc1	66860	mAA9484	4,10E-01	1,76E-04
Tanc2	77097	mAB5111	2,62E-01	1,64E-04
Taok2	381921	mAA5174	4,02E-01	4,49E-03
Tax1bp1	52440	mAA5236	2,67E-01	1,82E-03
Tax1bp3	76281	mAA1813	3,79E-01	1,59E-05
Tbc1d1	57915	mAB3921	3,23E-01	3,19E-03
Tbc1d10b	68449	mAA5638	3,90E-01	4,33E-04
Tbc1d14	100855	mAA5105	3,60E-01	1,18E-05
Tbc1d9b	76795	mAA7419	4,72E-01	7,54E-04
Tcf25	66855	mAA4500	2,61E-01	2,25E-03
Tcfcb	21425	mAA2518	3,95E-01	1,54E-06
Tcirg1	27060	mAA0693	2,60E-01	2,94E-03
Tcta	102791	mAB3035	2,16E-01	1,62E-03
Tegt	110213	mAA1970	4,41E-01	8,73E-07
Tex14	83560	mAB3173	2,77E-01	3,24E-03
Tgfb3	21809	mAB5604	3,27E-01	1,20E-03
Tgfbr3	21814	mAB5465	2,95E-01	3,56E-03
Tgm2	21817	mAB3085	1,26E+00	1,06E-06
Tgoln1	22134	mAA8142	3,65E-01	6,70E-06
Tgs1	116940	mAA8295	2,76E-01	1,57E-04
Thada	240174	mAA1432	3,02E-01	9,52E-04
Thra	21833	mAB5468	2,29E-01	5,45E-03
Timd2	171284	mAA3388	5,38E-01	3,23E-03
Timeless	21853	mAB3416	3,09E-01	1,23E-04
Timp1	21857	mAB5504	1,90E+00	2,71E-07
Tle6	114606	mAB5193	2,02E-01	2,50E-04
Tlk2	24086	mAB3056	2,25E-01	5,11E-04
Tmbim1	69660	mAA0979	4,70E-01	2,19E-07
Tmbim4	68212	mAB0381	3,26E-01	1,58E-04
Tmc5	74424	mAA9163	2,12E+00	1,74E-08
Tmed9	67511	mAA0806	7,87E-01	1,22E-06
Tmem101	76547	mAB3984	2,11E-01	3,86E-03
Tmem112b	105847	mAB5425	2,85E-01	1,17E-05
Tmem131	56030	mAB3536	2,58E-01	1,24E-04
Tmem159	233806	mAA3679	2,19E-01	1,76E-03
Tmem16f	105722	mAB3101	2,73E-01	5,82E-06
Tmem176a	66058	mAA9088	3,48E-01	6,55E-04
Tmem176b	65963	mAB0463	3,79E-01	3,15E-06
Tmem184b	223693	mAB1831	7,86E-01	2,93E-08
Tmem2	83921	mAA2468	5,48E-01	4,53E-03

Tmem50a	71817	mAA5656	2,56E-01	5,52E-05
Tmem50b	77975	mAB3147	2,00E-01	1,20E-04
Tmem56	99887	mAA8978	4,57E-01	1,41E-04
Tmem57	66146	mAA8854	2,06E-01	5,11E-05
Tmem9	66241	mAA2385	2,27E-01	1,58E-04
Tmem9b	56786	mAA1964	2,03E-01	1,55E-04
Tmepai	65112	mAB4565	2,75E-01	2,80E-03
Tmsb10	19240	mAA0093	5,53E-01	2,96E-06
Tmub2	72053	mAA2796	2,18E-01	9,00E-05
Tnk1	83813	mAA2900	2,38E-01	2,86E-03
Tnks2	74493	mAA3804	5,14E-01	4,61E-03
Tom1l2	216810	mAB0340	2,86E-01	4,27E-04
Tom7	66169	mAB1959	3,06E-01	2,41E-03
Topbp1	235559	mAA9852	2,00E-01	5,91E-03
Tpt1	22070	mAB0837	2,78E-01	6,80E-03
Trabd	67976	mAA2472	4,39E-01	1,21E-04
Traf1	22029	mAA1397	6,41E-01	1,47E-06
Trafd1	231712	mAB4851	5,29E-01	1,44E-04
Tram1	72265	mAA1055	2,18E-01	4,58E-03
Trex1	22040	mAB0298	2,55E-01	4,88E-04
Trib3	228775	mAA3276	3,98E-01	9,23E-04
Trim35	66854	mAB2500	2,08E-01	6,85E-04
Trim36	28105	mAA0018	3,02E-01	9,17E-03
Trim46	360213	mAA5140	3,20E-01	8,41E-04
Trim8	93679	mAA0069	2,93E-01	1,85E-04
Trio	223435	mAB1207	2,47E-01	9,90E-04
Trip12	14897	mAA1395	3,84E-01	1,02E-04
Trip4	56404	mAA1668	2,36E-01	2,18E-04
Tro	56191	mAA0075	1,19E+00	1,01E-06
Trp53bp2	209456	mAB1800	2,65E-01	3,14E-05
Trpm3	226025	mAA7070	2,97E-01	3,90E-04
Trpv2	22368	mAA1883	6,11E-01	2,49E-05
Tsc2	22084	mAB5575	2,45E-01	8,09E-04
Tsc22d2	72033	mAA8490	2,33E-01	3,62E-03
Tspan6	56496	mAB1118	8,99E-01	8,40E-04
Tspo	12257	mAA0305	4,35E-01	6,35E-07
Ttc3	22129	mAA0293	3,79E-01	4,79E-06
Tulp4	68842	mAB2645	7,09E-01	8,92E-08
Tusc4	56032	mAA9477	3,10E-01	1,29E-03
Twf1	19230	mAA1719	3,50E-01	3,22E-03
Twistnb	28071	mAA0145	3,22E-01	4,06E-05
Twsg1	65960	mAA2898	5,61E-01	1,98E-06
Txndc16	70561	mAA9678	2,44E-01	1,07E-03
Txndc17	52700	mAB0175	2,20E-01	5,56E-04
Txndc4	76299	mAA0301	2,13E-01	4,13E-03
Txnip	56338	mAB2229	2,99E-01	1,32E-04
Ubac2	68889	mAA2649	2,78E-01	9,40E-03
Ube1x	22201	mAA2066	3,95E-01	3,88E-04
Ube2q1	70093	mAB1443	2,06E-01	6,10E-03
Ube2r2	67615	mAA0686	2,20E-01	5,23E-03
Ube2v1	66589	mAA0028	2,66E-01	1,05E-03
Ube4b	63958	mAA5009	2,12E-01	7,23E-05
Ubl3	24109	mAB0385	4,44E-01	5,98E-03

Ubl5	66177	mAB0243	2,35E-01	5,04E-03
Ubr2	224826	mAA7574	3,35E-01	1,76E-04
Ubr4	69116	mAA1636	4,85E-01	3,44E-05
Ubr5	70790	mAB1729	3,30E-01	8,32E-06
Uchl1	22223	mAB2368	2,40E-01	8,28E-03
Ucp2	22228	mAB3019	3,78E-01	3,55E-03
Ugcg	22234	mAA0812	2,55E-01	1,53E-03
Ugp2	216558	mAB3454	3,39E-01	9,19E-05
Uhrf1	18140	mAA2459	3,27E-01	1,84E-03
Ulk1	22241	mAB0145	2,55E-01	3,60E-04
Unc84a	77053	mAA9761	2,29E-01	2,89E-04
Unk	217331	mAB1181	4,70E-01	2,48E-03
Usmg5	66477	mAB1997	2,20E-01	4,89E-04
Usp21	30941	mAA2432	2,08E-01	8,46E-03
Usp22	216825	mAA7761	4,85E-01	1,08E-04
Usp24	329908	mAA4257	2,33E-01	2,21E-03
Usp32	237898	mAB2622	2,67E-01	9,41E-03
Usp4	22258	mAB3344	2,37E-01	2,55E-04
Usp48	170707	mAA6478	2,12E-01	2,82E-03
Usp52	103135	mAB2326	2,55E-01	2,18E-05
Usp7	252870	mAA3488	2,06E-01	4,49E-03
Usp9x	22284	mAA1673	2,14E-01	3,91E-04
Uvrag	78610	mAB0041	2,41E-01	1,61E-04
Uxt	22294	mAB2118	3,34E-01	2,72E-05
Vash1	238328	mAB5150	4,00E-01	3,41E-05
Vav3	57257	mAB5666	2,98E-01	5,36E-05
Vcl	22330	mAA0908	5,09E-01	7,49E-04
Vdac1	22333	mAB2049	4,15E-01	2,49E-03
Vdr	22337	mAB5489	5,19E-01	6,49E-06
Vil2	22350	mAA1310	3,36E-01	6,35E-06
Vim	22352	mAB1400	1,06E+00	6,43E-08
Vkorc1	27973	mAB3103	5,01E-01	4,84E-03
Vldlr	22359	mAA9311	4,40E-01	1,96E-05
Vps11	71732	mAA2682	4,13E-01	3,71E-03
Vps33a	77573	mAB3340	4,28E-01	1,44E-04
Vps37c	107305	mAB0508	2,85E-01	3,60E-04
Vps39	269338	mAB3634	2,51E-01	7,57E-03
Vps41	218035	mAB4484	2,12E-01	8,35E-03
Vps54	245944	mAA9361	3,49E-01	4,18E-06
Vps72	21427	mAB1389	3,20E-01	1,57E-03
Vps8	209018	mAA9402	2,23E-01	7,44E-03
Wac	225131	mAA8050	2,92E-01	1,73E-03
Wasf2	242687	mAB3952	3,43E-01	1,17E-03
Wbp11	60321	mAA0083	2,00E-01	2,24E-03
Wbp7	75410	mAB5211	4,67E-01	1,38E-04
Wdr1	22388	mAA4407	3,75E-01	5,13E-05
Wdr35	74682	mAB4754	2,53E-01	1,94E-04
Wdr42a	98193	mAA1145	2,15E-01	7,45E-03
Wdr62	233064	mAB3922	2,28E-01	3,06E-05
Wdr67	210544	mAA2639	2,73E-01	4,62E-05
Wdr91	101240	mAA7085	2,26E-01	4,09E-03
Wipf1	215280	mAA4571	4,12E-01	2,88E-05
Wwc2	52357	mAA2103	2,27E-01	5,16E-05

Wwp1	107568	mAB0921	4,31E-01	3,17E-05
Wwp2	66894	mAB0535	2,07E-01	2,68E-03
Xpnpep1	170750	mAA4237	2,03E-01	3,20E-04
Xrcc3	74335	mAA3016	2,10E-01	9,23E-05
Yars	107271	mAA1338	4,02E-01	8,35E-06
Yipf3	28064	mAA8912	2,89E-01	1,85E-03
Ypel3	66090	mAB5055	3,19E-01	1,62E-06
Ypel5	383295	mAB4929	3,63E-01	4,33E-03
Ywhab	54401	mAB1247	2,19E-01	1,76E-04
Ywhae	22627	mAB1108	2,57E-01	1,21E-03
Ywhag	22628	mAA1334	3,58E-01	1,82E-05
Zbtb46	72147	mAB1401	8,57E-01	6,33E-06
Zbtb7b	22724	mAB0056	4,03E-01	6,04E-06
Zc3h13	67302	mAB4830	2,32E-01	6,18E-04
Zdhhc12	66220	mAA9551	2,96E-01	1,96E-03
Zdhhc18	503610	mAB1527	5,32E-01	1,46E-04
Zdhhc2	70546	mAB4777	5,53E-01	9,00E-03
Zdhhc8	27801	mAB1466	2,20E-01	2,09E-04
Zfand6	65098	mAB2043	3,07E-01	5,97E-03
Zfp131	72465	mAB3707	2,27E-01	3,04E-03
Zfp335	329559	mAB1730	3,40E-01	5,17E-06
Zfp36l2	12193	mAA1399	3,49E-01	2,41E-03
Zfp498	666311	mAA1264	2,72E-01	1,71E-03
Zfp740	68744	mAB0158	2,06E-01	3,31E-04
Zfr	22763	mAA7213	2,93E-01	2,01E-04
Zfyve21	68520	mAA6020	2,36E-01	5,74E-04
Zkscan17	268417	mAB2050	4,37E-01	2,13E-06
Znfx1	98999	mAA4894	4,28E-01	4,43E-06
Zzef1	195018	mAA4852	2,09E-01	3,54E-03

### E2F1 KO 36h Down

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P.Value
1600021P15Rik	239796	mAB5115	-3,24E-01	8,68E-03
1810007M14Rik	67367	mAB1882	-2,31E-01	2,27E-04
2210012G02Rik	66526	mAB4243	-4,80E-01	1,46E-04
2210419I08Rik	73663	mAB0766	-9,53E-01	4,47E-05
2310073E15Rik	75692	mAA1299	-2,89E-01	8,00E-04
2410008K03Rik	71962	mAA9264	-3,08E-01	6,02E-03
2610024G14Rik	56412	mAA6610	-2,85E-01	3,60E-03
2700038C09Rik	66496	mAA9944	-2,61E-01	1,20E-03
2810002O09Rik	72345	mAB4923	-4,63E-01	1,95E-03
2900010M23Rik	67267	mAB3503	-2,54E-01	2,78E-03
5730449L18Rik	66637	mAA1597	-2,59E-01	1,70E-03
5730508B09Rik	70617	mAA4451	-2,48E-01	1,99E-03
Actb	11461	mAA1057	-3,27E-01	1,35E-04
Acy3	71670	mAA2144	-2,01E-01	9,35E-03
Agpat1	55979	mAA1344	-2,63E-01	2,79E-04
Akr1c14	105387	mAB4439	-3,23E-01	6,45E-03
Akt1s1	67605	mAA0312	-3,30E-01	8,23E-04
Aldoa	11674	mAA2918	-2,50E-01	2,91E-03
Aldoc	11676	mAA4826	-3,79E-01	7,65E-04

Ampd2	109674	mAB1226	-2,05E-01	3,27E-03
Asns	27053	mAB4749	-2,72E-01	2,89E-04
Atf3	11910	mAA5051	-3,49E-01	1,29E-04
Atg7	74244	mAA0997	-2,08E-01	3,38E-03
AW556556	106817	mAB4226	-5,13E-01	2,32E-04
Bcl2l1	12048	mAB1291	-3,65E-01	1,37E-03
Bnip3	12176	mAB2990	-4,51E-01	6,28E-05
Bsg	12215	mAA1899	-3,85E-01	1,84E-04
Bst2	69550	mAA5355	-2,29E-01	5,81E-03
C130038G02Rik	77521	mAA7822	-2,82E-01	1,92E-04
C3	12266	mAB3299	-3,04E-01	1,85E-03
C85181	97613	mAA4778	-2,10E-01	9,35E-03
C87414	381654	mAB0026	-2,58E-01	7,38E-03
Casp6	12368	mAB5008	-3,07E-01	7,33E-04
Cbx5	12419	mAA3041	-7,75E-01	4,11E-06
Ccdc86	108673	mAA4455	-2,46E-01	4,80E-04
Ccne1	12447	mAA0687	-2,34E-01	5,90E-03
Ccnyl1	227210	mAB3284	-2,27E-01	4,73E-03
Ciapin1	109006	mAA5779	-2,91E-01	6,16E-04
Cish	12700	mAB5210	-5,87E-01	1,92E-04
Cltb	74325	mAA0501	-3,05E-01	5,02E-03
Cnih	12793	mAA5613	-2,39E-01	8,08E-04
Col22a1	69700	mAA3312	-3,06E-01	4,36E-03
Col3a1	12825	mAB0943	-4,95E-01	4,88E-03
Cops7b	26895	mAA0167	-8,12E-01	3,07E-07
Crtap	56693	mAA0951	-2,58E-01	6,48E-03
Cstb	13014	mAA0897	-2,36E+00	4,80E-04
Cth	107869	mAA9832	-6,46E-01	3,39E-04
Cubn	65969	mAA0343	-3,02E-01	2,90E-03
D14Ertd449e	66039	mAA5181	-2,34E-01	9,72E-03
Dcbld2	73379	mAA2857	-2,85E-01	2,18E-03
Drap1	66556	mAB4601	-2,61E-01	7,84E-03
Dynlrb1	67068	mAA1372	-3,26E-01	4,53E-04
E2f8	108961	mAA0192	-3,15E-01	7,58E-03
Egln1	112405	mAB3838	-3,62E-01	3,24E-04
Eif1b	68969	mAA6818	-2,21E-01	8,54E-04
Elmo2	140579	mAB5157	-2,44E-01	2,46E-03
Elovl6	170439	mAA1383	-2,25E-01	5,71E-03
Enpp5	83965	mAB3384	-3,12E-01	3,87E-03
Entpd4	67464	mAA6859	-4,00E-01	4,64E-05
Epb4.1	269587	mAB4924	-2,25E-01	5,57E-03
Ergic1	67458	mAB0693	-2,79E-01	2,74E-04
Ero1l	50527	mAA1771	-4,52E-01	2,64E-03
Etf1	225363	mAA1232	-2,24E-01	2,97E-03
Fbxl11	225876	mAA2529	-2,06E-01	2,51E-03
Fsd1	240121	mAA3005	-2,32E-01	3,74E-03
Fuca2	66848	mAA1058	-5,26E-01	1,88E-03
Gatad2a	234366	mAA1623	-2,11E-01	1,05E-03
Gbe1	74185	mAA5997	-3,35E-01	2,27E-04
Gfer	11692	mAB1702	-6,28E-01	6,85E-03
Gosr1	53334	mAA1426	-2,19E-01	3,30E-04
Gpt2	108682	mAA5407	-2,92E-01	6,08E-03
Gsr	14782	mAA4037	-2,84E-01	5,26E-03



H19	14955	mAB2307	-4,41E-01	5,31E-03
Hba-a1	15122	mAB0705	-3,04E-01	1,37E-03
Hbb-b1	15129	mAB1304	-3,93E-01	1,77E-03
Hbb-y	15135	mAB1234	-3,82E-01	1,21E-03
Hddc3	68695	mAA5179	-3,22E-01	7,65E-04
Hdgd	15191	mAB2436	-3,09E-01	5,88E-03
Hic1	15248	mAA0334	-3,60E-01	3,80E-04
Hmga1	15361	mAA2710	-3,10E-01	9,64E-04
Hnrph1	59013	mAB1996	-8,47E-01	1,92E-06
Hs1bp3	58240	mAA0785	-3,23E-01	1,85E-03
Hs3st1	15476	mAA0071	-2,41E-01	7,38E-03
Hsp90ab1	15516	mAA4014	-2,25E-01	5,01E-03
Ifitm2	80876	mAB1374	-2,41E-01	1,19E-04
Ikzf4	22781	mAA9714	-3,12E-01	3,71E-03
Il10ra	16154	mAB3110	-4,62E-01	1,61E-03
Itfg2	101142	mAA1557	-3,22E-01	8,57E-04
Jub	16475	mAA2210	-2,59E-01	9,69E-03
Lats1	16798	mAA6073	-2,40E-01	1,34E-03
Lmnb1	16906	mAA1347	-2,88E-01	2,90E-03
LOC100039623	100039623	mAA0858	-2,84E-01	8,72E-03
Ltf	17002	mAB0384	-3,09E-01	3,75E-03
Malat1	72289	mAA0957	-4,40E-01	7,46E-04
Mapkapk2	17164	mAB4647	-2,24E-01	5,82E-04
Marcks1	17357	mAA2540	-4,18E-01	7,78E-04
Me1	17436	mAB0213	-2,14E-01	2,54E-03
Mrpl38	60441	mAA1737	-2,26E-01	5,43E-04
Mttp	17777	mAA2276	-5,05E-01	6,00E-03
Mybl1	17864	mAA6080	-2,30E-01	1,48E-03
Myd116	17872	mAA2579	-3,05E-01	4,76E-04
Ndrg1	17988	mAA2915	-3,32E-01	9,40E-04
Ngrn	83485	mAB2319	-2,86E-01	2,69E-04
Npm3	18150	mAB2468	-4,51E-01	3,72E-04
Nucb1	18220	mAA4766	-3,81E-01	3,19E-04
Otud4	73945	mAA3995	-3,25E-01	4,21E-03
P4ha1	18451	mAB1286	-2,39E-01	3,28E-03
Pdia3	14827	mAA9235	-3,26E-01	2,58E-04
Phf17	269424	mAB2112	-2,75E-01	9,60E-03
Phgdh	236539	mAA4205	-2,69E-01	8,25E-03
Pkm2	18746	mAA2830	-2,32E-01	6,18E-03
Polr2d	69241	mAB4570	-2,10E-01	2,38E-03
Ppm1g	14208	mAA2566	-2,01E-01	8,69E-03
Ppp1r1b	19049	mAA9250	-2,01E-01	4,67E-03
Ppp1r9b	217124	mAB3301	-4,00E-01	9,53E-05
Prnp	19122	mAB0823	-2,84E-01	9,70E-03
Prpf19	28000	mAA0869	-4,14E-01	1,20E-04
Pscd2	19158	mAA5457	-2,03E-01	2,00E-03
Psmc9	67151	mAA1682	-2,18E-01	3,92E-03
Ptprs	19280	mAB3136	-2,32E-01	6,46E-04
Pvr	52118	mAA5252	-2,03E-01	1,57E-03
Pygb	110078	mAB1213	-2,25E-01	9,94E-04
Rbm28	68272	mAA1295	-3,79E-01	8,82E-04
Rbm38	56190	mAA9539	-2,87E-01	1,21E-03
Rexo2	104444	mAA2262	-3,41E-01	1,92E-04

Riok2	67045	mAA2581	-2,60E-01	2,21E-04
Rnf19b	75234	mAA1438	-3,62E-01	2,38E-03
Rnf25	57751	mAA5692	-2,26E-01	2,82E-03
Rnf7	19823	mAB3920	-2,36E-01	5,01E-04
Rpia	19895	mAA8755	-3,56E-01	4,99E-04
Sall2	50524	mAB5216	-2,85E-01	7,12E-03
Satb1	20230	mAA7643	-2,52E-01	4,76E-04
Sdc1	20969	mAA0567	-3,98E-01	5,52E-03
Sdf4	20318	mAA3942	-2,08E-01	9,69E-03
Slc25a10	27376	mAA0740	-3,42E-01	5,68E-03
Slc2a3	20527	mAA4141	-9,31E-01	2,44E-06
Slc35b4	58246	mAA1513	-2,84E-01	9,45E-04
Slc35c2	228875	mAB2241	-2,79E-01	1,47E-03
Sos1	20662	mAB2538	-4,52E-01	3,89E-03
Stk31	77485	mAB4130	-4,75E-01	1,44E-03
Stk39	53416	mAB4335	-2,20E-01	4,95E-03
Tdrd1	83561	mAB4264	-2,37E-01	1,58E-03
Tdrd9	74691	mAB4592	-4,42E-01	3,95E-03
Tgm2	21817	mAB3085	-5,20E-01	2,66E-04
Thg1l	66628	mAB1581	-7,88E-01	9,45E-04
Thop1	50492	mAA1651	-2,58E-01	8,21E-03
Tinagl	94242	mAB3129	-2,41E-01	1,09E-03
Tipin	66131	mAB1233	-2,01E-01	5,26E-03
Tmem16a	101772	mAA9604	-2,85E-01	1,72E-03
Tmem66	67887	mAA0857	-3,32E-01	2,89E-04
Tmtc4	70551	mAB2714	-2,51E-01	8,40E-03
Trib3	228775	mAA3276	-4,42E-01	1,78E-03
Trmt11	73681	mAA8588	-3,23E-01	1,62E-03
Ube2v1	66589	mAA0028	-2,04E-01	6,33E-03
Uck2	80914	mAA9006	-2,10E-01	1,26E-03
Ucp2	22228	mAB3019	-5,07E-01	2,91E-04
Usmg5	66477	mAB2010	-3,60E-01	4,33E-03
Wdr20a	69641	mAA1959	-3,30E-01	2,72E-03
X83328	13929	mAB2626	-3,06E-01	2,37E-03
Xist	213742	mAB4462	-1,26E+00	4,05E-04
Zfp213	449521	mAA3850	-2,56E-01	5,90E-03
Zfp292	30046	mAA0565	-2,38E-01	2,48E-03
Zp2	22787	mAB3061	-4,08E-01	4,67E-03

#### E2F2 KO 36h Down

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P.Value
2010107G23Rik	69894	mAA5991	-2,41E-01	9,96E-03
2210012G02Rik	66526	mAB4243	-4,55E-01	1,23E-03
2310061C15Rik	66531	mAA6050	-2,00E-01	5,11E-03
2410081M15Rik	73680	mAA8859	-2,87E-01	6,18E-04
2610029G23Rik	67683	mAA1532	-2,05E-01	5,68E-03
2700038G22Rik	67194	mAA3024	-2,36E-01	3,10E-03
2810002O09Rik	72345	mAB4923	-3,55E-01	2,83E-05
2900010M23Rik	67267	mAB3503	-2,24E-01	4,59E-03
9430016H08Rik	68115	mAA0172	-2,82E-01	1,92E-03
AA407782	98763	mAA0264	-3,71E-01	4,82E-03

Aatf	56321	mAA2770	-3,00E-01	6,40E-05
Abl2	11352	mAB4828	-3,96E-01	8,83E-04
Actb	11461	mAA1057	-2,03E-01	8,71E-03
Akap9	100986	mAA3980	-2,66E-01	9,58E-03
Anp32e	66471	mAA0779	-2,18E-01	3,49E-04
Apex1	11792	mAA0636	-2,02E-01	4,85E-03
Arsb	11881	mAB2091	-2,86E-01	3,27E-03
Asf1b	66929	mAA4982	-3,51E-01	1,31E-03
Atm	11920	mAB4487	-2,61E-01	3,16E-04
Atp1a1	11928	mAA2316	-2,10E-01	4,99E-03
Aven	74268	mAA8782	-2,36E-01	1,55E-04
Aytl2	210992	mAA5383	-2,34E-01	7,12E-03
B930053N05Rik	105425	mAB2276	-3,49E-01	2,47E-03
Bccip	66165	mAB4375	-2,07E-01	8,65E-03
C79240	97531	mAA4059	-2,14E-01	1,80E-03
Cbx5	12419	mAA3041	-2,62E-01	9,33E-03
Ccar1	67500	mAA2810	-2,21E-01	8,17E-04
Ccdc86	108673	mAA4455	-2,11E-01	1,25E-03
Ccna2	12428	mAB1768	-2,77E-01	1,09E-04
Ccnb2	12442	mAA9951	-3,27E-01	8,37E-03
Ccne1	12447	mAA0687	-2,12E-01	8,10E-03
Ccnf	12449	mAA1882	-2,02E-01	1,19E-03
Cd160	54215	mAB0011	-2,90E-01	3,33E-03
Cdc2a	12534	mAA2259	-2,28E-01	1,22E-03
Cdca3	14793	mAA4100	-2,68E-01	4,28E-03
Cdkn2c	12580	mAB0818	-6,28E-01	1,60E-07
Cdv3	321022	mAA4117	-4,24E-01	8,65E-06
Cep70	68121	mAA9636	-2,43E-01	2,84E-03
Cltb	74325	mAA0501	-2,58E-01	1,65E-04
Cops7b	26895	mAA0167	-3,28E-01	1,27E-05
Cript	56724	mAB0786	-2,29E-01	1,41E-03
Cubn	65969	mAA0343	-2,57E-01	3,59E-03
D11Ertd80e	52473	mAA3614	-2,24E-01	9,23E-03
D14Ertd449e	66039	mAA5181	-3,57E-01	6,76E-03
D2Ertd612e	51922	mAA7898	-3,66E-01	1,11E-04
D3Ertd34e	52061	mAA3433	-3,86E-01	1,39E-03
D4Ertd196e	52174	mAA0518	-2,95E-01	7,01E-04
D7Ertd183e	52234	mAA3800	-2,27E-01	5,96E-03
D9Ertd306e	52203	mAA4383	-2,75E-01	4,37E-03
Dek	110052	mAA1174	-3,66E-01	6,52E-04
Depdc7	211896	mAA6091	-2,03E-01	5,13E-04
Dnaja1	15502	mAA1665	-2,36E-01	4,59E-03
Dnajc2	22791	mAA4658	-2,02E-01	2,53E-03
Dnajc8	68598	mAA7242	-2,44E-01	5,76E-03
Dph5	69740	mAA0952	-7,70E-01	9,59E-06
Drap1	66556	mAB4601	-2,49E-01	1,95E-03
Drctnnb1a	84652	mAA6302	-3,02E-01	1,62E-03
Dtymk	21915	mAA9699	-2,55E-01	7,33E-03
DXErtd223e	52197	mAA3979	-2,10E-01	5,33E-03
E2f6	50496	mAB2081	-2,64E-01	4,14E-04
Eif5a	276770	mAB1817	-2,08E-01	8,79E-04
Ephx1	13849	mAB0533	-2,77E-01	9,58E-03
Ergic1	67458	mAB0693	-2,33E-01	2,11E-03

Erh	13877	mAB0835	-2,37E-01	5,34E-03
Fbxo5	67141	mAA4816	-4,10E-01	1,70E-05
Frrs1	20321	mAA5220	-2,47E-01	3,11E-04
Fubp1	51886	mAA8609	-3,86E-01	3,70E-04
G3bp1	27041	mAB0119	-3,83E-01	1,06E-05
Gcsh	68133	mAA7771	-2,58E-01	4,73E-04
Glcci1	170772	mAB4563	-3,15E-01	6,51E-04
Glod4	67201	mAA4642	-2,85E-01	8,50E-03
Gps1	209318	mAA1088	-2,01E-01	2,25E-03
Gstm1	14862	mAB2830	-2,88E-01	2,81E-03
Hba-a1	15122	mAB1712	-2,33E-01	6,22E-03
Hmgb2	97165	mAB0769	-3,45E-01	1,01E-03
Hmgcs1	208715	mAA7548	-2,07E-01	1,89E-03
Hnrpd1	50926	mAB4052	-2,95E-01	1,77E-04
Hnrph1	59013	mAB1996	-2,41E-01	5,48E-04
Hrasls3	225845	mAA3834	-2,56E-01	8,89E-04
Idh3a	67834	mAA6548	-2,76E-01	6,39E-04
Igf2	16002	mAA2226	-2,30E-01	3,87E-03
Igfbp4	16010	mAB0130	-5,85E-01	2,26E-05
Igtp	16145	mAB5013	-2,36E-01	7,82E-03
Incenp	16319	mAA0699	-2,71E-01	7,62E-03
Irf1	16362	mAA4793	-3,18E-01	5,59E-04
Khdrbs1	20218	mAB2920	-2,55E-01	2,67E-03
Kpna2	16647	mAA1984	-2,00E-01	6,81E-04
Limd2	67803	mAA7396	-2,80E-01	1,46E-03
Litaf	56722	mAA4886	-2,03E-01	1,47E-03
LOC433368	433368	mAA0393	-3,38E-01	4,49E-03
Malat1	72289	mAA0957	-4,40E-01	8,87E-05
Map3k3	26406	mAB1460	-2,09E-01	9,48E-03
Marcks	17118	mAA2778	-2,16E-01	8,30E-03
Marcksl1	17357	mAA1470	-6,78E-01	1,02E-04
Matr3	17184	mAA1562	-2,43E-01	3,15E-03
Mgea5	76055	mAA4863	-3,40E-01	2,45E-04
Mki67ip	67949	mAA1708	-2,90E-01	5,87E-04
Mll5	69188	mAA5710	-2,69E-01	1,06E-03
Mns1	17427	mAB0825	-4,93E-01	1,06E-05
Mrps6	121022	mAA9596	-2,31E-01	3,40E-03
Nap1l1	53605	mAA1609	-2,63E-01	1,47E-03
Nasp	50927	mAA0504	-2,23E-01	1,38E-03
Ncbp2	68092	mAA4054	-2,42E-01	1,48E-03
Neil3	234258	mAA5621	-2,77E-01	5,59E-04
Nfkbiz	80859	mAA2049	-2,25E-01	2,02E-03
Nhedc2	97086	mAA4484	-2,36E-01	3,57E-03
Nolc1	70769	mAA0057	-3,04E-01	3,62E-04
Nsmce4a	67872	mAA3754	-2,57E-01	7,02E-03
Nucb1	18220	mAA4766	-2,12E-01	9,17E-04
Nudt19	110959	mAA8552	-2,33E-01	6,20E-04
Nuf2	66977	mAA9677	-3,30E-01	1,94E-03
Orc3l	50793	mAA7399	-2,74E-01	1,36E-04
Pan3	72587	mAA7886	-7,92E-01	1,10E-05
Pbk	52033	mAA0824	-2,82E-01	7,95E-04
Pbrm1	66923	mAA3254	-2,03E-01	4,63E-03
Pcna	18538	mAA1991	-3,09E-01	8,37E-03

Polr2d	69241	mAB4570	-2,58E-01	5,61E-03
Ppil5	69706	mAA5097	-2,51E-01	8,02E-05
Prpf19	28000	mAA0869	-3,13E-01	1,06E-04
Psm2	19166	mAB1674	-2,29E-01	3,49E-03
Psm1	19186	mAA4181	-2,30E-01	6,95E-04
Ptger4	19219	mAA7827	-3,27E-01	1,11E-04
Pttg1	30939	mAA6961	-2,16E-01	7,85E-03
Purb	19291	mAA2387	-3,17E-01	1,89E-04
Ranbp1	19385	mAA0498	-2,44E-01	8,57E-03
Rbl1	19650	mAB1095	-2,07E-01	9,58E-03
Rbm27	225432	mAA7660	-2,11E-01	9,60E-04
Rbm28	68272	mAA1295	-2,39E-01	1,11E-04
Rexo2	104444	mAA2262	-3,36E-01	8,65E-04
Rfk	54391	mAA7755	-2,18E-01	6,68E-03
Rnaset2b	68195	mAA4228	-3,17E-01	1,60E-03
Rnf38	73469	mAA6629	-2,04E-01	3,56E-03
Rpia	19895	mAA8755	-2,91E-01	7,04E-03
Rpo1-3	20018	mAA2032	-3,61E-01	3,84E-05
Rrm2	20135	mAA2218	-2,65E-01	1,47E-03
Rtf1	76246	mAB3157	-2,00E-01	5,76E-03
Set	56086	mAA0584	-2,02E-01	3,40E-03
Sfn	55948	mAA0152	-2,78E-01	2,51E-03
Sfpq	71514	mAA5769	-4,65E-01	3,51E-03
Sfrs2	20382	mAB3709	-2,11E-01	5,14E-03
Sfrs3	20383	mAA2377	-2,08E-01	8,46E-03
Sgms1	208449	mAA4502	-3,42E-01	4,73E-04
Sh3bgrl3	73723	mAA0608	-3,29E-01	1,89E-04
Slbp	20492	mAA1489	-3,16E-01	4,88E-03
Slc29a1	63959	mAB4413	-2,96E-01	9,65E-05
Slc6a6	21366	mAA4700	-2,38E-01	3,18E-03
Snrpb2	20639	mAA5676	-2,10E-01	2,42E-03
Sord	20322	mAA7787	-3,14E-01	1,89E-04
Srp14	20813	mAA2312	-2,47E-01	4,66E-04
Srrm2	75956	mAA0173	-4,46E-01	2,27E-04
Sssca1	56390	mAB0899	-2,00E-01	4,21E-04
Stk31	77485	mAB4130	-3,70E-01	1,65E-03
Stmn1	16765	mAB1646	-6,33E-01	5,72E-05
Tcf19	106795	mAA7090	-2,79E-01	3,85E-03
Tdgf1	21667	mAA2776	-2,26E-01	2,91E-04
Tfpi	21788	mAB2380	-2,06E-01	4,39E-03
Thoc4	21681	mAB2217	-2,06E-01	9,95E-03
Tipin	66131	mAB1233	-2,61E-01	4,44E-03
Tmem2	83921	mAA2468	-3,81E-01	2,27E-04
Tmem38b	52076	mAA3590	-2,22E-01	8,08E-03
Tmem68	72098	mAA0336	-2,17E-01	4,08E-03
Tnfrsf9	21942	mAA0367	-3,89E-01	6,31E-03
Top2a	21973	mAB3252	-2,77E-01	2,27E-04
Trim21	20821	mAB0513	-3,75E-01	1,29E-05
Trim34	94094	mAA9290	-8,75E-01	4,73E-04
Tuba1b	22143	mAA2251	-2,72E-01	2,67E-03
Tubb2c	227613	mAA2244	-2,37E-01	6,31E-03
Tubb5	22154	mAB3285	-2,12E-01	5,59E-04
Utx	22289	mAA7431	-3,16E-01	4,16E-04

Vamp3	22319	mAA2396	-2,28E-01	9,16E-03
Xist	213742	mAB4462	-8,84E-01	1,52E-06
Yif1a	68090	mAA1030	-2,12E-01	7,92E-03

### DKO 36h Down

Gene Name	EntrezGene	CNIO ID	Fold Change	P,Value
1110001A07Rik	66140	mAA3832	-2,10E-01	1,49E-03
1110007M04Rik	68493	mAA2307	-4,86E-01	5,82E-08
1200009I06Rik	74190	mAA0863	-2,77E-01	2,96E-03
1300010M03Rik	67998	mAB3755	-4,20E-01	5,71E-03
1500011K16Rik	67885	mAB1184	-2,97E-01	8,00E-04
1600021P15Rik	239796	mAB5115	-2,74E-01	5,98E-03
1600027N09Rik	73247	mAA4440	-2,47E-01	2,94E-04
1700019D03Rik	67080	mAA0186	-3,51E+00	1,93E-04
1700021C14Rik	76927	mAB1663	-3,18E-01	1,05E-04
1700029F09Rik	75623	mAA7874	-3,44E-01	1,92E-05
2010106G01Rik	66552	mAB5010	-2,38E-01	5,77E-03
2210012G02Rik	66526	mAB4243	-4,98E-01	1,46E-05
2210419I08Rik	73663	mAB0766	-8,67E-01	1,04E-05
2310002J21Rik	66360	mAA0361	-2,37E-01	8,32E-03
2310007H06Rik	75680	mAA9223	-9,82E-01	1,00E-06
2310073E15Rik	75692	mAA1299	-2,99E-01	2,25E-04
2410002F23Rik	66976	mAB3895	-2,51E-01	7,70E-05
2410002O22Rik	66975	mAA2709	-2,98E-01	4,92E-03
2410081M15Rik	73680	mAA8859	-3,82E-01	1,48E-05
2510002D24Rik	72307	mAA0102	-3,93E-01	4,81E-05
2610001J05Rik	66520	mAB2029	-2,78E-01	1,06E-03
2610008G14Rik	70320	mAA4604	-2,43E-01	3,73E-03
2610015P09Rik	212153	mAA9238	-2,27E-01	5,36E-04
2610037P13Rik	72197	mAA2766	-2,08E-01	1,59E-03
2610204K14Rik	67148	mAA7611	-2,24E-01	1,14E-04
2610529C04Rik	67075	mAA8131	-3,94E-01	3,69E-05
2700094K13Rik	72657	mAB2111	-4,38E-01	6,40E-03
2700099C18Rik	77022	mAA3559	-3,08E-01	5,92E-03
2810002O09Rik	72345	mAB4923	-4,65E-01	3,50E-04
2810004N23Rik	66523	mAA9902	-3,96E-01	7,92E-03
2810040C05Rik	72719	mAA4216	-3,78E-01	1,54E-06
2810407C02Rik	69227	mAA2697	-3,44E-01	7,17E-04
2810417H13Rik	68026	mAA0104	-2,48E-01	6,12E-04
2810474O19Rik	67246	mAA7114	-2,95E-01	4,70E-04
2900016G23Rik	78659	mAA5001	-5,38E-01	1,15E-05
2900024C23Rik	67266	mAA7554	-2,25E-01	5,55E-03
2900026A02Rik	243219	mAA1090	-2,16E-01	1,68E-03
3110005G23Rik	73067	mAA9274	-3,06E-01	2,84E-03
3230401D17Rik	66680	mAB1609	-2,11E-01	3,04E-04
4632427E13Rik	666737	mAA8133	-4,41E-01	1,90E-05
4632428N05Rik	74048	mAA0846	-2,95E-01	1,06E-05
4633401B06Rik	70828	mAA9321	-5,94E-01	2,26E-04
4833418A01Rik	75763	mAA0799	-3,72E-01	7,19E-05
4833420G17Rik	67392	mAB3347	-1,15E+00	1,67E-06

4930422I07Rik	71640	mAA6005	-2,07E-01	6,67E-03
4930565O14	330902	mAA8684	-2,23E-01	4,66E-05
4930595D18Rik	78062	mAA0055	-4,56E-01	7,27E-06
5430434G16Rik	71385	mAA9135	-5,22E-01	4,86E-06
5730449L18Rik	66637	mAA1597	-2,77E-01	6,44E-03
5730494M16Rik	66648	mAA1576	-2,34E-01	1,73E-03
5730536A07Rik	68250	mAA2462	-2,23E-01	4,54E-04
5830415L20Rik	68152	mAA6557	-3,73E-01	6,69E-03
5830436I19Rik	319946	mAA9284	-2,71E-01	5,42E-05
5830443L24Rik	76074	mAA8738	-5,23E-01	7,77E-04
5830471E12Rik	77208	mAA3066	-2,17E-01	1,78E-03
5930433N17Rik	399623	mAA4823	-2,52E-01	3,41E-03
6030458C11Rik	77877	mAB4522	-2,15E-01	3,72E-03
6330503K22Rik	101565	mAA8805	-3,52E-01	2,06E-03
6330509M23Rik	76155	mAA0151	-1,86E+00	2,26E-03
6430527G18Rik	238330	mAA9983	-2,08E-01	1,73E-03
8430406I07Rik	74528	mAA2910	-2,42E-01	1,46E-04
8430410A17Rik	232210	mAB3630	-2,36E-01	3,43E-04
9030612M13Rik	208292	mAA0923	-2,04E+00	3,32E-03
9130011J15Rik	66818	mAB3708	-2,13E-01	1,74E-04
9130227L01Rik	329159	mAA8435	-2,02E-01	7,10E-03
9130404D08Rik	74549	mAA3593	-3,14E-01	5,27E-04
9230105E10Rik	319236	mAA2038	-7,11E-01	1,98E-03
9330171B17Rik	100034360	mAA2254	-2,17E-01	8,16E-03
9430016H08Rik	68115	mAA0172	-4,06E-01	1,28E-05
9530029O12Rik	399629	mAA9315	-1,34E+00	3,46E-06
A230054D04Rik	665775	mAA6482	-5,60E-01	9,88E-08
A330009N23Rik	380977	mAB4880	-3,09E-01	6,59E-03
A430005L14Rik	97159	mAA4194	-2,31E-01	1,08E-04
A430081F14Rik	320639	mAA5165	-5,38E-01	5,69E-07
Aaas	223921	mAB4011	-3,31E-01	1,10E-03
Aak1	269774	mAA5604	-2,36E-01	1,35E-04
Aasdhppt	67618	mAA0888	-3,67E-01	1,36E-03
Aatf	56321	mAA7255	-2,89E-01	7,51E-06
Abl2	11352	mAB3321	-2,89E-01	3,11E-04
Acad8	66948	mAB3983	-2,49E-01	3,93E-03
Acot2	171210	mAA2302	-2,41E-01	4,28E-04
Acot7	70025	mAA7901	-2,00E-01	1,17E-04
Actb	11461	mAA0901	-2,74E-01	1,75E-03
Actl6a	56456	mAA6325	-3,24E-01	2,25E-03
Actr2	66713	mAA7268	-4,21E-01	3,45E-04
Adm	11535	mAA0629	-2,17E-01	4,76E-03
Adss	11566	mAA1456	-2,31E-01	9,61E-05
Agpat5	52123	mAA2964	-3,02E-01	2,70E-04
Agtrap	11610	mAA2526	-3,96E-01	4,04E-03
AI314760	106885	mAA8403	-9,95E-01	6,50E-07
AI790442	106258	mAB0748	-5,87E-01	2,10E-04
AK122525	331623	mAA8452	-4,55E-01	3,57E-06
Ak2	11637	mAA4942	-3,45E-01	6,59E-03
Akap11	219181	mAA8480	-2,97E-01	4,50E-03
Akap9	100986	mAA3980	-9,18E-01	3,88E-08
Akr1c13	27384	mAA7765	-3,47E-01	9,07E-04
Akt1s1	67605	mAA0312	-2,66E-01	6,38E-04

Amhr2	110542	mAB3534	-2,34E-01	3,45E-03
Ankrd13c	433667	mAA5914	-2,95E-01	2,88E-05
Ankrd17	81702	mAA6792	-1,09E+00	3,53E-04
Ankrd49	56503	mAA5063	-2,37E-01	8,12E-05
Anp32e	66471	mAA0779	-4,12E-01	3,83E-06
Ap1m2	11768	mAA2542	-2,78E-01	9,05E-03
Apc	11789	mAA0825	-2,76E-01	1,15E-03
Apex1	11792	mAA0636	-2,08E-01	7,79E-04
Apob	238055	mAA2546	-7,84E-01	4,99E-06
Appbp2	66884	mAB2128	-6,23E-01	1,27E-05
Arcn1	213827	mAA9919	-2,61E-01	1,09E-05
Arhgap29	214137	mAA3473	-2,10E-01	1,56E-04
Arhgef3	71704	mAA3235	-8,19E-01	2,71E-06
Arid2	77044	mAA1357	-2,36E-01	3,32E-04
Arl16	70317	mAA7236	-3,33E-01	1,09E-03
Arpc3	56378	mAB0891	-3,35E-01	3,68E-06
Arsg	74008	mAB2716	-2,97E-01	5,25E-03
Arts1	80898	mAB5499	-3,33E-01	1,35E-05
As3mt	57344	mAA7549	-2,14E-01	1,74E-04
Asf1a	66403	mAA6039	-4,52E-01	4,44E-06
Asf1b	66929	mAA4982	-3,29E-01	1,91E-04
Atg5	11793	mAA4923	-2,28E-01	1,92E-03
Atm	11920	mAB4487	-5,93E-01	8,87E-06
Atp1b1	11931	mAA1780	-2,56E-01	1,47E-03
Atp5c1	11949	mAB1037	-2,62E-01	4,99E-05
Atp7b	11979	mAA2422	-1,22E+00	8,67E-03
Atr	245000	mAA8881	-3,23E-01	1,68E-04
Atrx	22589	mAA2133	-7,18E-01	2,03E-03
AU017193	100798	mAA8677	-4,51E-01	1,86E-04
Aven	74268	mAA8782	-3,63E-01	9,90E-05
AW556253	98722	mAB4099	-6,81E-01	4,09E-04
B230112C05Rik	320557	mAA1672	-3,01E-01	7,58E-03
B3galnt2	97884	mAA4481	-3,01E-01	3,96E-05
B930006L02Rik	319604	mAA0918	-4,83E-01	6,30E-03
B930053N05Rik	105425	mAB2276	-9,45E-01	9,73E-07
Bach1	12013	mAB3640	-3,16E-01	6,98E-03
Bach2	12014	mAB2867	-2,11E+00	1,96E-06
Bat2d	226562	mAB4995	-7,40E-01	2,84E-05
Baz1a	217578	mAA8954	-2,00E+00	1,13E-11
Baz2b	407823	mAA7576	-3,97E-01	3,50E-03
Bbx	70508	mAA2478	-4,68E-01	1,65E-04
BC002199	211556	mAA3934	-2,80E-01	3,20E-03
BC016423	105203	mAB0185	-4,82E-01	4,43E-05
BC023882	231123	mAB3124	-3,59E-01	9,89E-04
BC025546	234728	mAA6290	-2,39E-01	1,89E-03
BC035044	232406	mAB4154	-3,88E-01	3,18E-06
BC037393	381695	mAB5136	-2,35E-01	1,84E-03
BC049807	381066	mAA8094	-2,28E-01	7,79E-04
Bccip	66165	mAB4375	-4,44E-01	6,50E-06
Bclaf1	72567	mAA2948	-2,95E-01	7,98E-04
Bicd2	76895	mAA5121	-2,68E-01	1,58E-04
Birc5	11799	mAA1233	-3,08E-01	5,30E-03
Birc6	12211	mAB2858	-3,39E-01	1,18E-03



Bptf	207165	mAA0129	-4,03E-01	4,50E-06
Braf	109880	mAA1393	-4,73E-01	6,14E-05
Brca2	12190	mAA6595	-7,55E-01	1,17E-06
Brd3	67382	mAB0440	-3,13E-01	9,61E-05
Brip1	237911	mAA9784	-2,01E-01	4,94E-03
Brms1	107392	mAA1286	-2,25E-01	7,65E-04
Btg2	12227	mAA5636	-3,47E-01	6,18E-03
Btk	12229	mAB5526	-2,42E-01	7,90E-04
Bub3	12237	mAA1716	-2,74E-01	1,56E-04
Bxdc1	67239	mAB3571	-2,08E-01	3,52E-03
Bxdc2	67832	mAA1201	-2,40E-01	3,34E-04
Bzw2	66912	mAA1718	-3,33E-01	3,99E-04
C030019G06Rik	320144	mAA8492	-6,66E-01	3,10E-04
C030048B08Rik	269623	mAB4679	-2,16E-01	3,08E-03
C130006E23	331563	mAB2022	-5,22E-01	4,53E-06
C130065N10Rik	319340	mAA7845	-4,67E-01	4,07E-06
C1galt1c1	59048	mAA2644	-2,68E-01	6,34E-05
C1qbp	12261	mAA0003	-2,15E-01	1,05E-03
C3	12266	mAB3299	-2,52E-01	1,25E-03
C330006A16Rik	109299	mAB2054	-3,01E-01	5,85E-04
C530043G21Rik	215015	mAA9333	-2,33E-01	2,63E-04
C76472	97784	mAA3175	-2,12E-01	7,20E-03
C78505	98146	mAA3785	-2,29E-01	6,78E-05
C79240	97531	mAA4059	-2,63E-01	7,37E-04
C79777	97536	mAA4236	-2,21E-01	1,45E-04
C85181	97613	mAA4778	-2,21E-01	3,92E-03
C85771	98123	mAA4954	-3,41E-01	1,49E-05
Cacybp	12301	mAA7552	-2,51E-01	9,50E-04
Camk2d	108058	mAB3380	-5,91E-01	4,24E-05
Capza1	12340	mAA9409	-2,64E-01	1,52E-03
Casd1	213819	mAB2827	-2,31E-01	1,65E-04
Casp3	12367	mAA8387	-3,10E-01	5,58E-05
Casp7	12369	mAB5630	-4,67E-01	1,10E-04
Cbfb	12400	mAA7585	-4,41E-01	7,04E-04
Cbl	12402	mAA6119	-2,86E-01	5,74E-05
Cbx1	12412	mAB1190	-3,29E-01	1,76E-06
Cbx3	12417	mAA2168	-2,57E-01	4,27E-03
Cbx5	12419	mAA2726	-5,13E-01	2,47E-05
Ccar1	67500	mAA2810	-1,23E+00	2,02E-07
Ccdc101	75565	mAA0481	-3,13E-01	6,11E-05
Ccdc132	73288	mAA5408	-2,02E-01	9,72E-05
Ccdc39	51938	mAA7536	-5,41E-01	7,30E-04
Ccdc55	237859	mAA5595	-5,28E-01	3,58E-06
Ccdc59	52713	mAA1175	-2,56E-01	2,43E-04
Ccdc86	108673	mAA9694	-3,92E-01	9,47E-06
Ccdc88c	68339	mAA7506	-2,19E-01	4,34E-04
Ccna2	12428	mAB1768	-2,55E-01	4,08E-03
Ccnb1	268697	mAB2006	-3,56E-01	9,77E-04
Ccnb1ip1	239083	mAA4105	-1,02E+00	5,76E-05
Ccnb2-ps	594836	mAB1320	-2,08E-01	6,46E-03
Ccnd2	12444	mAB1148	-2,26E-01	2,51E-05
Ccne1	12447	mAA0687	-3,30E-01	1,17E-04
Ccnf	12449	mAA1882	-2,26E-01	1,41E-03

Ccnh	66671	mAA0902	-2,90E-01	2,70E-03
Cd160	54215	mAB0011	-8,36E-01	5,92E-08
Cd1d1	12479	mAA7515	-2,35E-01	7,34E-03
Cdc26	66440	mAB2819	-2,42E-01	3,13E-03
Cdcp1	109332	mAA0110	-2,41E-01	5,93E-03
Cdh11	12552	mAB4276	-4,08E-01	5,04E-03
Cdh2	12558	mAB2535	-4,19E-01	2,28E-03
Cdk7	12572	mAA0184	-3,32E-01	2,58E-04
Cdkn2c	12580	mAB0818	-1,44E+00	2,57E-08
Cdv3	321022	mAA4117	-1,10E+00	9,76E-08
Cenpb	12616	mAB3960	-3,68E-01	2,58E-03
Cenpl	70454	mAB1921	-2,36E-01	9,82E-04
Cep70	68121	mAA9636	-3,17E-01	4,79E-04
Chchd4	72170	mAA2004	-3,90E-01	7,26E-05
Chd1l	68058	mAA5953	-3,10E-01	6,94E-06
Chd7	320790	mAA0222	-2,71E-01	9,77E-03
Chd8	67772	mAA8098	-3,45E-01	7,32E-06
Chordc1	66917	mAA4173	-2,08E-01	1,18E-04
Cirh1a	21771	mAA5675	-2,26E-01	2,39E-03
Clint1	216705	mAA2917	-2,09E-01	6,37E-03
Clk1	12747	mAA2532	-2,23E-01	2,61E-04
Clk4	12750	mAB3467	-2,57E-01	1,45E-04
Clpp	53895	mAA0721	-2,27E-01	4,47E-03
Cltb	74325	mAA0501	-2,73E-01	5,03E-03
Cluap1	76779	mAB2336	-2,88E-01	7,69E-03
Cmtm3	68119	mAA0492	-2,08E-01	5,67E-03
Cnbp	12785	mAB1187	-2,86E-01	4,45E-03
Cnot1	234594	mAA5095	-2,85E-01	4,54E-04
Cnot2	72068	mAA4189	-3,15E-01	4,34E-03
Cnot6	104625	mAA0033	-5,99E-01	4,05E-03
Cnot6l	231464	mAA5867	-1,12E+00	2,73E-05
Cog8	97484	mAB0834	-2,51E-01	4,73E-05
Col3a1	12825	mAB0943	-4,45E-01	2,16E-03
Col5a2	12832	mAB4936	-2,29E-01	9,50E-03
Col5a3	53867	mAA0885	-5,17E-01	1,69E-03
Cops6	26893	mAB0807	-2,14E-01	9,21E-05
Cops7b	26895	mAA0167	-1,24E+00	2,64E-09
Coq10b	67876	mAA6938	-3,75E-01	5,13E-03
Cpne3	70568	mAA1799	-3,56E-01	3,25E-03
Cpsf4	54188	mAA9550	-2,99E-01	6,70E-06
Crebbp	12914	mAA4495	-3,00E-01	2,25E-04
Crebzf	233490	mAB0777	-2,02E-01	3,15E-04
Crry	12946	mAA1697	-2,92E-01	8,77E-05
Cse1l	110750	mAA2692	-2,96E-01	7,16E-03
Csf3	12985	mAB5395	-2,54E-01	5,92E-04
Csnk1a1	93687	mAA7919	-2,36E-01	3,78E-03
Csprs	114564	mAA8310	-3,68E-01	3,84E-06
Cstf3	228410	mAA4147	-2,09E-01	1,87E-03
Ctcf	13018	mAA3755	-4,53E-01	6,07E-03
Ctnnal1	54366	mAA2413	-2,70E-01	4,16E-03
Ctr9	22083	mAA3422	-2,29E-01	4,91E-05
Cubn	65969	mAA0343	-2,53E-01	6,27E-03
Cugbp1	13046	mAA0111	-3,04E-01	2,83E-04

Cyp11a1	13070	mAA5500	-2,44E-01	1,74E-03
D030022P06Rik	546001	mAA8430	-3,91E-01	6,61E-04
D030051N19Rik	228361	mAB0505	-2,40E-01	1,02E-04
D11ErtD80e	52473	mAA3614	-3,16E-01	8,22E-05
D11Wsu173e	28129	mAA0465	-3,48E-01	5,27E-03
D12Wsu118e	28115	mAA0127	-2,36E+00	1,97E-03
D13ErtD787e	52680	mAA3384	-4,67E-01	1,21E-05
D13Wsu177e	28126	mAA1132	-2,89E-01	1,54E-03
D14ErtD449e	66039	mAA5181	-2,99E-01	2,53E-05
D17ErtD191e	51998	mAA3829	-2,02E-01	5,42E-05
D17H6S56E-5	110956	mAB1311	-3,62E-01	3,32E-05
D1ErtD646e	52383	mAA8065	-4,70E-01	5,94E-06
D2ErtD640e	51925	mAA8034	-4,27E-01	4,15E-05
D3ErtD300e	56790	mAB2605	-2,31E-01	9,03E-03
D3ErtD34e	52061	mAA3433	-6,53E-01	1,63E-05
D4ErtD196e	52174	mAA0518	-2,90E-01	6,85E-03
D4ErtD796e	52438	mAA7595	-2,29E-01	4,92E-03
D4Wsu53e	27981	mAA8835	-3,96E-01	4,91E-05
D5ErtD798e	52409	mAA8285	-3,25E-01	2,41E-05
D5Wsu152e	28022	mAA0299	-2,24E-01	6,86E-03
D5Wsu178e	28042	mAA4159	-2,33E-01	9,67E-05
D6ErtD160e	52223	mAA3695	-3,85E-01	4,97E-03
D6Wsu163e	28040	mAA7912	-2,48E-01	2,49E-05
D7ErtD443e	52315	mAA5102	-2,78E-01	5,42E-03
D8ErtD362e	52360	mAA4682	-2,41E-01	2,77E-04
D8ErtD457e	101994	mAA6176	-2,35E-01	1,01E-04
D930050J11	414326	mAA1803	-1,89E+00	1,41E-04
D9ErtD306e	52203	mAA4383	-4,77E-01	5,51E-05
Dbf4	27214	mAA3784	-2,22E-01	1,32E-03
Dbt	13171	mAA0149	-4,18E-01	1,61E-06
Dctd	320685	mAA7507	-2,31E-01	8,05E-05
Ddb2	107986	mAA6060	-2,70E-01	2,63E-04
Ddi2	68817	mAA0624	-3,28E-01	8,27E-03
Ddx18	66942	mAA0728	-2,12E-01	2,04E-04
Ddx21	56200	mAA2521	-2,75E-01	2,07E-03
Ddx27	228889	mAB1915	-4,74E-01	5,13E-03
Ddx31	227674	mAA1503	-2,11E-01	4,14E-04
Ddx3y	26900	mAA0329	-6,64E-01	1,56E-03
Ddx50	94213	mAA0180	-1,50E+00	5,41E-05
Dek	110052	mAB3163	-4,55E-01	7,98E-03
Depdc6	97998	mAA4543	-2,44E-01	4,22E-04
Dhps	330817	mAA9431	-2,08E-01	6,30E-03
Dhx15	13204	mAA2950	-2,47E-01	7,56E-03
Dhx36	72162	mAA3124	-2,77E-01	3,49E-04
Diablo	66593	mAA2263	-2,56E-01	3,17E-05
Dis3	72662	mAB1576	-2,17E-01	6,02E-04
Dkc1	245474	mAB0859	-5,07E-01	6,32E-05
Dnaja1	15502	mAA2445	-3,94E-01	4,32E-03
Dnajc15	66148	mAB4515	-2,58E-01	4,12E-03
Dnajc2	22791	mAA4658	-5,14E-01	2,91E-07
Dnmt3a	13435	mAA8233	-3,76E-01	8,95E-06
Dnmt3b	13436	mAA0218	-3,26E-01	6,07E-03
Dnttip1	76233	mAB2731	-2,54E-01	2,24E-03

Dnttip2	99480	mAB1429	-4,42E-01	2,29E-05
Dph5	69740	mAA0952	-7,15E-01	5,62E-03
Dr1	13486	mAB5089	-2,31E-01	1,57E-04
Dtl	76843	mAA9578	-2,92E-01	1,33E-05
Dtymk	21915	mAA9699	-3,69E-01	4,99E-05
DXErtd223e	52197	mAA3979	-3,86E-01	1,86E-05
Dynll2	68097	mAA5413	-2,93E-01	2,25E-04
Dynlrb1	67068	mAA1372	-2,70E-01	1,14E-03
E030031F02Rik	319689	mAA9364	-2,76E-01	9,74E-05
E2f6	50496	mAB2081	-5,11E-01	3,05E-06
E2f8	108961	mAA0192	-6,50E-01	9,92E-06
Eftud1	101592	mAA7298	-2,48E-01	3,91E-04
Eftud2	20624	mAA4467	-3,32E-01	3,38E-05
EG667823	667823	mAB3930	-3,17E-01	1,43E-04
Egr1	13653	mAA8792	-8,57E-01	3,22E-07
Ehd3	57440	mAA9265	-3,40E-01	9,08E-05
Eif2s2	67204	mAA0802	-2,39E-01	2,22E-03
Eif2s3y	26908	mAA7581	-6,00E-01	8,46E-06
Eif3e	16341	mAA2992	-2,14E-01	2,23E-04
Eif3j	78655	mAA1652	-2,72E-01	1,59E-03
Eif3s10	13669	mAA1760	-2,17E-01	9,28E-03
Eif4a1	13681	mAA1048	-2,69E-01	1,80E-04
Eif4g2	13690	mAB0809	-2,64E-01	1,74E-03
Eif5	217869	mAA1361	-3,43E-01	8,70E-04
Eif5b	226982	mAA5030	-1,11E+00	4,38E-03
Elovl6	170439	mAA3164	-2,25E-01	4,69E-03
Emg1	14791	mAB2923	-2,15E-01	1,29E-03
Emr1	13733	mAB5408	-3,23E-01	6,49E-03
Enoph1	67870	mAA4694	-2,12E-01	4,73E-03
Enpp5	83965	mAB3384	-2,81E-01	1,68E-03
ENSMUSG00000048936	553138	mAA0004	-2,14E-01	1,15E-04
Eomes	13813	mAA3397	-3,52E-01	4,14E-06
Ephx1	13849	mAB0533	-3,82E-01	4,41E-05
Eprs	107508	mAA0090	-5,29E-01	1,65E-05
Ercc1	13870	mAA1658	-3,61E-01	2,59E-03
Ergic1	67458	mAB0693	-3,94E-01	3,05E-06
Erh	13877	mAB0835	-2,74E-01	3,31E-04
Esco1	77805	mAB1149	-2,93E-01	4,66E-05
Etf1	225363	mAA8297	-2,00E-01	6,44E-03
Etnk1	75320	mAA3111	-4,74E-01	6,22E-06
Ets1	23871	mAB5403	-2,39E-01	2,05E-03
Exo1	26909	mAA4837	-2,03E-01	5,34E-03
Exoc4	20336	mAB1067	-2,60E-01	2,18E-04
Fancm	104806	mAA4668	-2,67E-01	8,01E-05
Fastkd2	75619	mAA2975	-2,63E-01	4,80E-05
Fbl	14113	mAB1606	-4,26E-01	6,34E-03
Fbxl11	225876	mAA2529	-2,25E-01	2,55E-04
Fbxo11	225055	mAA6553	-2,92E-01	1,21E-03
Fbxo5	67141	mAA4816	-6,88E-01	2,95E-07
Fcho2	218503	mAA0946	-1,95E+00	6,82E-04
Fgf9	14180	mAB5348	-2,96E-01	1,03E-04
Figf	14205	mAB5302	-5,27E-01	3,81E-07
Fndc7	320181	mAA9073	-3,57E-01	4,65E-04

Fos	14281	mAA8042	-2,71E-01	4,12E-04
Fosl1	14283	mAA0694	-2,27E-01	6,77E-03
Foxn2	14236	mAA0462	-4,07E-01	1,53E-03
Foxp1	108655	mAB5069	-3,72E-01	1,30E-03
Frrs1	20321	mAA5220	-4,03E-01	6,44E-05
Fsd1	240121	mAA3005	-2,09E-01	1,58E-03
Fubp1	51886	mAB2497	-2,56E-01	9,50E-03
Fuca2	66848	mAA1058	-3,53E-01	9,50E-03
Fusip1	14105	mAA7888	-2,97E-01	2,10E-03
Fyn	14360	mAB2379	-4,24E-01	5,42E-03
G3bp2	23881	mAA3325	-3,76E-01	3,30E-06
Galnt10	171212	mAA2405	-2,30E-01	4,16E-03
Gas2l3	237436	mAA6649	-2,97E-01	1,40E-03
Gatad2b	229542	mAA2811	-2,45E-01	9,59E-03
Gbp2	14469	mAB5547	-4,68E-01	3,88E-04
Gcap14	72972	mAA4760	-2,84E-01	1,35E-03
Gcs1	57377	mAB5153	-2,50E-01	2,33E-04
Gemin6	67242	mAA2763	-4,10E-01	8,61E-03
Ggnbp2	217039	mAA3075	-3,80E-01	1,62E-04
Ggps1	14593	mAA0522	-2,46E-01	6,38E-03
Ghdc	80860	mAA2479	-2,83E-01	2,49E-03
Glcci1	170772	mAA6041	-5,00E-01	1,24E-04
Glg1	20340	mAA4959	-2,82E-01	3,15E-04
Gm1060	381738	mAA8411	-3,92E-01	4,85E-06
Gm671	268853	mAA9213	-2,98E-01	4,25E-04
Gmfb	63985	mAA4036	-2,26E-01	9,84E-04
Gna13	14674	mAA9448	-1,20E+00	7,26E-08
Gnaq	14682	mAA0360	-3,02E-01	3,16E-03
Gnl3	30877	mAB5051	-3,26E-01	4,38E-03
Gps1	209318	mAA1088	-2,04E-01	1,33E-03
Gpx1	14775	mAA2461	-6,14E-01	4,28E-05
Gpx2	14776	mAA9430	-2,16E-01	3,08E-04
Grid2	14804	mAB4510	-3,20E-01	1,30E-03
Grwd1	101612	mAA9329	-4,29E-01	3,66E-05
Gsr	14782	mAA4037	-4,28E-01	7,39E-06
Gstm1	14862	mAB2830	-2,57E-01	2,03E-03
Gtf2f2	68705	mAB2259	-2,89E-01	1,37E-03
Gtf2h2	23894	mAA2956	-2,60E-01	5,23E-05
Gtf3c1	233863	mAA8272	-1,11E+00	3,46E-06
Gtf3c6	67371	mAA2883	-2,53E-01	7,07E-03
Gtpbp4	69237	mAA6169	-2,31E-01	1,47E-03
Guf1	231279	mAB0609	-2,38E-01	7,13E-05
H19	14955	mAB2307	-3,30E-01	7,25E-03
H2afj	232440	mAA8842	-2,40E-01	1,49E-03
H3f3b	15081	mAB2114	-3,02E-01	1,90E-03
Hba-a1	15122	mAB1998	-4,19E-01	7,29E-06
Hbb-b1	15129	mAB1304	-3,42E-01	8,60E-04
Hbb-y	15135	mAB1234	-2,70E-01	2,26E-03
Hcfc1	15161	mAA7807	-2,34E-01	1,97E-04
Hd	15194	mAB3068	-7,06E-01	1,34E-07
Hdac2	15182	mAA8506	-3,94E-01	4,27E-05
Hdac3	15183	mAB3586	-2,21E-01	1,01E-03
Hddc2	69692	mAA4877	-2,06E-01	3,18E-03

Hdgfrp3	29877	mAB3108	-2,42E-01	2,63E-03
Heatr3	234549	mAA2985	-2,86E-01	1,01E-04
Hectd1	207304	mAA8564	-7,11E-01	3,32E-07
Hecw2	329152	mAB1622	-4,26E-01	2,79E-03
Hic1	15248	mAA0334	-2,59E-01	2,38E-03
Hirip3	233876	mAB2643	-2,82E-01	6,60E-04
Hisppd1	227399	mAA2822	-5,16E-01	7,06E-04
Hist1h2ao	319171	mAA0039	-8,59E-01	5,31E-04
Hmga2	15364	mAB1783	-2,93E-01	1,33E-04
Hmgb1	15289	mAA5655	-3,27E-01	6,08E-03
Hmgb2	97165	mAB0769	-5,86E-01	1,93E-07
Hmgb3	15354	mAA2877	-2,80E-01	5,09E-03
Hmgcs1	208715	mAA7547	-3,76E-01	6,30E-03
Hmgn2	15331	mAA2995	-3,72E-01	5,92E-03
Hn1l	52009	mAB2282	-2,20E-01	9,18E-03
Hnrnpa1	15382	mAB0654	-2,71E-01	3,11E-03
Hnrnpa2b1	53379	mAB3343	-2,98E-01	1,05E-04
Hnrnpc	15381	mAA0445	-2,21E-01	5,70E-05
Hnrpa3	229279	mAA7034	-3,56E-01	6,35E-06
Hnrpd1	50926	mAA0156	-2,99E-01	5,36E-03
Hnrpf	98758	mAA1095	-2,38E-01	1,20E-03
Hnrph1	59013	mAB1996	-4,42E-01	3,47E-05
Hoxb3	15410	mAB1617	-2,64E-01	6,33E-03
Hoxc4	15423	mAB5304	-2,80E-01	1,93E-03
Hpd1	242642	mAB0222	-2,76E-01	5,25E-04
Hsp90aa1	15519	mAA2184	-2,06E-01	1,59E-03
Hspa2	15512	mAB5370	-2,51E-01	2,00E-04
Hspa8	15481	mAA2303	-2,16E-01	4,96E-03
Hspd1	15510	mAA2134	-2,54E-01	5,09E-03
Id3	15903	mAB4741	-5,73E-01	1,37E-04
Idh3a	67834	mAA1869	-2,02E-01	9,39E-05
Ifit3	15959	mAB5303	-3,70E-01	6,99E-03
Igtp	16145	mAB5013	-3,52E-01	7,76E-05
Ikbke	56489	mAB4876	-3,00E-01	1,81E-05
Il12b	16160	mAB5319	-2,21E-01	1,29E-04
Il27ra	50931	mAB5166	-2,72E-01	2,70E-03
Il6st	16195	mAB5345	-3,10E-01	1,85E-04
Imp4	27993	mAA1176	-2,81E-01	1,35E-04
Impa1	55980	mAA0842	-2,57E-01	1,46E-05
Inadl	12695	mAB0189	-3,37E-01	8,37E-04
Ints8	72656	mAA1839	-6,74E-01	2,75E-03
Iqcc	230767	mAA2493	-2,45E-01	3,28E-03
Irf1	16362	mAA4793	-2,77E-01	4,96E-05
Isca1	69046	mAA1242	-2,65E-01	3,01E-04
Isg20l1	68048	mAB3023	-3,88E-01	2,64E-05
Isg20l2	229504	mAA4473	-4,74E-01	1,90E-04
Isy1	57905	mAA2530	-2,27E-01	3,32E-03
Itgae	16407	mAB5529	-5,96E-01	5,85E-04
Itm2a	16431	mAB4376	-1,25E+00	1,16E-03
Ivns1abp	117198	mAA0339	-2,13E-01	8,29E-04
Jarid1a	214899	mAB2856	-3,36E-01	5,50E-06
Jhdm1d	338523	mAA8526	-2,03E-01	1,22E-04
Jmjd3	216850	mAA0447	-5,56E-01	2,20E-04

Josd3	75316	mAA3853	-2,13E-01	2,10E-03
Jtv1	231872	mAB3032	-2,20E-01	7,26E-04
Kbtbd8	243574	mAA5479	-4,99E-01	1,52E-06
Kctd18	51960	mAB5006	-3,37E-01	7,94E-03
Kctd4	67516	mAB0415	-5,72E-01	3,66E-05
Kif22	110033	mAA4633	-2,86E-01	2,42E-04
Kif23	71819	mAA6439	-3,03E-01	1,66E-03
Kif5b	16573	mAA3027	-1,01E+00	3,90E-06
Klf6	23849	mAA0730	-2,04E-01	1,31E-03
Klf7	93691	mAA5819	-4,32E-01	7,51E-06
Kpna2	16647	mAA4040	-2,26E-01	6,86E-04
Kras	16653	mAA4512	-2,38E-01	1,17E-04
Krcc1	57896	mAB4144	-3,20E-01	2,01E-04
Kti12	100087	mAA8652	-2,88E-01	1,20E-04
Lamp1	16783	mAB4319	-2,75E-01	9,78E-03
Larp4	207214	mAA1563	-3,05E-01	1,48E-03
Larp7	28036	mAA2963	-4,36E-01	8,02E-04
Las1l	76130	mAA0943	-5,08E-01	3,35E-04
Lcor	212391	mAB2349	-2,48E-01	4,64E-04
Leap2	259301	mAB5352	-2,06E-01	2,99E-03
Limd2	67803	mAA7396	-2,41E-01	2,65E-03
Lin7c	22343	mAA4784	-2,68E-01	7,83E-03
Lmnbl	16906	mAA1347	-3,10E-01	3,49E-04
LOC100039026	100039026	mAA4034	-2,65E-01	2,99E-05
LOC100039623	100039623	mAA0858	-2,45E-01	4,09E-03
LOC100041585	100041585	mAB4065	-4,72E-01	2,05E-04
LOC100041677	100041677	mAA8763	-3,65E-01	5,52E-04
LOC100042603	100042603	mAA1036	-2,80E-01	9,37E-06
LOC100042970	100042970	mAA4723	-2,10E-01	2,00E-03
LOC100043546	100043546	mAB2127	-4,23E-01	2,73E-03
LOC433368	433368	mAA0393	-4,29E-01	2,47E-05
LOC553089	553089	mAB3452	-7,39E-01	3,21E-03
LOC623688	623688	mAA5862	-2,72E-01	1,81E-03
LOC668482	668482	mAA9080	-2,80E-01	1,56E-05
Lsm3	67678	mAB2752	-5,14E-01	3,66E-03
Ltb	16994	mAB5539	-7,06E-01	6,69E-05
Ltf	17002	mAB0384	-2,43E-01	3,78E-03
Ltv1	353258	mAB0032	-2,58E-01	5,61E-05
Luc7l2	192196	mAA8785	-2,49E-01	5,98E-03
Lyar	17089	mAA9801	-3,54E-01	5,43E-04
Lynx1	23936	mAB2547	-3,22E-01	7,86E-03
Lyzs	17105	mAA5152	-2,58E-01	4,58E-03
M6pr	17113	mAB1111	-1,76E+00	6,44E-03
Malat1	72289	mAA7057	-2,99E-01	1,86E-05
Map1lc3b	67443	mAA8448	-2,25E-01	2,10E-04
Map3k7	26409	mAB5614	-2,21E-01	2,85E-04
Map3k7ip3	66724	mAA3815	-2,09E-01	5,69E-03
Mapre1	13589	mAA1773	-4,76E-01	7,06E-07
Marcks	17118	mAA2778	-2,59E-01	5,38E-03
Marcksl1	17357	mAA1470	-3,59E-01	5,53E-04
Mastl	67121	mAB0459	-2,18E-01	2,11E-04
Mat2a	232087	mAA2492	-6,71E-01	2,15E-05
Max	17187	mAB5458	-4,62E-01	5,93E-05

Mbnl2	105559	mAB0163	-6,33E-01	5,73E-07
Mbnl3	171170	mAA1801	-3,80E-01	1,47E-04
Mbtd1	103537	mAB2792	-2,19E-01	5,61E-03
Mdn1	100019	mAA0969	-2,57E-01	5,24E-04
Med15	94112	mAA3119	-2,10E-01	6,73E-04
Melk	17279	mAA0679	-2,98E-01	4,70E-05
Mesdc2	67943	mAA2996	-3,25E-01	6,92E-05
Mettl2	52686	mAA2430	-2,33E-01	1,03E-03
Mex3b	108797	mAB0998	-4,94E-01	2,91E-04
Mfap1a	67532	mAA3943	-3,21E-01	7,29E-03
Mfap3	216760	mAA5299	-2,90E-01	3,24E-05
Mga	29808	mAA2333	-2,84E-01	2,29E-03
Mgea5	76055	mAA4863	-8,60E-01	4,70E-08
Mical2	320878	mAA0442	-3,14E-01	5,59E-05
Mier1	71148	mAA7696	-4,65E-01	1,01E-04
Mier3	218613	mAA8112	-4,34E-01	5,40E-06
Mki67	17345	mAA2346	-3,97E-01	1,70E-03
Mki67ip	67949	mAA1708	-4,77E-01	6,78E-05
Mll3	231051	mAA5410	-2,36E-01	1,65E-03
Mll5	69188	mAA5710	-7,32E-01	5,29E-07
Mllt3	70122	mAA4480	-3,93E-01	1,58E-03
Mmp9	17395	mAA1285	-2,00E-01	9,46E-04
Mns1	17427	mAB0825	-3,73E-01	7,42E-03
Mobkl1a	68473	mAB0033	-2,56E-01	5,92E-03
Mobkl3	19070	mAA2991	-2,15E-01	7,14E-03
Mrpl15	27395	mAA2414	-2,01E-01	2,49E-04
Mrpl3	94062	mAB2302	-6,10E-01	8,64E-06
Mrpl49	18120	mAA3651	-2,02E-01	2,79E-03
Mrpl50	28028	mAA0273	-2,41E-01	8,18E-03
Mrps6	121022	mAA9596	-2,95E-01	3,82E-04
Mtap	66902	mAB3706	-3,62E-01	2,03E-04
Mtdh	67154	mAA0744	-3,46E-01	4,18E-04
Mtf2	17765	mAA3171	-5,38E-01	9,95E-07
Mttp	17777	mAA2276	-4,00E-01	5,85E-03
Mylip	218203	mAB5491	-2,47E-01	7,97E-03
Nap1l1	53605	mAA8982	-2,52E-01	1,36E-03
Nap1l4	17955	mAB0940	-2,80E-01	1,24E-04
Narg1	74838	mAA4687	-3,19E-01	4,80E-06
Nasp	50927	mAA0504	-2,80E-01	2,28E-04
Nat13	72117	mAB0812	-3,87E-01	4,37E-03
Nbn	27354	mAB5354	-3,98E-01	1,15E-03
Ncbp2	68092	mAA4054	-4,07E-01	1,13E-06
Ncl	17975	mAA2354	-4,34E-01	1,05E-03
Ncor1	20185	mAB3919	-1,14E+00	9,37E-07
Ndc80	67052	mAA3626	-3,24E-01	7,16E-03
Neil3	234258	mAA5621	-5,62E-01	2,29E-05
Neto2	74513	mAA1727	-6,68E-01	2,97E-04
Nexn	68810	mAA6782	-2,52E-01	1,59E-03
Nfat5	54446	mAA1741	-3,72E-01	2,81E-03
Nfatc2ip	18020	mAA4376	-2,90E-01	7,17E-03
Nhedc2	97086	mAA4484	-4,09E-01	1,55E-05
Nhp2l1	20826	mAB5029	-2,93E-01	2,54E-05
Nipbl	71175	mAB3517	-2,87E-01	3,76E-03



Nkrf	77286	mAA6854	-3,21E-01	2,09E-03
Nmd3	97112	mAA0546	-3,28E-01	9,16E-04
Noc4l	100608	mAA7763	-3,14E-01	1,31E-04
Nol1	110109	mAA2323	-2,33E-01	9,41E-04
Nol14	75416	mAA3002	-3,40E-01	2,69E-04
Nol5	55989	mAA2988	-1,14E+00	1,35E-07
Nolc1	70769	mAA0057	-3,20E-01	4,26E-04
Npm1	18148	mAB2978	-3,69E-01	8,98E-05
Npm3	18150	mAB2468	-7,54E-01	1,25E-06
Nr1d2	353187	mAB3018	-3,10E-01	2,78E-04
Nrap	18175	mAA1900	-2,33E-01	2,57E-03
Nrd1	230598	mAB3521	-2,58E-01	2,10E-03
Nrf1	18181	mAA7432	-2,75E-01	5,79E-04
Nrk	27206	mAA0685	-2,77E-01	4,38E-03
Nrp1	18186	mAB1693	-2,34E-01	6,27E-03
Nsd1	18193	mAA4716	-2,64E-01	1,78E-04
Nsmce4a	67872	mAA3754	-3,37E-01	1,08E-03
Nsun4	72181	mAA9221	-5,77E-01	5,86E-03
Nsun5	100609	mAA8219	-2,68E-01	2,05E-04
Nucks1	98415	mAB3509	-3,12E-01	8,74E-03
Nudcd2	52653	mAB4597	-6,08E-01	8,27E-05
Nudt19	110959	mAA8552	-3,87E-01	1,71E-06
Nudt21	68219	mAA7949	-3,10E-01	1,09E-03
Nuf2	66977	mAA9677	-3,76E-01	1,07E-05
Nufip1	27275	mAA0790	-2,85E-01	2,45E-03
Nup155	170762	mAA6468	-2,41E-01	2,19E-04
Nupl1	71844	mAA2539	-2,40E-01	2,77E-05
Nvl	67459	mAA3464	-2,39E-01	5,54E-05
Oaz2	18247	mAA8877	-2,04E-01	4,35E-04
Ogt	108155	mAA2768	-4,61E-01	7,46E-03
Orc2l	18393	mAA4384	-2,12E-01	1,01E-04
Orc3l	50793	mAA7399	-8,49E-01	3,24E-07
OTTMUSG00000007209	623796	mAA5989	-2,16E-01	1,80E-04
Otud1	71198	mAA9012	-4,15E-01	2,44E-03
Otud4	73945	mAA3995	-2,92E-01	1,87E-03
Otud6b	72201	mAA8115	-2,24E-01	5,48E-04
Pafah1b1	18472	mAA7229	-2,31E-01	1,60E-04
Pan3	72587	mAA7886	-1,18E+00	2,06E-07
Pank3	211347	mAA3241	-4,76E-01	5,69E-07
Papola	18789	mAB4318	-3,78E-01	2,63E-03
Pbk	52033	mAA0824	-5,92E-01	7,32E-07
Pbrm1	66923	mAA3254	-1,02E+00	6,22E-09
Pcna	18538	mAA1991	-2,87E-01	5,31E-03
Pdap1	231887	mAA0547	-4,09E-01	4,82E-03
Pdcd4	18569	mAA8704	-3,09E-01	1,26E-03
Pdia3	14827	mAA9235	-4,14E-01	5,95E-06
Pdrg1	68559	mAB4401	-2,00E-01	6,30E-03
Pds5a	71521	mAA8698	-2,05E-01	6,94E-04
Pdxk	216134	mAA1884	-2,26E-01	5,34E-04
Pex12	103737	mAB4888	-2,08E-01	1,43E-03
Pggt1b	225467	mAA9210	-2,15E-01	1,88E-03
Pgm2l1	70974	mAB0514	-6,65E-01	3,33E-04
Pgrmc1	53328	mAA1558	-2,53E-01	2,77E-04

Phb	18673	mAB3897	-2,23E-01	4,94E-03
Phf17	269424	mAA4254	-4,25E-01	1,55E-03
Phip	83946	mAA6942	-6,49E-01	9,36E-06
Phr1	105689	mAA6529	-2,89E-01	6,00E-04
Phtf2	68770	mAA3607	-2,05E-01	2,17E-03
Pigm	67556	mAB0937	-2,03E-01	7,80E-05
Pik3c2a	18704	mAB5164	-1,51E+00	9,71E-03
Pip5k1a	18720	mAA2173	-2,16E-01	3,20E-03
Pitrm1	69617	mAA0150	-2,53E-01	1,18E-04
Pknnox1	18771	mAB5488	-2,94E-01	1,25E-05
Plac8	231507	mAA0807	-3,42E-01	6,17E-04
Pmm2	54128	mAA1804	-2,79E-01	3,20E-03
Pnn	18949	mAA0749	-2,23E-01	1,43E-04
Pno1	66249	mAA8129	-4,33E-01	4,61E-03
Pnrc2	52830	mAB3779	-2,30E-01	1,58E-04
Pole4	66979	mAA0708	-2,08E-01	3,97E-03
Polr1e	64424	mAA2941	-2,27E-01	8,16E-03
Polr2b	231329	mAB4557	-3,51E-01	8,37E-05
Polr2d	69241	mAB4570	-3,21E-01	2,00E-05
Polr3k	67005	mAA7963	-3,25E-01	1,39E-05
Ppa1	67895	mAA0965	-2,08E-01	2,82E-03
Ppat	231327	mAA0401	-3,29E-01	6,16E-05
Ppid	67738	mAA0206	-3,07E-01	8,48E-03
Ppig	228005	mAA6897	-9,11E-01	1,08E-04
Ppil3	70225	mAA1464	-4,39E-01	1,08E-03
Ppil5	69706	mAA5097	-3,28E-01	3,21E-05
Ppm1b	19043	mAA9854	-2,07E-01	1,28E-03
Ppm1h	319468	mAA9289	-5,89E-01	3,85E-05
Ppp1r9b	217124	mAB3301	-3,14E-01	7,31E-05
Ppp2r1b	73699	mAB4625	-2,53E-01	8,62E-04
Ppp4c	56420	mAA1638	-2,06E-01	5,74E-04
Ppp4r2	232314	mAA8717	-2,80E-01	3,04E-03
Ppt1	19063	mAB2172	-2,69E-01	2,40E-04
Prl7c1	67505	mAA1705	-3,43E-01	4,00E-03
Prmt1	15469	mAA0377	-2,96E-01	8,22E-04
Prmt3	71974	mAA2176	-2,77E-01	2,55E-03
Prpf19	28000	mAA0869	-8,67E-01	6,70E-08
Prpf40a	56194	mAA1678	-4,73E-01	8,27E-05
Prps1	19139	mAA3221	-2,77E-01	1,83E-05
Pscd3	19159	mAA9112	-6,63E-01	1,08E-04
Psip1	101739	mAA8378	-6,02E-01	3,05E-06
Psm3	19167	mAA3563	-3,11E-01	6,07E-04
Psm5	26442	mAB4158	-2,10E-01	1,99E-04
Psm1	70247	mAA2922	-2,56E-01	6,27E-05
Psm11	69077	mAB0699	-2,40E-01	1,12E-05
Psm12	66997	mAA0099	-2,01E-01	1,08E-03
Psm7	17463	mAA4265	-2,11E-01	7,86E-03
Ptger4	19219	mAA7827	-7,28E-01	6,11E-09
Ptp4a1	19243	mAA2919	-2,82E-01	7,89E-04
Purb	19291	mAA2387	-1,28E+00	1,28E-07
Qk	19317	mAA6402	-6,96E-01	4,63E-06
Qtrtd1	106248	mAA2086	-5,29E-01	1,14E-05
Rabggtb	19352	mAA0705	-3,30E-01	9,63E-05

Rad1	19355	mAA0915	-2,59E-01	2,09E-03
Ralbp1	19765	mAA3786	-3,10E-01	8,83E-03
Rangrf	57785	mAA1570	-3,86E-01	6,73E-07
Rbak	57782	mAA8690	-2,72E-01	3,71E-04
Rbbp4	19646	mAB4382	-2,64E-01	3,87E-03
Rbbp6	19647	mAA3529	-2,46E-01	1,18E-03
Rbbp7	245688	mAA9740	-2,19E-01	6,50E-04
Rbl1	19650	mAB1095	-2,10E-01	2,52E-03
Rbm12	75710	mAA9001	-6,36E-01	6,69E-05
Rbm13	67920	mAB1463	-4,15E-01	2,25E-06
Rbm19	74111	mAB3148	-2,37E-01	2,07E-03
Rbm25	67039	mAA2117	-7,23E-01	3,48E-03
Rbm27	225432	mAA7660	-2,73E-01	4,82E-04
Rbm28	68272	mAA1295	-4,00E-01	9,92E-05
Rbm3	19652	mAA0927	-2,10E-01	1,03E-03
Rbm34	52202	mAA4010	-2,53E-01	1,04E-04
Rbm39	170791	mAA4490	-5,37E-01	1,08E-05
Rbm4b	66704	mAB2993	-2,88E-01	1,88E-04
Rbm8a	60365	mAB2528	-3,47E-01	1,14E-04
RbmX	19655	mAA5660	-3,05E-01	1,87E-03
Rere	68703	mAB4499	-2,04E-01	5,95E-03
Rest	19712	mAA1222	-3,39E-01	3,17E-03
Rexo2	104444	mAA2262	-4,38E-01	4,07E-06
Rfk	54391	mAA7755	-2,49E-01	2,66E-05
Rfx3	19726	mAA7433	-3,16E-01	1,37E-04
Rg9mtd1	52575	mAA5232	-3,04E-01	4,56E-04
Rg9mtd2	108943	mAA0743	-3,91E-01	1,55E-05
Rgs10	67865	mAA9759	-9,49E-01	1,72E-09
Rif1	51869	mAB1598	-3,78E-01	9,40E-03
Riok2	67045	mAA2581	-4,67E-01	3,81E-07
Rmi1	74386	mAB5172	-2,35E-01	8,26E-03
Rnf103	22644	mAA8368	-2,96E-01	3,44E-03
Rnf12	19820	mAB3151	-2,98E-01	3,29E-03
Rnf149	67702	mAA3245	-3,75E-01	1,58E-03
Rnf168	70238	mAA1890	-2,37E-01	1,01E-04
Rnf19a	30945	mAB4599	-2,44E-01	3,58E-04
Rnf2	19821	mAA5741	-2,35E-01	4,88E-03
Rnf38	73469	mAA6629	-3,68E-01	2,72E-05
Rock1	19877	mAA6560	-3,56E-01	2,67E-04
Rpia	19895	mAA8755	-2,72E-01	5,39E-04
Rpl7l1	66229	mAA2174	-2,56E-01	7,17E-03
Rpl9	20005	mAB0664	-2,73E-01	9,10E-03
Rpo1-3	20018	mAA2032	-2,10E-01	1,14E-03
Rpp14	67053	mAA0709	-2,21E-01	1,86E-04
Rpp30	54364	mAA4673	-2,25E-01	9,82E-04
Rps6kb1	72508	mAA5151	-3,11E-01	1,97E-03
Rrbp1	81910	mAA9224	-1,30E+00	2,62E-07
Rrm2	20135	mAA0253	-3,41E-01	4,51E-05
Rrp15	67223	mAA1450	-4,74E-01	7,29E-03
Rrs1	59014	mAA1494	-4,00E-01	7,46E-04
Rsb1	229675	mAB0703	-3,27E-01	3,54E-03
Rsl1d1	66409	mAB1890	-2,75E-01	9,85E-03
Rtf1	76246	mAB3157	-3,23E-01	5,04E-05

Rtn4	68585	mAB0336	-1,17E+00	5,57E-08
Rwdd4a	192174	mAA5327	-2,19E-01	1,28E-04
Rybp	56353	mAA2011	-2,11E-01	5,67E-04
Sae1	56459	mAA2232	-4,45E-01	1,69E-03
Sall2	50524	mAB5216	-2,12E-01	9,96E-03
Sbno1	243272	mAA2769	-1,03E+00	3,04E-04
Serbp1	66870	mAA6736	-2,11E-01	3,29E-03
Serinc3	26943	mAB2900	-5,50E-01	2,34E-04
Set	56086	mAA2513	-3,59E-01	2,01E-04
Sf3a3	75062	mAA3023	-2,92E-01	8,84E-03
Sf3b1	81898	mAB4472	-6,53E-01	1,60E-07
Sfi1	78887	mAB4562	-3,66E-01	1,58E-04
Sfmbt1	54650	mAA8990	-2,45E-01	3,53E-04
Sfn	55948	mAA0152	-3,25E-01	1,76E-04
Sfpq	71514	mAA5769	-9,58E-01	1,30E-08
Sfrs1	110809	mAA9973	-2,06E-01	1,05E-03
Sfrs10	20462	mAB4392	-2,77E-01	4,05E-05
Sfrs2	20382	mAB3709	-3,29E-01	1,14E-05
Sfrs3	20383	mAA2240	-3,33E-01	4,38E-04
Sfrs5	20384	mAB1569	-4,51E-01	7,84E-04
Sfrs6	67996	mAB5240	-4,70E-01	2,06E-05
Sfrs7	225027	mAB1425	-2,09E-01	4,28E-05
Sgol2	68549	mAA3138	-2,24E-01	1,96E-03
Shcbp1	20419	mAA5419	-3,39E-01	5,70E-04
Shmt1	20425	mAA3773	-4,25E-01	1,53E-05
Shroom2	110380	mAA1932	-2,80E-01	2,28E-03
Siah1a	20437	mAA7992	-3,01E-01	6,62E-04
Six3	20473	mAB5322	-2,34E-01	5,25E-03
Skap1	78473	mAB4187	-2,44E-01	1,74E-03
Skiv2l2	72198	mAA2491	-2,59E-01	9,57E-03
Skp1a	21402	mAA2160	-4,26E-01	5,90E-03
Slbp	20492	mAB0752	-2,72E-01	3,19E-04
Slc29a1	63959	mAB4413	-5,66E-01	3,91E-07
Slc2a1	20525	mAA1423	-2,27E-01	4,67E-03
Slc2a5	56485	mAB5632	-2,65E-01	1,34E-03
Slc35a1	24060	mAA1152	-2,06E-01	3,92E-03
Slc35a4	67843	mAA1645	-2,37E-01	6,47E-05
Slc35b4	58246	mAA1513	-2,32E-01	4,34E-03
Slc5a6	330064	mAA6985	-3,67E-01	1,06E-04
Sltm	66660	mAB4662	-4,89E-01	4,54E-06
Smarca4	20586	mAB5225	-5,00E-01	2,61E-07
Smarcad1	13990	mAA1056	-2,19E-01	3,55E-03
Smarcc1	20588	mAA2523	-2,22E-01	3,14E-03
Smc1a	24061	mAA0868	-2,52E-01	7,59E-03
Smc2	14211	mAA2602	-1,10E+00	1,13E-05
Smc4	70099	mAA1187	-6,35E-01	5,46E-07
Smc6	67241	mAA6083	-5,19E-01	4,94E-05
Smek2	104570	mAA6998	-3,05E-01	4,28E-05
Smpd13b	100340	mAA1340	-3,09E-01	1,17E-04
Smu1	74255	mAA9668	-2,32E-01	2,55E-04
Smyd4	319822	mAA0935	-7,50E-01	3,09E-05
Snrpb2	20639	mAA5676	-2,35E-01	6,57E-04
Snx9	66616	mAA2401	-2,84E-01	9,03E-04

Sos1	20662	mAB2538	-3,40E-01	5,10E-03
Sp1	20683	mAA0928	-2,00E-01	7,34E-03
Spc25	66442	mAA6728	-2,37E-01	3,70E-03
Sptlc1	268656	mAB2361	-3,17E-01	2,28E-04
Srm	20810	mAA4589	-4,27E-01	5,36E-04
Srrm2	75956	mAA0173	-7,90E-01	3,09E-06
Ss18	268996	mAB0114	-2,04E-01	1,59E-03
Ssb	20823	mAA2113	-3,47E-01	1,82E-03
Ssbp2	66970	mAA6124	-2,26E-01	2,91E-04
Sssca1	56390	mAB0899	-2,97E-01	3,56E-05
Stat1	20846	mAA0344	-4,49E-01	7,90E-03
Stim2	116873	mAB5119	-2,86E-01	2,83E-03
Stk31	77485	mAB4130	-3,69E-01	1,48E-03
Stmn1	16765	mAB1646	-6,56E-01	2,39E-05
Surf2	20931	mAA0485	-2,18E-01	3,25E-04
Syncrip	56403	mAA2626	-3,21E-01	1,62E-03
Tada2l	217031	mAA2743	-2,37E-01	2,19E-04
Taf1	270627	mAA8200	-2,14E-01	6,33E-04
Taf12	66464	mAB4427	-2,13E-01	4,05E-03
Taf13	99730	mAA1568	-2,32E-01	3,21E-04
Taf1a	21339	mAB0402	-2,38E-01	6,42E-03
Taf3	209361	mAA6274	-3,64E-01	6,46E-05
Taf7	24074	mAA6775	-3,77E-01	2,20E-04
Tagap1	380608	mAB5475	-2,69E-01	4,43E-04
Taok1	216965	mAA6827	-4,01E-01	4,49E-05
Tardbp	230908	mAA4749	-2,12E-01	8,07E-03
Tbc1d24	224617	mAA4416	-3,69E-01	1,90E-03
Tbl1x	21372	mAA3868	-5,55E-01	1,70E-04
Tbp	21374	mAA2412	-2,18E-01	5,23E-03
Tcf12	21406	mAB2768	-6,63E-01	5,67E-03
Tcf19	106795	mAA7090	-3,55E-01	6,68E-05
Tcf4	21413	mAB0895	-2,47E-01	4,03E-04
Tdgf1	21667	mAA2776	-3,68E-01	6,00E-05
Tdrd9	74691	mAB4592	-3,64E-01	3,05E-03
Tex10	269536	mAB4002	-4,19E-01	1,33E-06
Tfb2m	15278	mAB0196	-2,45E-01	3,24E-05
Tfpi	21788	mAB2380	-2,96E-01	2,77E-04
Tfrc	22042	mAA8220	-2,02E-01	1,06E-03
Tgfbr1	21812	mAA8675	-9,54E-01	1,31E-07
Tgfbr2	21813	mAB5278	-2,84E-01	9,45E-06
Tgif2	228839	mAB2289	-2,44E-01	9,90E-05
Thap2	66816	mAB1368	-6,68E-01	9,99E-05
Thg1l	66628	mAB1581	-1,37E+00	2,71E-06
Thpo	21832	mAB5631	-2,37E-01	3,19E-03
Thrap3	230753	mAB3587	-6,33E-01	1,57E-04
Thumpd3	14911	mAA4160	-2,14E-01	6,99E-03
Timm50	66525	mAA8966	-3,99E-01	5,50E-06
Timm8a1	30058	mAA0748	-2,40E-01	5,62E-05
Timm8a2	223262	mAA4555	-2,67E-01	1,84E-04
Tipin	66131	mAB1233	-3,32E-01	3,19E-05
Tle4	21888	mAA9875	-2,96E-01	1,72E-04
Tlk2	24086	mAB1672	-6,15E-01	5,74E-05
Tmed5	73130	mAA7675	-3,50E-01	1,20E-03

Tmem19	67226	mAB2104	-2,33E-01	4,87E-03
Tmem32	236792	mAB0782	-2,55E-01	1,13E-04
Tmem41b	233724	mAA3574	-3,53E-01	8,09E-04
Tmem49	75909	mAA5342	-2,58E-01	3,01E-03
Tmem66	67887	mAA0857	-4,43E-01	5,25E-06
Tmem68	72098	mAA0336	-3,54E-01	6,75E-05
Tmem93	66048	mAA0945	-2,09E-01	4,41E-04
Tmod2	50876	mAA5092	-2,04E-01	9,72E-04
Tmpo	21917	mAB1922	-2,68E-01	8,94E-03
Tmtc4	70551	mAB2714	-2,23E-01	4,34E-03
Tnf	21926	mAB5505	-6,64E-01	9,98E-08
Tnfsf11	21943	mAB5305	-4,08E-01	8,13E-04
Tomm20	67952	mAA3634	-2,82E-01	4,02E-04
Top2a	21973	mAB3252	-2,59E-01	3,40E-05
Top2b	21974	mAB1698	-2,23E-01	2,76E-04
Tpm4	326618	mAA1893	-1,48E+00	1,35E-05
Tpr	108989	mAA4301	-1,23E+00	6,22E-09
Tprkb	69786	mAA0169	-6,27E-01	1,16E-03
Tra2a	101214	mAA6861	-2,36E-01	4,07E-03
Trib1	211770	mAB1454	-3,19E-01	1,18E-03
Trim21	20821	mAB0513	-4,20E-01	2,27E-05
Trim34	94094	mAA9290	-1,10E+00	4,70E-08
Trim37	68729	mAB0629	-2,11E-01	1,53E-04
Trim59	66949	mAB4265	-4,35E-01	1,97E-03
Trmt11	73681	mAA8588	-2,93E-01	5,82E-04
Trmt6	66926	mAA8429	-3,05E-01	4,70E-05
Trnt1	70047	mAA0884	-3,08E-01	7,13E-05
Tshz1	110796	mAA6247	-2,39E-01	8,00E-03
Tsr1	104662	mAA1436	-3,70E-01	1,75E-03
Tsr2	69499	mAA8320	-5,40E-01	1,60E-05
Ttc9c	70387	mAA0850	-3,14E-01	3,56E-04
Ttrap	56196	mAA8089	-2,00E-01	7,28E-03
Tubb5	22154	mAA2729	-2,02E-01	7,74E-04
Txk	22165	mAB5572	-2,18E-01	1,41E-04
Txndc13	52837	mAB2576	-2,16E-01	8,40E-03
Ubap2l	74383	mAA3373	-3,18E-01	8,53E-05
Ube2i	22196	mAA2489	-5,65E-01	8,13E-04
Ube2v2	70620	mAA0545	-4,27E-01	2,30E-05
Ubqln2	54609	mAA9975	-2,32E-01	6,42E-03
Ugcg	22234	mAB5433	-2,29E-01	7,49E-03
Umps	22247	mAA0368	-3,12E-01	5,28E-04
Usmg5	66477	mAB2010	-2,71E-01	5,74E-03
Uso1	56041	mAA6708	-2,07E-01	1,96E-04
Usp34	17847	mAB3365	-2,74E-01	1,16E-04
Usp40	227334	mAA3283	-2,08E-01	4,83E-04
Usp53	99526	mAB5052	-2,59E-01	2,44E-03
Usp9x	22284	mAB4610	-2,85E-01	1,93E-05
Utp15	105372	mAA1451	-2,56E-01	1,23E-04
Utp18	217109	mAA4777	-3,63E-01	4,88E-04
Utx	22289	mAA7431	-6,54E-01	1,99E-06
Vamp3	22319	mAA2396	-2,75E-01	2,76E-05
Vps37a	52348	mAA5966	-3,94E-01	3,57E-06
Wac	225131	mAA3300	-3,03E-01	6,02E-04

Wbscr22	66138	mAA6984	-2,01E-01	2,69E-04
Wdr18	216156	mAA9805	-2,36E-01	9,09E-04
Wdr20a	69641	mAA1959	-2,63E-01	2,42E-03
Wdr26	226757	mAA6166	-2,26E-01	3,46E-03
Wdr3	269470	mAA0767	-3,16E-01	8,10E-03
Wdr46	57315	mAA3765	-3,31E-01	5,36E-03
Wdr68	71833	mAB4641	-3,37E-01	1,22E-04
Wdr75	73674	mAB4511	-2,50E-01	9,16E-03
Wdr77	70465	mAA7739	-3,67E-01	3,35E-06
Wibg	78428	mAA1722	-2,90E-01	5,52E-04
Wnk1	232341	mAA4701	-9,65E-01	1,28E-05
Xab1	74254	mAA2356	-3,08E-01	7,29E-03
Xpo4	57258	mAA6144	-2,99E-01	6,49E-03
Xrcc5	22596	mAA2578	-4,19E-01	7,47E-04
Xrn2	24128	mAA2972	-4,09E-01	9,73E-07
Yif1a	68090	mAA1030	-4,09E-01	1,58E-05
Zcchc17	619605	mAB1461	-2,88E-01	5,28E-03
Zcchc6	214290	mAA5661	-4,39E-01	4,94E-05
Zdhhc20	75965	mAB4174	-5,66E-01	2,02E-07
Zfml	18139	mAA2694	-2,62E-01	1,51E-04
Zfp213	449521	mAA3850	-2,01E-01	4,86E-04
Zfp277	246196	mAA9442	-2,11E-01	1,17E-03
Zfp292	30046	mAA0565	-2,68E-01	2,05E-04
Zfp410	52708	mAB4322	-3,41E-01	8,66E-05
zfp507	668501	mAA5785	-3,06E-01	1,66E-03
Zfp568	243905	mAA7308	-2,36E-01	7,58E-03
Zfp706	68036	mAA9561	-2,62E-01	1,40E-03
Zfp809	235047	mAA2591	-3,49E-01	1,63E-03
Zfp91	109910	mAA6596	-4,29E-01	1,76E-04
Zmym6	100177	mAA0017	-2,49E-01	2,04E-04
Zp2	22787	mAB3061	-3,41E-01	3,30E-03
Zwint	52696	mAA2549	-2,19E-01	2,54E-04
Zzz3	108946	mAB4001	-2,92E-01	1,23E-03

---

Table 3. Primer sequences of the gene promoters analyzed by chromatin immunoprecipitation

### Semiquantitative PCR

Gene Name	Gene	Primer sequences (5'->3')	Product size (bp)
Cell division cycle 2 homolog A	Cdc2a	F: ACAGAGCTCAAGAGTCAGTTGGC R: CGCCAATCCGATTGCACGTAGA	154
Cell division cycle 6 homolog	Cdc6	F: TTTTACGGTGGTGATCGAGA R: CTCAGACCCCAGGCGATTT	146
Checkpoint kinase 1 homolog	Chk1	F: GCGGTCGGTCTACTGAAGTC R: CACAGGAATCCAAATGCACA	146
Minichromosome maintenance deficient 2 mitotin	Mcm2	F: CGGGTCACGTGGTCTAGTTT R: AGAGGAAGATACCGGCCAAG	142

### Q-PCR

Gene Name	Gene	Primer sequences (5'->3')	Product size (bp)
Cell division cycle 2 homolog A	Cdc2a	F: GGACGATATTGGAAGGAAAACAGA R: GGCCAGAGGAATTGCAGGA	68
Cell division cycle 6 homolog	Cdc6	F: CAGCTGCTGTAGAATTTGTGGC R: ACTCCTCGCGTCTCGATCAC	59
Checkpoint kinase 1 homolog	Chk1	F: CAGAGGTGTGCGCTTTTGC R: CTGTTTCAGGACGCCCTTCTC	119
Minichromosome maintenance deficient 2 mitotin	Mcm2	F: TCCGCTCTAGATTGACGAGGA R: CGAAAACACTAGACCACGTGACCC	85
Minichromosome maintenance deficient 6	Mcm6	F: CAAAAGCTTCATGGCGTATGC R: CAGCCAATAACAGGGTAGGAGC	125
Actin, beta	Actb	F: GGGAGTGACTCTCTGTCCATTCA R: ACCCTATTTGTGTGGCCTCTTG	70